

R을 이용한 기초통계학

5강: 추정과 가설검정

수원대학교 데이터과학부 김 진 흠 서울대학교보건환경연구소이 보 라

EDIMONED DNY EDITENED LADITEITATE MI ETUTITEMI MAIEA 401 ent

추정

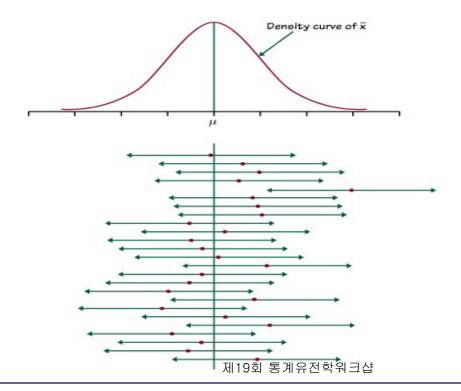
- 관심 있는 미지의 수값(=모수, parameter)을 주어진 자료로부터 추정하는 것
- 점추정: 모수를 **한 값**으로 추정하는 것
 - 모평균 ← 표본평균
 - 모비율 ← 표본비율
- 구간추정: 모수가 포함될 <mark>구간</mark>을 추정
 - 95% 신뢰구간

구간추정

- 모수가 포함될 구간을 추정
- 100 × (1 α)% 신뢰구간(confidence interval: CI)
 - $P[L < \theta < U] = 1 \alpha$
 - \blacksquare L과 U는 주어진 자료로부터 추정
- ■방법
 - 추정량 \pm (추정량 분포의 상위 누적확률 $\frac{\alpha}{2}$ 에 해당하는 값) \times (추정량의 표준오차)

신뢰구간의 뜻

■ 95% 신뢰구간의 해석: "100개의 data set으로부터 100개의 서로 다른 신뢰구간을 구했을 때 이 중에서 95개 정도는 미지의 모수를 포함한다"



모평균에 대한 점추정

- 모수: μ
- Data: $X_1, ..., X_n \sim iid(\mu, \sigma^2), \sigma^2$: unknown
- 점추정량: $\hat{\mu} = \bar{X}$
- 표준오차(standard error; SE): $SE(\hat{\mu}) = \sqrt{Var(\hat{\mu})} = \sqrt{Var(\bar{X})} = \frac{\sigma}{\sqrt{n}}$
- $\sigma \leftarrow S$:표본표준편차

모평균에 대한 구간추정

When population is normal,

$$\bar{X} \pm t_{\frac{\alpha}{2}}(n-1) \times SE(\bar{X})$$

- $t_{\alpha}(n)$: 자유도가 n인 t-분포에서 상위 누적확률 α 에 해당하는 값
- When n: large, by CLT

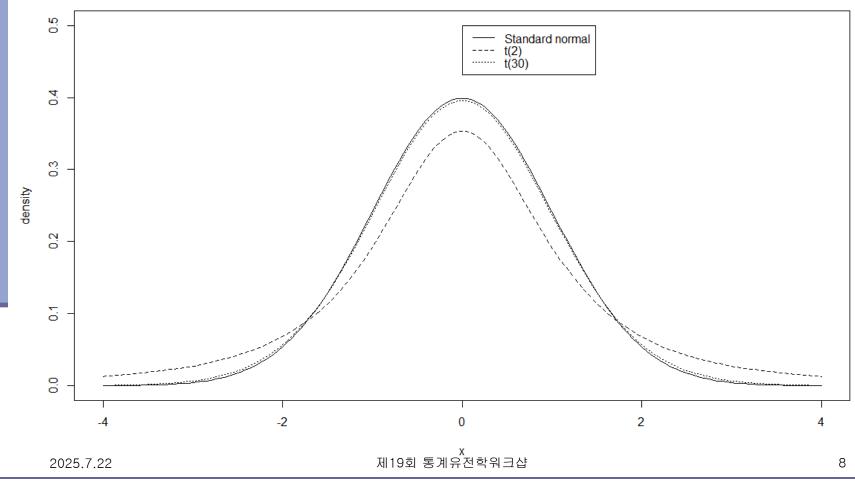
$$\bar{X} \pm \frac{\mathbf{Z}\alpha}{2} \times \mathrm{SE}(\bar{X})$$

t -분포

→ R code로 이동

```
> x <- seq(-4,4,by = 0.05)
> Std.Normal <- dnorm(x)
> t2 <- dt(x,df = 2)
> t30 <- dt(x,df = 30)
> plot(x,Std.Normal,type = "l",ylim = c(0,0.5),ylab = "density")
> lines(x,t2,lty = 2)
> lines(x,t30,lty = 3)
> legend(0,0.5,lty = 1:3,c("Standard normal","t(2)","t(30)"))
```

t -분포

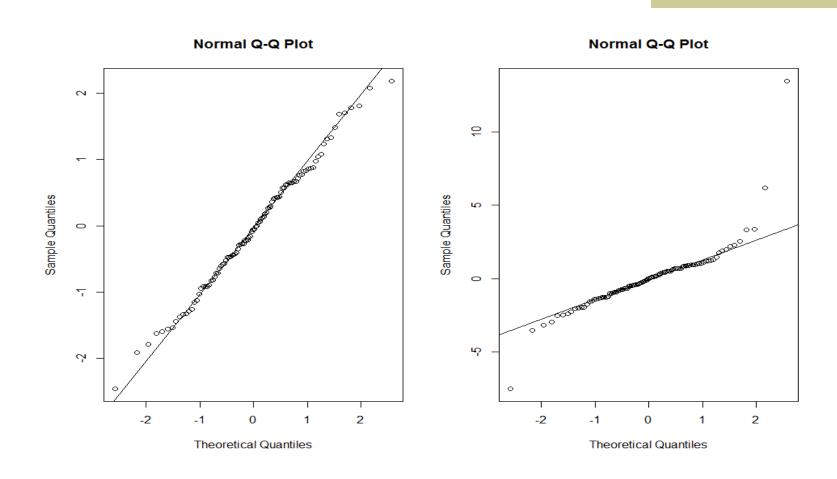


INTRODUCTORY STATISTICS USING R

QQ plot of N(0,1) and t(2)

```
> par(mfrow = c(1,2))
> r.normal <- rnorm(100)
> r.t <- rt(100,df = 2)
> qqnorm(r.normal); qqline(r.normal)
> qqnorm(r.t); qqline(r.t)
```

QQ plot of N(0,1) and t(2)



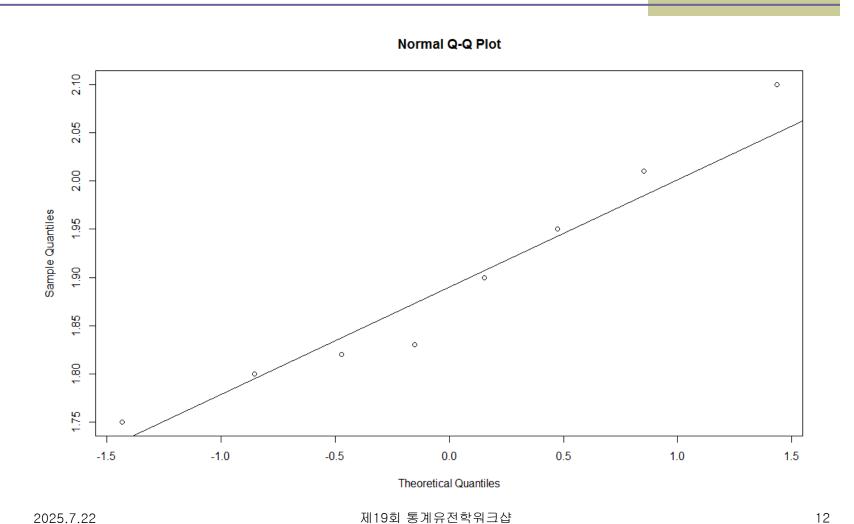
2025.7.22 제19회 통계유전학워크샵 10

t.test() 함수 다루기

```
> ozs <- c(1.95,1.80,2.10,1.82,1.75,2.01,1.83,1.90)
> t.test(ozs,conf.level = 0.8)
        One Sample t-test
data:
     075
t = 45.253, df = 7, p-value = 6.724e-10
alternative hypothesis: true mean is not equal to 0
80 percent confidence interval:
1.835749 1.954251
sample estimates:
mean of x
    1.895
```

> qqnorm(ozs); qqline(ozs) approximately linear

t.test() 함수 다루기



비모수 구간추정

- 언제 필요한가? 자료의 크기가 작고, 정규성에서 많이 벗어날 때
- wilcox.test() 함수 이용: 모집단의 분포가 대칭성을 만족할 때 타당!
- 대칭성을 **만족하지 못할** 때는 sign test에 기초한 구간추정 방법 이용

For the top 200 CEOs' pay in 2000 → R code로 이동

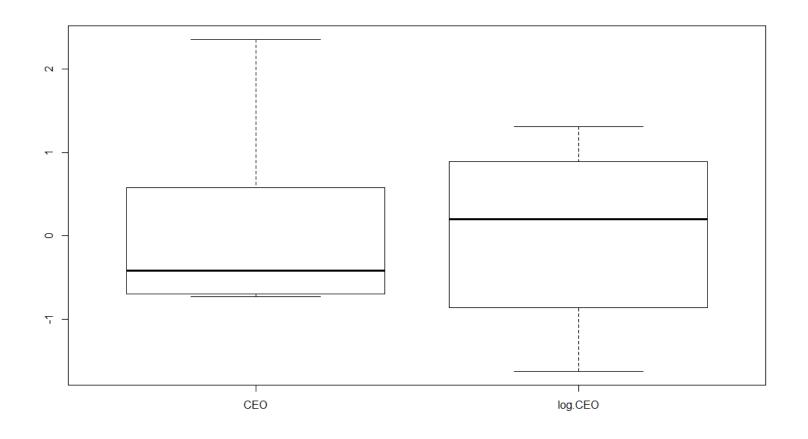
> pay.00 < c(110,12,2.5,98,1017,540,54,4.3,150,432)

wilcox.test(log(pay.00),conf.int = TRUE,conf.level=0.9)

```
Wilcoxon signed rank test
data: log(pay.00)
V = 55, p-value = 0.001953
alternative hypothesis: true location is not equal to 0
90 percent confidence interval:
2.963463 5.539530
sample estimates:
(pseudo)median
      4.344732
> \exp(c(2.963,5,540))
    1.935595e+01
[2] 1.484132e+02
[3] 3.303849e+234
> boxplot(list(scale(pay.00),scale(log(pay.00))),names=c("CEO","log.CEO"))

2025.7.22
```

For the top 200 CEOs' pay in 2000



가설검정

 Idea: 어떤 가설이 '옳다'는 것을 증명하기는 어려우나 '틀리다'는 것을 증명하기는 쉬움.
 그 이유는 틀린 사례를 찾으면 되기 때문에!

대립가설(alternative hypothesis)	귀무가설(null hypothesis)	
H_1	H_0	
연구의 주된 목적이 되는 가설	목적과 반대되는 가설	
'옳다'고 주장하고 싶은 가설	'틀리다'고 주장하고 싶은 가설	

2025.7.22 제19회 통계유전학워크샵 16

가설검정의 원리

- '가짜 가설 (H_0) 이 틀리다'는 것을 보임으로써 '주장하고 싶은 가설 (H_1) 이 옳다'는 것을 증명
- '*H*₀가 옳다'고 가정한 후에 **모순**(contradiction)을 유도하는 방법

두 종류의 오류

- ■검정 결과는 H_0 을 기각(reject) 또는 기각 안함(accept)
- ■두 종류의 오류가 있음

실제현상 검정결과	<i>H</i> ₀ 이 사실	<i>H</i> ₁ 이 사실
H_0 을 기각 안함	옳은 결정	Type II Error
H_0 을 기각	Type I Error	옳은 결정

유의수준과 검정력

- $P_I = P(H_0 \cong 1 \lor H_0)$ "false positive rate(위양률)"
- $P_{II} = P(H_0)$ 을 기각 안 함 $|H_1|$ "false negative rate(위음률)"
 - $= 1 P(H_0 을 기각|H_1)$ = 1 - Power
- $lacksymbol{\blacksquare}$ 좋은 검정법은 P_I 을 작게 하고 P_{II} 를 작게 하는 검정법
- P_1 의 <mark>상한값</mark>을 정해 놓고 그 값을 만족하는 검정법 중에서 P_{11} 를 작게 하는 검정법을 선택
- 유의수준(significance level, α): P_I 의 상한값. α = 0.01, 0.05, 0.1

유의확률(P-값)

■ P-값은 " H_0 이 참일 때, 현재 관측된 값이상으로 H_1 을 지지할 결과가 나올 확률"이며, 작을수록 H_0 을 기각할 근거가 강해짐

유의성 검정 절차

- $\blacksquare H_0$ 과 H_1 을 선택
 - $lacksymbol{\blacksquare}$ 주장하고 싶은 가설은 H_1
- 유의수준 결정
- 자료 수집 및 검정통계량 계산
- *P* -값 계산
- 결론
 - P-값 $< \alpha \rightarrow H_0$ 를 기각
 - P-값 $\geq \alpha \rightarrow H_0$ 를 기각하지 못함

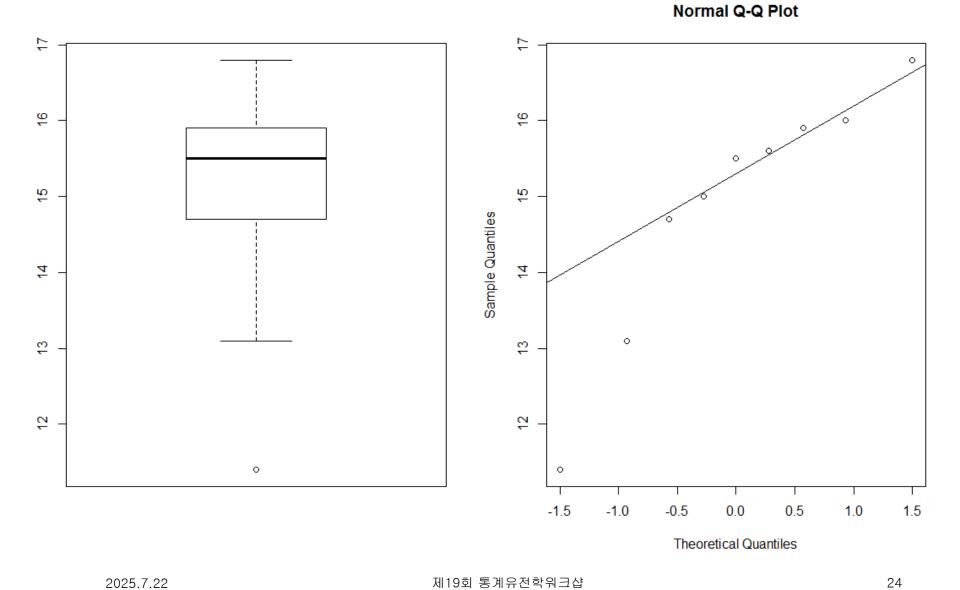
모평균에 대한 유의성 검정

- Hypothesis: $H_0: \mu = \mu_0$ vs. $H_1: \mu \neq \mu_0$
- Test statistic: $T = \frac{\bar{X} \mu_0}{\frac{S}{\sqrt{n}}}$
- Null distribution:
 - When normal population, $T \sim t(n-1)$
 - When large sample, $T \sim N(0,1)$
- P-값: $P(|T| \ge |t_0||H_0)$

Does the actual mpg of a new SUV match the advertised 17mpg?

```
→ R code로 이동
> mpg <- c(11.4,13.1,14.7,15.0,15.5,15.6,15.9,16.0,16.8)
 t.test(mpg,mu = 17,alt = "less")
        One Sample t-test
data:
      mpg
t = -3.8011, df = 8,
p-value = 0.002614
alternative hypothesis: true mean is less than 17
95 percent confidence interval:
     -Inf 15.92166
sample estimates:
mean of x
 14.88889
```

> par(mfrow = c(1,2))
> boxplot(mpg); qqnorm(mpg); qqline(mpg)



비모수 방법: 부호순위검정

- Hypothesis: H_0 : mediam = m_0 대 H_1 : median $\neq m_0$
- Test statistic
 - $W^+ = \sum_{i:X_i > m_0} \operatorname{rank}(|X_i m_0|)$
- Null distribution: Follows a discrete distribution
- P-값: $2 \times P(W^+ \ge \max(w_0^+, 2M w_0^+)|H_0)$
 - $M = \frac{n(n+1)}{4}$



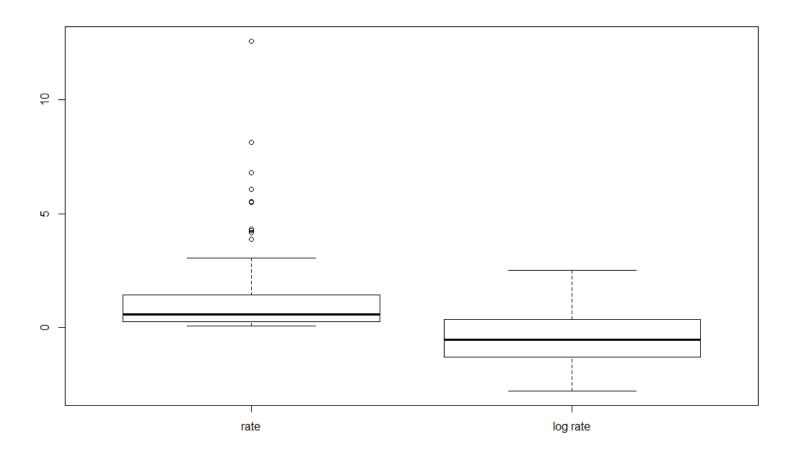
Signed rank test for the number of recruitments → R code로 이동

> library(UsingR) > salmon.rate 0.0032957090 0.0045423985 0.0013499171 0.0053712171 0.0007302881 0.0079389928 0.0012448352 0.0119910491 0.0060911195 0.0020834481 0.0016403706 0.0078468743 0.0009929378 0.0032190597 0.0119298698 0.1257444561 0.0012397337 0.0052303656 0.0027723679 0.0027207213 0.0058788433 0.0032394675 0.0607477124 0.0277212451 Г317 0.0051846602 0.0019769926 0.0129629634 0.0071289647 0.0069694656 0.0305683227 0.0010909469 0.0219024030 0.0019444685 0.0025799307 0.0067309012 0.0181346222 0.0021727548 0.0115980875 0.0030833961 0.0040328250 0.0015227455 0.0389437874 0.0033940044 0.0182083964 0.0015692376 0.0017217865 0.0019702113 0.0079029624 **[49]** Γ557 0.0049259929 0.0089105039 0.0115364575 0.0240510046 0.0009342104 0.0206367805 0.0085526033 0.0068403764 0.0262958709 0.0031215829 0.0040817614 0.0104582401 0.0811382070 0.0039190238 0.0032196817 0.0551593492 0.0160465372 0.0019534335 0.0426852284 0.0029152562 0.0074490351 0.0054607565 0.0213064378 0.0079174646

0.0432410779 0.0084867735 0.0216046367 0.0052675222 0.0048499662

Signed rank test for the number of recruits

Signed rank test for the number of recruits



정규성 검토

- Graph
 - 줄기-잎-그림: 대칭적?
 - 상자그림: 대칭적?
 - Normal probability plot: 직선?
- Goodness-of-fit 검정
 - $\blacksquare H_0$: 자료가 정규분포를 따른다
 - P-값 > 0.05 $\rightarrow H_0$ 기각 안함

실습: 정규성 검토

→ R code로 이동

■ 줄기-잎-그림

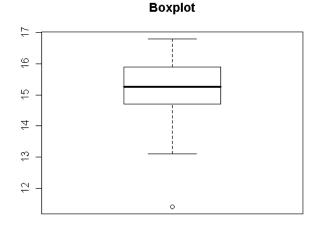
```
> stem(ex4)
```

```
The decimal point is at the |
```

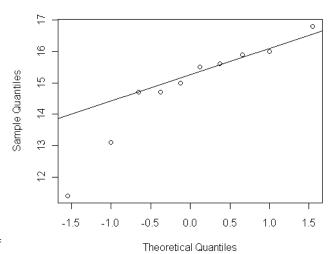
```
10 | 4
12 | 1
14 | 770569
16 | 08
```

■ 상자그림

- > boxplot(ex4, main="Boxplot")
- ■정규확률도
 - > qqnorm(ex4); qqline(ex4)







2025.7.22

제19회 통계유전학워크샵

실습: 정규성 검토

■ 샤피로-윌크(Shapiro-Wilk) 정규성 검정

> shapiro.test(ex4)

Shapiro-Wilk normality test

data: ex4

W = 0.89071, p-value = 0.1727

2025.7.22

비정규성 자료

→ R code로 이동

Box-Cox 변환: $g(y) = I(\lambda \neq 0) \frac{y^{\lambda}-1}{\lambda} + I(\lambda = 0) \log y$

```
> library(MASS)
> bc <- boxcox(ex4 ~ 1, lambda = seq(-6, 6))
> lambda <- bc$x[which.max(bc$y)]
> lambda
[1] 3.69697
> bcex4 <- (ex4 ^ lambda - 1) / lambda
> shapiro.test(bcex4)
Shapiro-Wilk normality test
```

data: bcex4 W = 0.94025, p-value = 0.5558

■ 비모수 검정

모비율에 대한 점추정

- 모수: p ∈ (0,1)
- Data: *n*번의 베르누이 시행에서 성공한 횟수 (*X*)
- 점추정량: $\hat{p} = \frac{X}{n}$
- 표준오차: $SE(\hat{p}) = \sqrt{Var(\hat{p})} = \frac{p(1-p)}{n}$
 - Why? $X \sim B(n, p)$
 - $p \leftarrow \hat{p}$

모비율에 대한 구간추정

■
$$100 \times (1-\alpha)$$
% 신뢰구간: $\hat{p} \pm z_{\frac{\alpha}{2}} \sqrt{\frac{\hat{p}(1-\hat{p})}{n}}$

prop.test() 함수 다루기 → R code로 이동

> prop.test(466,1013,conf.level = 0.95)

0.4600197

1-sample proportions test with continuity correction

```
data: 466 out of 1013, null probability 0.5
X-squared = 6.3179, df = 1, p-value = 0.01195
alternative hypothesis: true p is not equal to 0.5
95 percent confidence interval:
0.4290475 0.4912989
sample estimates:
```

2025.7.22 제19회 통계유전학워크샵 35

Exact CI for p

0.4600197

모비율에 대한 유의성 검정

- Hypothesis: $H_0: p = p_0$ vs. $H_1: p \neq p_0$
- Test statistic: $Z = \frac{\hat{p} p_0}{\sqrt{\frac{p_0(1-p_0)}{n}}}$
- Null distribution: When n: large, $Z \sim N(0,1)$
- P-값: $P(|Z| \ge |z_0||H_0)$

Does the figure of the year-2001 show an increase from 11.3%?

→ R code로 이동

```
> prop.test(x=5800,n=50000,p=0.113,alt="greater")
```

1-sample proportions test with continuity correction

```
data: 5800 out of 50000, null probability 0.113
X-squared = 4.4597, df = 1, p-value = 0.01735
alternative hypothesis: true p is greater than 0.113
95 percent confidence interval:
    0.1136553   1.0000000
sample estimates:
    p
0.116
```

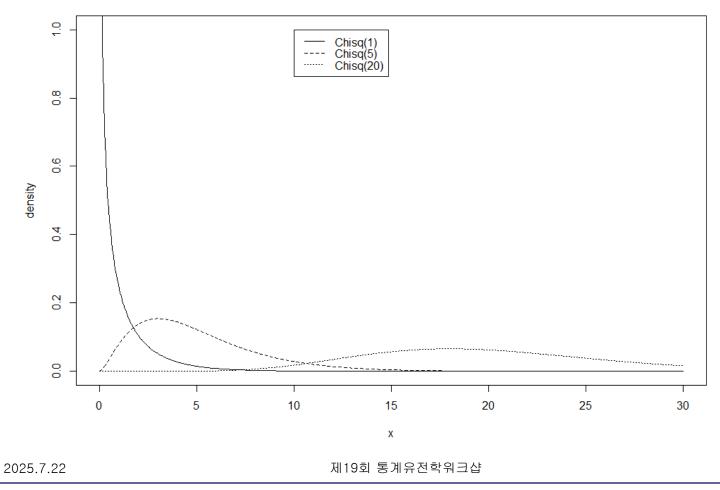
2025.7.22 제19회 통계유전학워크샵 38

χ^2 -분포

```
> x <- seq(0,30,by = 0.05)
> chis1 <- dchisq(x,df = 1)
> chis5 <- dchisq(x,df = 5)
> chis20 <- dchisq(x,df = 20)
> plot(x,chis1,type = "l",ylim = c(0,1),ylab = "density")
> lines(x,chis5,lty = 2)
> lines(x,chis20,lty = 3)
> legend(10,1,lty = 1:3,c("Chisq(1)","Chisq(5)","Chisq(20)"))
```

2025.7.22 제19회 통계유전학워크샵 39

χ^2 -분포



40

요약

- 추정
 - 점추정
 - 구간추정
- 가설검정의 원리
- 모평균에 대한 추론
 - 모수적 방법
 - 비모수적 방법
- 정규성 검토
- 모비율에 대한 추론