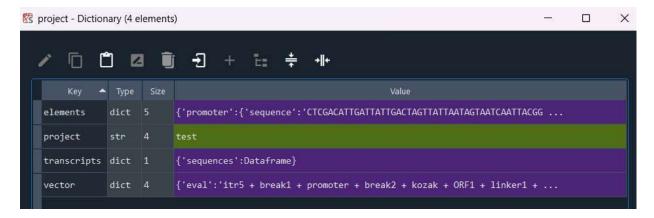
Raport zawiera podsumowanie informacje o strukturze danych oraz ich przetwarzaniu w tworzeniu wektora AAV z wykorzystaniem JBioSeqTools dla aplikacji webowej.

Project – dictionary

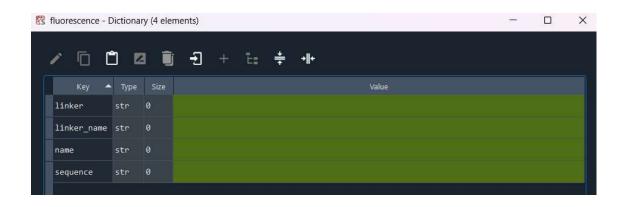


Elements – element wektora (chodzi o biologiczny aspekt AAV, nie wektor w rozumieniu komputerowym).

Elements – 2nd level dictionary:



Fluorescence 3rd level dictionary – informacje o tagu fluorescencyjnym.



Linker – sekwencja linkera

Linker_name – nazwa linkera

• Z linkerów znajdujących się w bazie danych

Sequence – sekwencja tagu fluorescencyjnego

Name – nazwa tagu

• Z tagów znajdujących się w bazie danych

!JEŻELI UŻYTKOWNIK NIE CHCE LINKERA W MIEJSCE WSZYTSKICH PODANYCH ZMIENNYCH TRZEBA WSTAWIĆ PUSTY STRING "", TAK ROZPOZNAJĄ TO SKRYPTY.

Linkers 3rd level dictionary – zawiera informacje o linkerach pomiędzy transkryptami np. t1 + l1 t2, ect.

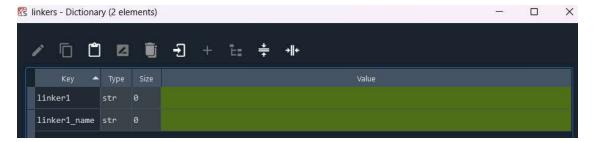


Linker – seqkencja linkera

Linker name – nazwa linkera

• Z bazy danych, ilość linkerów zależy od ilości transkryptów -1 (n-1).

!JEŻELI UŻYTKOWNIK MA WIĘCEJ NIŻ JEDEN TRANSKRYPT I NIE CHCE LINKERA MIEDZY NIMI TO ANALOGICZNIE JAK WYŻEJ DLA KAŻDEGO LINKERA JAKI POWINIEN SIĘ POJAWIĆ ZGODNIE Z ZASADĄ n-1 DAJEMY "".



!W PRZYPADKU GDY MAMY TYLKO JEDEN TRANSKRYPT / GEN WYBRANY TO NIE PYTAMY UŻYTKOWNIKA O LINKER BO NIE JEST POTRZEBNY I OD RAZU W LINKERS PODAJEMY linker1 oraz linker_name1 z pustym STRINGIEM "" – tak odczytują skrypty.

Promoter 3r level dictionary – informacje o promotorze



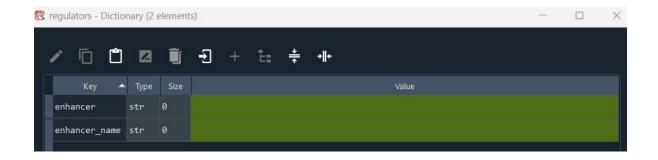
Name – nazwa promotora

Sequence – sekwencja promotora

 Zgodnie z tym co znajduje się w bazie danych (na początku znane promotory, które przesłałem, później wraz z single-cell promotory z EPD)

!UŻYTKOWNIK MUSI WYBRAĆ JAKĄŚ SEKWENCJE PROMOTORA LUB EWENTUALNIE WKLEIĆ CUSTOMOWĄ I NADAĆ NAZWĘ!

Regulators 3rd level dictionary



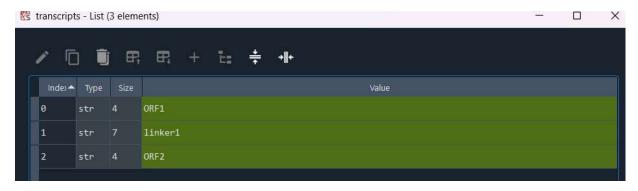
Enhancer – sewkencja regulatora

Enhancer_name - nazwa

Znajdujące siew bazie danych

!UŻYTKOWNIK NIE MUSI CHCIEĆ SEKWENCJI REGULUJĄCEJ WIĘC ANALOGICZNIE JEŻELI BRAK WYBORU TO PRZEKAZUJEMY WARTOŚĆ "". MOŻLIWE, ŻE UŻYTKOWNIK BĘDZIE CHIAŁ PODAĆ SEKWENCJE CUSTOMOWĄ TO WTEDY PODAJE SEKWENCJE I NADAJE NAZWĘ.

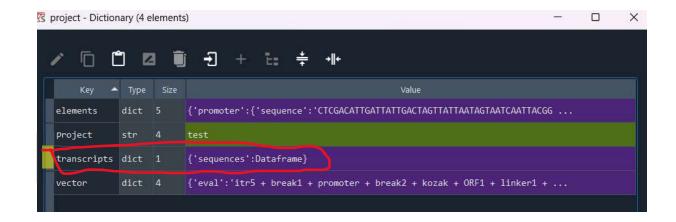
Transcripts 3rd level dictionary – schemat kolejności transkrypt ~ linker



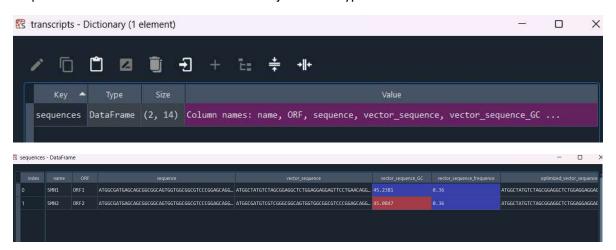
• Zależy od ilości transkryptów i linkerów (zasada n-1).

!NAZWY ORF1,2,3 SĄ NADAWANE W SKRYPTACH JAKO KOLEJNE TRANSKRYPTY (ORF – open reading frame – takie biologiczne stwierdzenie mówiące co jest czytane przez organizm żywy z kodu DNA/RNA). TYUTAJ ZAWARTA JESTR TLKO INFORMACJA O KOLEJNOŚCI index 0,1,2 I ZAWSZE JEST transkrypt, linker, transkrypt linker. DANE O LINKERACH SĄ W LINKERS A DANE O SEKWENCJACH ORF ZNAJDUJĄ SIĘ W 2nd level dictionary [transcripts] > 3rd level data frame [sequences] – patrz niżej

Transcripts 2nd level dicionary:



Sequences – data frame 3rd level – informacje o transkryptach



 Zawiera wszystkie informacje o sekwencji (nazwę, sekwencje, zawartość GC przed optymalizacją, po optymalizacji z usunięciem miejsc restrykcyjnych, ect.

!TUTAJ TRZEBA USTLIĆ JAK TO MA DZIAŁAĆ, BO SKRYTPY AKTUALNEI ODCZYTUJĄ TAKĄ FORMĘ!
Tak naprawdę na początek będzie nam potrzebne tylko poniższa wersja tabelki (data frame):



Name – nazwa genu/tyranskryptu

ORF - który jest to ORF 1,2,3 ...

Sequence – sekwencja.

Pip do przetwarzania powyższych danych: https://github.com/jkubis96/JBioSeqTools/blob/dev_branch/vectro_build_app_pip.py

Rezultaty:

Do pokazania użytkownikowi [FRONTEND]

Statystyki sekwencji:

name : ORF1 -> SMN1 ********** Before optimization: * GC % : 45.76271186440678 * Mean codon frequence : 0.36 After optimization and restriction repaired: * GC % : 58.19209039548022 * Mean codon frequence : 0.43 * Not removed restriction : [] Sequence GCTGCCTCCTTTCCCTTCTGGACCCCCTATTATCCCCCCTCCTCCTCCTATCTGTCCTGATTCTCTGGACGACGCCGATGCTTTGGGCTCTATGCTGATCTCTTGGTACATGAGCGGCTACCACACCGGCTACCACACCGGCTACCACAC GGCTTCCGGCAGAACCAGAAGGAGGGCCGGTGCAGCCACTCTCTGAACTGA

Elementy wektora AAV:

Index	element	sequence	start	end	length
0	itr5	CTGCGCGCTCGCTCACTGAGGCCGCCCGGGCAAAGCCCGGGC		130	130
1	backbone_element	TCTAGACAACTTTGTATAGAAAAGTTG	131	157	27
2	promoter : CAG	CTCGACATTGATTATTGACTAGTTATTAATAGTAATCAATTACGGG	158	1890	1733
3	backbone_element	CAAGTTTGTACAAAAAAGCAGGCT	1891	1914	24
4	kozak	GCCACC	1915	1920	
5	ORF1 : SMN1	ATGGCTATGTCTAGCGGAGGCTCTGGAGGAGGAGTTCCTGAACAGG	1921	2805	885
6	backbone_element	ACCCAGCTTTCTTGTACAAAGTGGGAATTC	2806	2835	30
7	backbone_element	GAATTCCTAGAGCTCGCTGATCAGCCTCGA	2836	2865	30
8	bgh	CTGTGCCTTCTAGTTGCCAGCCATCTGTTGTTTGCCCCCTCCCCCGT	2866	3073	208
9	backbone_element	GGGCCGC	3074	3080	7
10	itr3	CTGCGCGCTCGCTCACTGAGGCCGCCCGGGCAAAGCCCGGGC	3081	3210	130
11	backbone_element	CTGCCTGCAGGGGCGCCTGATGCGGTATTTTCTCCTTACGCATCTG	3211	4137	927
12	amp	ATGAGTATTCAACATTTCCGTGTCGCCCTTATTCCCTTTTTTGCGG	4138	4998	861
13	backbone_element	CTGTCAGACCAAGTTTACTCATATATACTTTAGATTGATT	4999	5168	170
14	puc	TTGAGATCCTTTTTTTCTGCGCGTAATCTGCTGCTTGCAAACAAA	5169	5757	589
15	backbone_element	AACGCCAGCAACGCGGCCTTTTTACGGTTCCTGGCCTTTTGCTGGC	5758	5829	72

Sekwencja całego wektora w formacie FASTA:

>nazwa wektora

'CTGCGCGCTCGCTCACTGAGGCCGCCCGGGCAAAGCCCGGGCGTCGGGCGACCTTTGGTCGCCCGGCC TCAGTGAGCGAGCGCGCAGAGAGGGAGTGGCCAACTCCATCACTAGGGGTTCCTTCTAGACAACTTTGT ATAGAAAAGTTGCTCGACATTGATTATTGACTAGTTATTAATAGTAATCAATTACGGGGTCATTAGTTCATAGCCCA TATATGGAGTTCCGCGTTACATAACTTACGGTAAATGGCCCGCCTGGCTGACCGCCCAACGACCCCCGCCCATTG ACGTCAATAATGACGTATGTTCCCATAGTAACGCCAATAGGGACTTTCCATTGACGTCAATGGGTGGAGTATTTAC GGTAAACTGCCCACTTGGCAGTACATCAAGTGTATCATATGCCAAGTACGCCCCCTATTGACGTCAATGACGGTAA ATGGCCCGCCTGGCATTATGCCCAGTACATGACCTTATGGGACTTTCCTACTTGGCAGTACATCTACGTATTAGTCA GGGCGGGGCGAGGGCGGGGCGGGCGAGGCGAGAGGTGCGGCGGCAGCCAATCAGAGCGGCG CGCTCCGAAAGTTTCCTTTTATGGCGAGGCGGCGGCGGCGGCGCCCTATAAAAAGCGAAGCGCGCGGGGGG CGGGAGTCGCTGCGCGCTGCCCCGTGCCCCGCTCCGCCGCCGCCCGCCCGCCCCGGCTCTGA CTGACCGCGTTACTCCCACAGGTGAGCGGGCGGGGCGGCCCTTCTCCTCCGGGCTGTAATTAGCGCTTGGTTTA ATGACGGCTTGTTTCTTTCTGTGGCTGCGTGAAAGCCTTGAGGGGCTCCGGGAGGGCCCTTTGTGCGGGGGG AGCGGCTCGGGGGGTGCGTGTGTGTGTGTGTGGGGAGCGCCGCGTGCGGCTCCCGCGCTGCCCGGCGG CTGTGAGCGCTGCGGGCGCGCGGGGCTTTGTGCGCTCCGCAGTGTGCGCGAGGGGAGCGCGGCCGGGG GTGAGCAGGGGGTGTGGGCCGTCGGTCGGGCTGCACCCCCCTGCACCCCCCTCCCCGAGTTGCTGAGCAC GCAGGTGGGGGTGCCGGGCGGGGCGGCCCCCCGGGCCGGGAGGGCTCGGGGGAGGGCGCGGCGG CCCCGGAGCGCCGGCGGCGAGCCGCGCGCGCGCGCCATTGCCTTTTATGGTAATCGTGCGAGAGG GCGCAGGGACTTCCTTTGTCCCAAATCTGTGCGGAGCCGAAATCTGGGAGGCGCCGCCGCACCCCCTCTAGCG GGCGCGGGGCGAAGCGGTGCGGCGCCGGCAGGAAGGAAATGGGCGGGGAGGGCCTTCGTGCGTCGCCGCG CAGGGCGGGTTCGGCTTCTGGCGTGTGACCGGCGGCTCTAGAGCCTCTGCTAACCATGTTCATGCCTTCTTCTT TTTCCTACAGCTCCTGGGCAACGTGCTGGTTATTGTGCTGTCTCATCATTTTGGCAAAGAATTGCAAGTTTGTACA AAAAAGCAGGCTGCCACCATGGCTATGTCTAGCGGAGGCTCTGGAGGAGGAGTTCCTGAACAGGAGGACTCTG TGCTGTTCCGGAGGGCACAGGACAAAGCGATGACAGCGACATCTGGGACGACACCGCTCTGATTAAGGCCTA CGACAAGGCCGTGGCCTCTTTCAAGCACGCCCTGAAGAACGGCGACATCTGCGAGACCAGCGGAAAGCCTAAA ACCACCCCTAAGAGAAAGCCTGCTAAAAAGAACAAGAGCCAGAAGAAGAACACCGCCGCCAGCCTGCAGCAG TGGAAGGTGGGCGACAAGTGCAGCGCCATTTGGAGCGAGGACGGATGTATCTACCCTGCCACAATCGCCTCTAT CGACTTCAAGCGGGAGACCTGCGTGGTGGTGTATACCGGCTACGGCAACAGGGAAGAGCAGAACCTGAGCGA CCTGCTGAGCCCTATTTGCGAGGTGGCCAATAACATCGAGCAGAACGCCCAGGAGAACGAGAACGAGAGCCAG GTGAGCACCGACGAGAGCGAGAACAGCCGGAGCCCCGGCAATAAGAGCGACAACATCAAGCCCAAGAGCGCC CCCTGGAACTCTTTCCTGCCCCCTCCTCCTCTATGCCTGGACCCAGACTGGGACCCGGAAAACCTGGACTGAAA TTCAACGGCCCCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCCTCATTTGCTGTCTTGTTGGCTGCCTCCTTCTCGG ACCCCCTATTATCCCCCCTCCTCCTCTATCTGTCCTGATTCTCTGGACGACGCCGATGCTTTGGGCTCTATGCTGAT CTCTTGGTACATGAGCGGCTACCACACCGGCTACTACATGGGCTTCCGGCAGAACCAGAAGGAGGGCCGGTGC AGCCACTCTCTGAACTGAACCCAGCTTTCTTGTACAAAGTGGGAATTCGAATTCCTAGAGCTCGCTGATCAGCCT CTCCCACTGTCCTTACTAATAAAATGAGGAAATTGCATCGCATTGTCTGAGTAGGTGTCATTCTATTCTGGGGGG TGGGGTGGGGCAGGACAGCAAGGGGGAGGATTGGGAAGAGAATAGCAGGCATGCTGGGGAGGGCCGCCTG CGCGCTCGCTCACTGAGGCCGCCCGGGCAAAGCCCGGGCGTCGGGCGACCTTTGGTCGCCCGGCCTCA TGATGCGGTATTTTCTCCTTACGCATCTGTGCGGTATTTCACACCGCATACGTCAAAGCAACCATAGTACGCGCCC

TGTAGCGGCGCATTAAGCGCGGGGGGGGGTGGTGGTTACGCGCAGCGTGACCGCTACACTTGCCAGCGCCTTAG CGCCCGCTCCTTTCGCTTCCTTTCTCGCCACGTTCGCCGGCTTTCCCCGTCAAGCTCTAAATCGGGG GCTCCCTTTAGGGTTCCGATTTAGTGCTTTACGGCACCTCGACCCCAAAAAACTTGATTTGGGTGATGGTTCACG TAGTGGGCCATCGCCCTGATAGACGGTTTTTCGCCCTTTGACGTTGGAGTCCACGTTCTTTAATAGTGGACTCTT GTTCCAAACTGGAACAACACTCAACTCTATCTCGGGCTATTCTTTTGATTTATAAGGGATTTTGCCGATTTCGGTC TATTGGTTAAAAAATGAGCTGATTTAACAAAAATTTAACGCGAATTTTAACAAAATATTAACGTTTACAATTTTATG GCCCTGACGGGCTTGTCTGCTCCCGGCATCCGCTTACAGACAAGCTGTGACCGTCTCCGGGAGCTGCATGTGTC AGAGGTTTTCACCGTCATCACCGAAACGCGCGAGACGAAAGGGCCTCGTGATACGCCTATTTTTATAGGTTAATG TCATGATAATAATGGTTTCTTAGACGTCAGGTGGCACTTTTCGGGGAAATGTGCGCGGAACCCCTATTTGTTTATT TTTCTAAATACATTCAAATATGTATCCGCTCATGAGACAATAACCCTGATAAATGCTTCAATAATATTGAAAAAGGA AGAGTATGAGTATTCAACATTTCCGTGTCGCCCTTATTCCCTTTTTTGCGGCATTTTTGCCTTCTGTTTTTTGCTCAC CCAGAAACGCTGGTGAAAGTAAAAGATGCTGAAGATCAGTTGGGTGCACGAGTGGGTTACATCGAACTGGATC TCAACAGCGGTAAGATCCTTGAGAGTTTTCGCCCCGAAGAACGTTTTCCAATGATGAGCACTTTTAAAGTTCTGC TATGTGGCGCGGTATTATCCCGTATTGACGCCGGGCAAGAGCAACTCGGTCGCCGCATACACTATTCTCAGAATG ACTTGGTTGAGTACTCACCAGTCACAGAAAAGCATCTTACGGATGGCATGACAGTAAGAGAATTATGCAGTGCT GCCATAACCATGAGTGATAACACTGCGGCCAACTTACTTCTGACAACGATCGGAGGACCGAAGGAGCTAACCGC ACGACGAGCGTGACACCACGATGCCTGTAGCAATGGCAACACGTTGCGCAAACTATTAACTGGCGAACTACTT ACTCTAGCTTCCCGGCAACAATTAATAGACTGGATGGAGGCGGATAAAGTTGCAGGACCACTTCTGCGCTCGGC CCTTCCGGCTGGCTGGTTATTGCTGATAAATCTGGAGCCGGTGAGCGTGGAAGCCGCGGTATCATTGCAGCAC TGGGGCCAGATGGTAAGCCCTCCCGTATCGTAGTTATCTACACGACGGGGAGTCAGGCAACTATGGATGAACGA AATAGACAGATCGCTGAGATAGGTGCCTCACTGATTAAGCATTGGTAACTGTCAGACCAAGTTTACTCATATATAC TTTAGATTGATTTAAAACTTCATTTTTAATTTAAAAGGATCTAGGTGAAGATCCTTTTTGATAATCTCATGACCAAA ATCCCTTAACGTGAGTTTTCGTTCCACTGAGCGTCAGACCCCGTAGAAAAGATCAAAGGATCTTCTTGAGATCCT GAGCTACCAACTCTTTTTCCGAAGGTAACTGGCTTCAGCAGAGCGCAGATACCAAATACTGTTCTTCTAGTGTAG CCGTAGTTAGGCCACCACTTCAAGAACTCTGTAGCACCGCCTACATACCTCGCTCTGCTAATCCTGTTACCAGTGG CTGCTGCCAGTGGCGATAAGTCGTGTCTTACCGGGTTGGACTCAAGACGATAGTTACCGGATAAGGCGCAGCGG TCGGGCTGAACGGGGGTTCGTGCACACAGCCCAGCTTGGAGCGAACGACCTACACCGAACTGAGATACCTAC AGCGTGAGCTATGAGAAAGCGCCACGCTTCCCGAAGGGAGAAAGGCGGACAGGTATCCGGTAAGCGGCAGG GTCGGAACAGGAGAGCCACGAGGGAGCTTCCAGGGGGAAACGCCTGGTATCTTTATAGTCCTGTCGGGTTTC

Wykres wektora:

