

Liberté Égalité Fraternité



R Programmation

Ca marche comment? Moi aussi je peux faire!

SAV : jean-luc.lipatz@insee.fr













Objectifs de la formation

 Découvrir une autre façon de travailler en R en sortant du cadre des formations construites autour du package dplyr et en donnant des clés de lecture des programmes écrits en R de base.



- Se familiariser avec les **diverses façon de définir une fonction**, en particulier dans la perspective d'automatiser des travaux ou d'écrire des applications **Shiny**.
- Acquérir les fondamentaux de R: découvrir que R n'est pas un ensemble de formules magiques mais une construction rigoureuse autour d'une organisation des données et d'un très petit nombre de principes.

Classification des vues

Programmer

Comprendre



Utile

Avancé

Rare

Eviter





Rare







Prérequis

- Savoir travailler en R : RStudio ou Rgui
- Savoir installer, charger un package
- Savoir naviguer dans la documentation des packages
- Savoir visualiser la structure d'une table
- Connaître le sens de l'assignation
- Connaître la fonction data.frame
- Avec le package dplyr : savoir créer une colonne, faire des statistiques
- Savoir utiliser le pipe %>%
- Savoir faire un graphique simple (courbe, graphique en barre)







Demandez le programme !

Principe : découvrir les fonctionnalités de base du langage R autour de la résolution d'un problème concret.

- Prologue : retour sur quelques bases du langage
- Acte 1 scène 1 : Les vecteurs
- Acte 1 scène 2 : Les listes
- Acte 1 scène 3 : Les fonctions
- Acte 1 scène 4 : Les data frames
- Acte 2 scène 1 : Les boucles
- Acte 2 scène 2 : Les attributs d'un objet
- Acte 2 scène 3 : Les traitements conditionnels
- Epilogue : quelques compléments







		page	
Zéro	Rappels ; les principes du langage	7	
R1	Les vecteurs	33	
R2	Les listes	53	
F1	Définir une fonction	65	
F2	Les paramètres d'une fonction	83	
R3	Les tables de données	95	
В	Faire des traitements itératifs	115	
R4	Les attributs d'un objet	133	
С	Faire des traitements conditionnels	143	
F3	Les environnements	155	
F4	Des fonctions qui génèrent des fonctions	165	
F5	Les fonctions génériques	175	
F6	L'évaluation retardée	183	





Important 6

Rare 1

Important 4

Séquence Zéro Quelques rappels

Les bases du langage Symboles et objets







Rappel

Les types de données élémentaires

• Les types de base ('atomic'):

Numérique, virgule flottante (« double » , base des calculs statistiques)

Numérique, entier (« integer » rare) : un nombre entier de ce type est suivi d'un L.

Complexe (« complex », pour les matheux)

Logique/booléen (« logical », résultat des tests)

Caractère (« character », chaînes de contenu quelconque, entre simples ou doubles quotes)

Brut (« raw », pour des manipulations au niveau de l'octet)

- Un donnée d'un des types atomiques ne peut exister qu'au sein d'un vecteur.
- Ces types de base correspondent à des modes de stockage de l'information en mémoire. En utilisant ces modes on peut construire d'autres types de données qui partageront l'organisation en mémoire mais auront des propriétés supplémentaires : les facteurs, les dates, etc..

```
Ce qui suit est le
                      premier élément
                      d'un vecteur
[1] 1
> 1==2
[1] FALSE
> "essai=II'O']"
[1] "essai=ניסיון"
# Un type construit au dessus du numérique
# une apparence de chaîne de caractères...
> Sys.Date()
[1] "2021-07-15"
# ... et une représentation interne numérique
> storage.mode(Sys.Date())
[1] "double"
```









Mode stockage vs. utilisation La fonction class

- La fonction storage.mode renvoie la manière dont sont représentées les données en mémoire, juste pour satisfaire sa curiosité. Pour une donnée, il n'y a qu'un mode de stockage.
- La fonction class renvoie, elle, la façon dont pourront être utilisées les données. Il peut y en avoir plusieurs: la fonction peut renvoyer un vecteur de plus d'une chaîne de caractères.
- Ce sont les fonctions génériques (voir plus loin) qui permettent ensuite d'associer un comportement à une classe.

```
# Entre chaîne de caractères et flottant
# ...un vrai type de données!
> class(Sys.Date())
[1] "Date"
> storage.mode(Sys.Date())
[1] "double"
# Mode et classe sont identiques pour les
# types de base
> class(1L)
[1] "integer"
# Le mode n'est pas modifiable sans altérer
# la donnée, la classe si
> x <- 1
> class(x)
[1] "numeric"
> class(x) <- c("truc", "machin")</pre>
> class(x)
[1] "truc"
             "machin"
# Il y a d'autres types à usage interne
> class(`class`)
[1] "function"
> storage.mode(`class`)
[1] "function"
```









Quelques éléments de syntaxe non ambigus Constantes et symboles

- Commençant par des chiffres, ou un point suivi de chiffres : un nombre
 - « général » Virgule flottante ('numeric', 'double')

```
12, .12, 12.0e-5
```

Entier, terminé par la lettre L
 12L

D'un point de vue syntaxique -1 n'est pas un nombre mais une expression!

- **Complexe**, que nous n'utiliserons pas
- Commençant par des quotes simples (') ou doubles ("): une chaîne de caractères.

```
'essai=ניסיון
```

 <u>Pas de quotes</u>, commençant par une lettre ou un point, suivi de lettres, chiffres, points, ou blanc soulignés: le nom de quelque chose, un « **symbole** » dont la signification peut varier.

```
sum, .truc, ., ..., T, F
```

 Quelques séquences de caractères prédéfinies, des mots-clés du langage dont la signification est inaltérable... plutôt rares.

TRUE, FALSE, les NAs









Quelques éléments de syntaxe Fonctions et opérateurs

Il y a deux façons d'obtenir un résultat :

Par des appels de <u>fonction</u>: un nom de fonction (un « symbole ») et, entre parenthèses, séparés par des virgules, les paramètres de la fonction passés soit par position soit par nom

```
import("prenoms.dbf", as.is=TRUE)
import(file=file.choose())
```

Par des appels à des <u>opérateurs</u>: une expression, l'opérateur et une autre expression

```
1+1
a <- 1
"prenoms.dbf" %>% import(as.is=TRUE)
```

- Tout appel produit un résultat (pas forcément visualisé comme avec '<-')
- Mais la façon d'obtenir le résultat n'est jamais gravée dans le marbre.

La signification d'un nom de fonction ou d'opérateur peut varier.

En R, il n'y a pas d'instructions, uniquement des calculs.

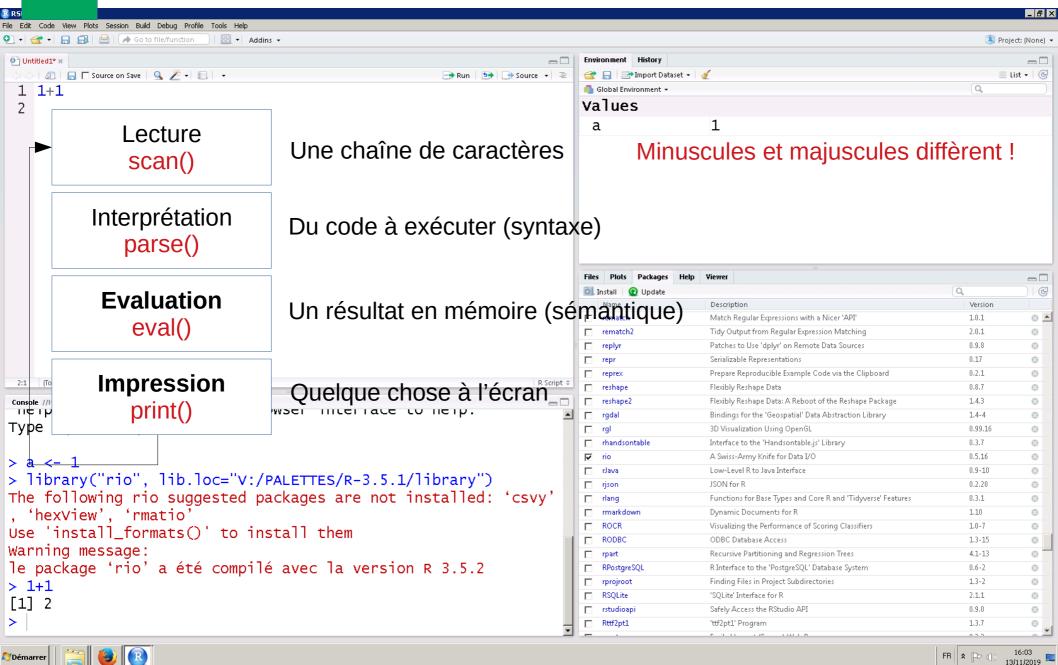






Important

La boucle de l'invite de commande









De l'input au résultat Les fonctions parse et eval

- Le rôle de la fonction parse est de faire les contrôles de syntaxe. Au passage, elle transforme une séquence de caractères en une structure interne, une « expression » ordonnançant les futurs calculs.
- C'est la fonction eval qui appliquée à une « expression », permet d'obtenir un résultat. La fonction eval est le coeur de R.

```
> e <- parse(text="6*7")</pre>
expression(6*7)
> as.list(e[[1]])
                             L'expression contient l'arborescence des calculs à effectuer
                             (on verra la signification de l'instruction et de la sortie plus tard)
                                              Multiplier
[[2]]
[1] 6
                                                        Evaluer « 7 »
[[3]]
                                Evaluer «6 »
[1] 7
                              On déclenche les calculs,
> eval(e)
                              le résultat est visualisé
[1] 42
```









Manipuler des expressions La fonction quote

- Comme une majorité de fonctions, la fonction eval commence par prendre la valeur de son argument puis travaille sur cette valeur. Au final, comme la fonctionnalité est d'évaluer, l'argument est évalué deux fois.
- La fonction quote fait, elle, partie des fonctions qui ne commencent pas par prendre la valeur de leur argument. La fonction quote restitue son argument sans tenter de l'évaluer.
- Il existe de nombreuses fonctions qui travaillent ainsi sur des objets de nature « expression » autorisant ainsi la construction de programmes constructeurs de programmes sans passer par une représentation sous forme de chaîne de caractères.

```
> e <- quote(6*7)
> class(e)
[1] "call"
> e
6 * 7
> eval(e)
[1] 42
```









La visualisation du résultat La fonction print

- Toute opération en R produit un résultat, c'est à dire un objet stocké quelque part en mémoire.
- La dernière étape de la boucle est donc la visualisation de ce résultat.

Celui ci peut être

simple (une chaîne de caractères) : juste entourer de quotes,

un peu plus compliqué parce que nécessitant des choix de présentation (un nombre, un data.frame)

ou être une structure encore plus complexe (un tableau, un graphique...).

• La fonction print est intelligente et réagit différemment selon ce qu'elle

a à imprimer.









La visualisation du résultat La fonction invisible

- Toute fonction produit un résultat, tout opérateur est une fonction,
 est un opérateur. Pourtant l'affectation ne montre rien.
- C'est qu'il est possible de définir des fonctions avec un résultat marqué comme invisible et qui, comme tel, ne sera pas affiché par print.
- La fonction invisible marque l'évaluation de son argument comme ne devant pas être affiché.

```
# L'affectation n'affiche rien
> x < -6 * 7
# Pourtant elle restitue quelque chose
> y < - x < - 6*7
[11 42]
# Les parenthèses affichent toujours
# le résultat du calcul
> (x < -6*7)
[1] 42
# invisible évalue mais ne montre rien
> invisible(6*print(7))
[1] 7
         # Le calcul a eu lieu
```





Symboles et objets







Principe numéro 1

Des contenus, des noms mais pas de contenants!

De façon quasi systématique, l'appel à une fonction R crée quelque chose quelque part en mémoire. La quantité de mémoire occupée n'est pas définie a priori, c'est la fonction qui se charge de "prendre" ce dont elle a besoin.

Le résultat de l'appel d'une fonction devrait donc être une indication de l'endroit où la fonction a créé quelque chose, mais cela ne serait guère pratique de manipuler des adresses mémoire.

A la place, on utilise l'assignation <- pour associer un nom à l'objet créé dès qu'on sait qu'on aura à la réutiliser.

> prenoms2017 <- import("IGoR/prenoms2017.dbf",as.is=TRUE)</pre>

Contrairement à la logique de beaucoup de langages de programmation, des noms comme prenoms2017, import ne correspondent pas à des cases contenant des choses (une table, une fonction) qu'il aurait fallu pré-déclarer. Ce sont plutôt des <u>étiquettes</u> (des **symboles**), qu'on appose <u>a posteriori</u> à coté des objets pour pouvoir en parler, tout comme un panneau routier indique l'entrée d'un village, mais ne contient pas le village.

Si on faisait:

> prenoms2017b <- prenoms2017</pre>

on ne ferait **aucune copie** de la table que nous venons de lire : on disposerait juste de deux noms pour identifier le même objet.







1ère étape chargement des données en mémoire

```
prenoms2017 <-
   import("IGoR/data/prenoms2017.dbf", as.is=TRUE)
mémoire
                                        preusuel
                                                     annais
                                                           dpt
                                                                  nombre
                                 sexe
                                                                       28
                                                     XXXX
                                                           XX
                                        AADAM
                                                                      24
                                                     XXXX
                                                           XX
                                        AADEL
                                                     XXXX
                                                           XX
                                        AADIL
                                                     1983
                                                           84
                                        AADIL
                                                     1992
                                                           92
```

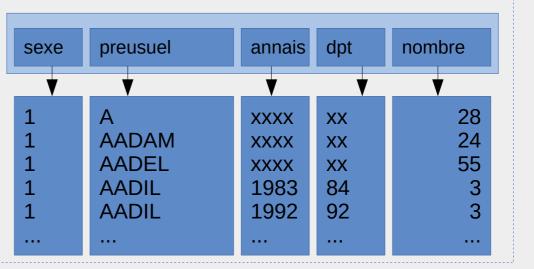




2ème étape enregistrement d'un nom

prenoms2017 < import("IGoR/data/prenoms2017.dbf", as.is=TRUE) mémoire</pre>



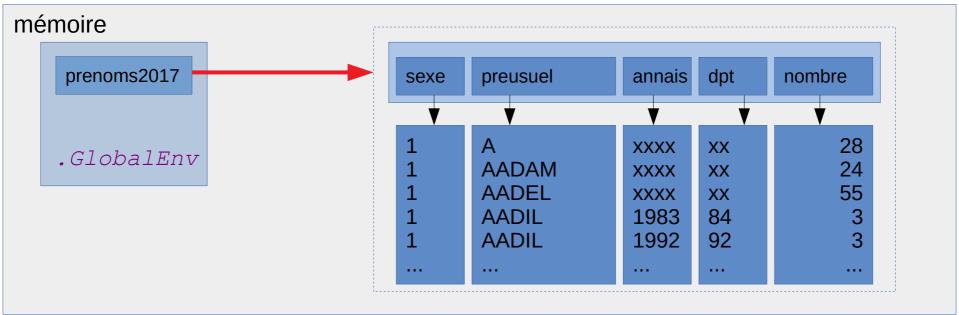






3ème étape association du nom aux données

```
prenoms2017 <-
   import("IGoR/data/prenoms2017.dbf", as.is=TRUE)</pre>
```



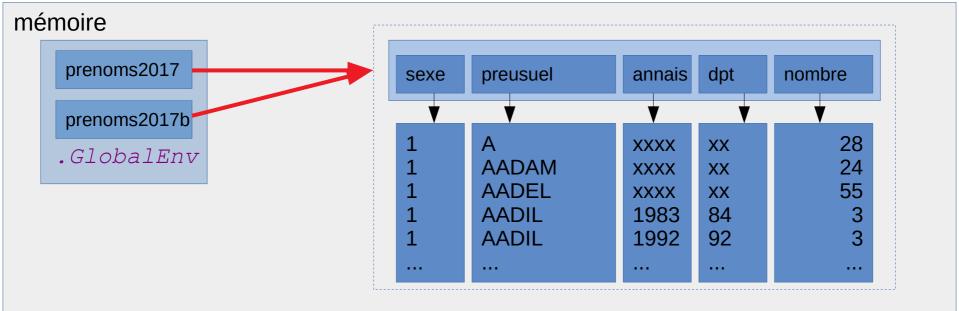






un autre nom pour les données

prenoms2017b <- prenoms2017









Symboles ou chaînes de caractères ?

• Les symboles ne sont pas que des étiquettes apposées sur des objets, ils peuvent aussi être utilisés comme arguments sans faire référence à l'objet qu'ils pourraient désigner (il pourraient n'en désigner aucun!). Et des ponts existent vers le type "character".

```
> as.character(quote(x)) # on convertit le symbole x PAS sa valeur
[1] "x"
> as.name("x") # fabriquer un symbole à partir d'une chaîne
x
```

• On peut aussi explicitement naviguer dans le lien entre un symbole, exprimé comme chaîne de caractères, et l'objet associé.



Alliée aux fonctions de manipulation des chaînes de caractères, cette fonctionnalité est tentante pour des habitués du macro-langage SAS, (par exemple pour simuler un ensemble indicé de variables) mais il y a souvent une solution bien plus simple (les vecteurs notamment).









Principe numéro 2 Les objets sont "read only"

En règle quasi-générale (exceptions : data.table, R6), il est impossible de modifier un objet de R.

Fonctionnellement, si on veut faire une modification à un objet, par exemple une table de données, associée à un symbole <symbole > donné :

- on construit une copie modifiée de la table
- on associe la copie modifiée au symbole <symbole>
- la précédente table associée au symbole <symbole> est alors perdue parce que plus référençable (sauf si on l'avait associée à un deuxième symbole).

En pratique, c'est R qui se charge de minimiser le nombre de réelles copies et de supprimer de la mémoire les objets "perdus" (non référençables).

Par exemple, avec le package **dplyr**, pour convertir la colonne 'sexe' de la table 'nanopop' en numérique dans une nouvelle variable sexe2, on écrira :

> nanopop %>% mutate(sexe2=as.numeric(sexe))

En sortie il y a en mémoire :

- le résultat, une table avec la colonne supplémentaire, qui est juste affiché,
- mais aussi la table originale, qui est toujours associée au symbole nanopop.

Une « modification » d'un objet n'est donc qu'un tour de passe-passe qu'il faut écrire explicitement

> nanopop %>% mutate(sexe2=as.numeric(sexe)) -> nanopop

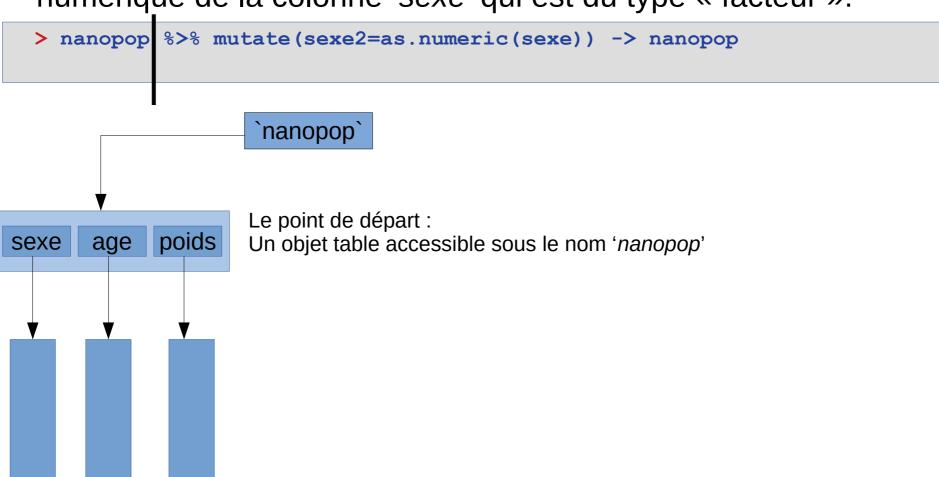






Modifier un objet de R Un exemple (1/3)

Pour rajouter une colonne à une table, ici la conversion en numérique de la colonne 'sexe' qui est du type « facteur »:

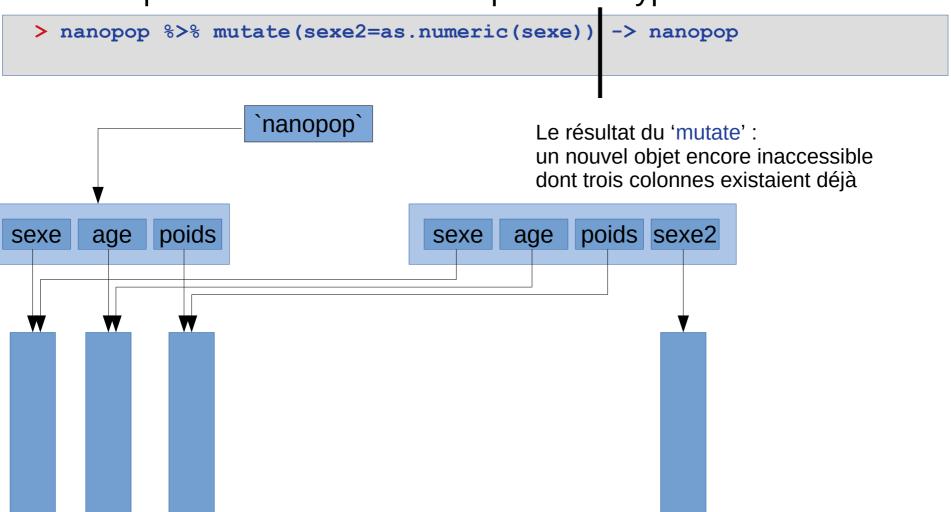






Modifier un objet de R Un exemple (2/3)

Pour rajouter une colonne à une table, ici la conversion en numérique de la colonne 'sexe' qui est du type « facteur »:

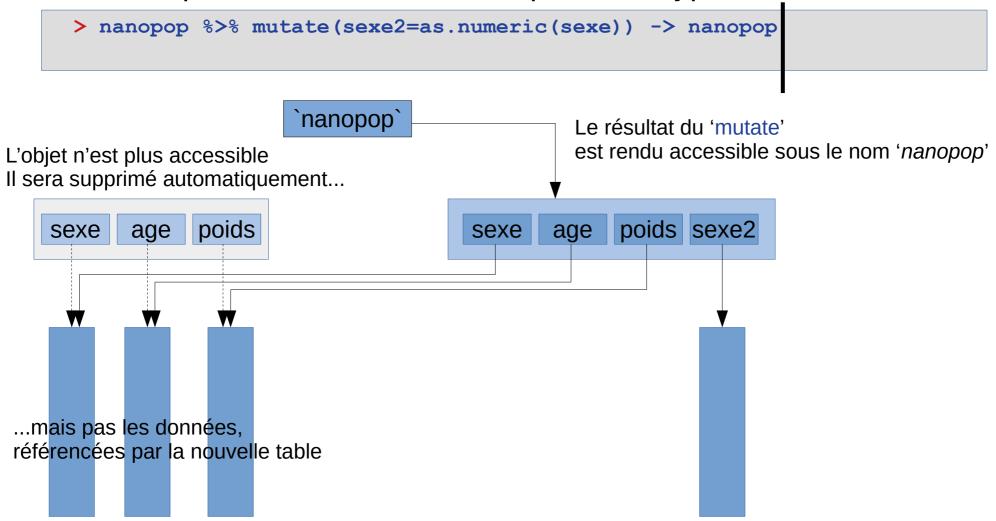






Modifier un objet de R Un exemple (3/3)

Pour rajouter une colonne à une table, ici la conversion en numérique de la colonne 'sexe' qui est du type « facteur »:







Résumé anticipé

Les grands principes du langage R

Le statique : les données

- 1) Pas de variables, mais des **objets et des symboles**
- 2) Un objet n'est plus modifiable après sa création
- 3) Les données des types de base n'existent qu'au sein de **vecteurs**

Le dynamique : les fonctions

- 4) Une fonction derrière toute opération
- 5) Une fonction n'est qu'une forme particulière d'objet
- 6) Toute fonction peut être surchargée
- 7) Chaque fonction est libre d'interpréter ses arguments comme elle le veut







Quelques principes de programmation

Commencez petit.

Pour résoudre un problème 'truc', ne pas commencer par écrire 'truc <- function...'. Mais **commencer par décomposer** le problème en sous questions élémentaires et ensuite commencer par coder et tester ses sous-questions. L'assemblage n'est que la dernière étape.

Écrivez des petites fonctions.

Une fonction pour chaque opération élémentaire : ne pas tenter de faire plusieurs choses disjointes dans une même fonction.

Le code d'une fonction doit tenir sur un seul écran pour permettre d'en suivre la logique de déroulement sans toucher au clavier et à la souris. Les fonctions potentiellement neutres (accolades, return) ne sont pas de bons amis quand elle sont sur-utilisées.

Faites la chasse aux clones.

Ne JAMAIS dupliquer de code : cela alourdit le programme et introduit un point de faiblesse en cas de modification ultérieure. **Factoriser** au maximum. R permet une grande souplesse dans les arguments des fonctions :des codes presque identiques peuvent toujours être réduits à l'usage d'une unique fonction.

· Respectez la symétrie.

Si le problème à traiter présente une forme de symétrie, celle-ci doit se retrouver dans le code, sinon c'est un indice de cas mal couverts.

- Ne vous préoccupez pas d'optimisation, sauf dans les cas critiques
- Testez

Commencer par les cas extrêmes. Les autres ont plus de chances de fonctionner.

Adoptez un style et tenez vous y.

Il y a plusieurs façons d'écrire du R, de nommer ses objets ou de présenter les programmes.

Ne mélangez les patois R qu'en cas de nécessité.

Un nom d'objet parlant évite bien des commentaires.

- Décrivez ce que font vos fonctions.
- Commentez les passages difficiles.

Mais uniquement les passages difficiles : un commentaire de type paraphrase alourdit les programmes et floute la vision.

Soignez l'esthétique!

Votre programme est votre bébé : gardez le propre, bien proportionné et beau. Plus il sera beau plus il sera attachant et incitera à lire votre code ou à lui faire confiance.







En guise d'introduction du fil rouge de la formation Lire des données en R

- <u>Données tabulaires</u> (lignes x colonnes avec au croisement une donnée « élémentaire »)
 - import du package *rio* : l'outil tous terrains en fonction du suffixe
 - Paramétrage spécifique pour cas particulier : suivre la piste rio, la documentation indique le package utilisé (donc préconisé) et ses options
 - read.fwf pour les formats à largeur de champ fixe
- <u>Données structurées non tabulaires</u> : un peu de programmation autour de packages standard (cf. *rio*)
 - Classeurs **XLSX** de plus d'une feuille
 - Fichiers XML : packages XML, xml2
- <u>Fichiers texte non structurés</u> : programmer à l'aide des fonctions de manipulation de chaînes de caractères (package *stringr*)
 - Fonctions utiles : readLines , read_file du package readr
- <u>Fichiers binaires</u> (autres que images, sons, films) : programmer autour du type de données "raw"
 - Fonctions utiles: open, close, readBin







Le fil rouge : le problème à résoudre Exploiter un fichier XML complexe

L'entrant:

Un fichier réel de mise à disposition d'informations sur les points de vente de carburant :

localisation période d'ouverture services annexes historique des prix

Comment faire pour :

cartographier les points de vente visualiser l'évolution des prix

..

Revenir à une logique de data frame!

```
<?xml version="1.0" encoding="UTF-8" standalone="yes"?><pdv liste>
<pdv id="48000001" latitude="4451600" longitude="347800" cp="48000" pop="R">
 <adresse>ZAC DE RAMILLES</adresse>
 <ville>MFNDF</ville>
 <horaires automate-24-24="1">
  <jour id="1" nom="Lundi" ferme=""/>
  <jour id="2" nom="Mardi" ferme=""/>
  <jour id="3" nom="Mercredi" ferme=""/>
  <jour id="4" nom="Jeudi" ferme=""/>
  <iour id="5" nom="Vendredi" ferme=""/>
  <iour id="6" nom="Samedi" ferme=""/>
  <iour id="7" nom="Dimanche" ferme=""/>
 </horaires>
 <services>
  <service>Restauration à emporter</service>
  <service>Carburant additivé</service>
  <service>Restauration sur place
  <service>Toilettes publiques</service>
  <service>Station de gonflage</service>
  <service>Boutique non alimentaire
  <service>Services réparation / entretien</service>
  <service>Vente de gaz domestique (Butane, Propane)
  <service>Location de véhicule</service>
  <service>Piste poids lourds
  <service>DAB (Distributeur automatique de billets)</service>
  <service>Lavage manuel
  <service>Vente de fioul domestique</service>
  <service>Vente de pétrole lampant
  <service>Automate CB 24/24</service>
 </services>
 <prix nom="Gazole" id="1" maj="2020-01-07T07:04:05" valeur="1468"/>
```





XML acte I – scène 1 Un premier déchiffrage des points de vente

Lignes d'en tête de chacun des points de vente

```
\# A tibble: 145 x 2
  pdv2
                                                                     no
   <chr>>
                                                                  <int>
 1 id=22000001 latitude=4852000 longitude=-279200 cp=22000 pop=R
 2 id=22000002 latitude=4852200 longitude=-273200 cp=22000 pop=R
 3 id=22000003 latitude=4849800 longitude=-274700 cp=22000 pop=R
 4 id=22000004 latitude=4850836 longitude=-276785 cp=22000 pop=R
 5 id=22000005 latitude=4851449 longitude=-273652 cp=22000 pop=R
 6 id=22000009 latitude=4849806 longitude=-274533 cp=22000 pop=R
 7 id=22000010 latitude=4850836 longitude=-276785 cp=22000 pop=R
 8 id=22000011 latitude=4849806 longitude=-274533 cp=22000 pop=R
 9 id=22100001 latitude=4846400 longitude=-208700 cp=22100 pop=R
10 id=22100004 latitude=4847100 longitude=-204400 cp=22100 pop=R
                                                                     10
# ... with 135 more rows
```







```
Important
  Utile
             1
  Eviter
             3
Important
  Utile
```

Rare

Séquence R1 Les vecteurs

One is a crowd







Créer un vecteur (1/2)

- En R, la structure de données de base est le vecteur : ensemble de données qui sont toutes du même "type" de base (aussi dit "atomique"):
 - booléen : "logical",
 - numérique entier : "integer",
 - numérique, virgule flottante : "double", date : "date"
 - numérique complexe : "complex",
 - chaîne de caractères : "character", facteur : "factor"
 - octet : "raw".

base:

• Les données dans ces types de base ne peuvent exister en dehors d'une structure de vecteur (principe 3).

Aussi la plus simple façon de créer un vecteur (de longueur 1) est juste d'écrire une constante dans un type de



• Un vecteur peut être vide, par exemple à la suite d'une sélection infructueuse. La notation est le type du vecteur suivi de (0) :

logical(0)
character(0)









Créer un vecteur (2/2)

Au-delà de ces façons de créer un vecteur, on pourra aussi utiliser :

- vector qui crée un vecteur de type donné et de longueur donnée.

```
> vector("complex",5)
[1] 0+0i 0+0i 0+0i 0+0i
```

- La très utilisée fonction de <u>c</u>ollecte c qui cherche à combiner ses arguments en vecteur (lorsque c'est possible : quand ils peuvent être mis au même type, sinon elle produit une liste)

```
> c(6,7)
[1] 6 7
```

- de nombreuses autres fonctions : la répétition, la fabrication de suite d'entiers consécutifs, etc...







Exercice rapide

Autour des dates et des vecteurs

- Avec la fonction as. Date convertir la chaîne de caractères "2017-01-01" en donnée de type « date ».
- Lui ajouter 1. On passe au 2 janvier 2017.
- Lui ajouter la suite des nombres de 1 à 7.
- Appliquer la fonction weekdays au résultat que l'on mémorisera sous le nom 'jour'. Quel jour de la semaine était le 1^{er} janvier 2017?









Accéder à une partie d'un vecteur (1/2)

La sélection d'une partie d'un vecteur se fait avec l'<u>opérateur</u> "**crochet**" [...] (c'est à dire une fonction, cf. principe numéro 4) au sein duquel on peut préciser :

- un vecteur de nombres
 entiers : pour extraire les éléments de numéros cité,
- un vecteur de nombres entiers négatifs : pour extraire tous les éléments sauf ceux de numéro cités
- un **vecteur de booléens** pour spécifier quels éléments doivent être conservés (TRUE) ou non (FALSE).

```
> (v <- 101:110)
[1] 101 102 103 104 105 106 107 108 109 110
# Les éléments du 3ème au 5ème
> v[3:5]
[11 103 104 105
# idem, mais en en précisant l'ordre
> v[5:3]
[11 105 104 103
# Une sélection vide
> v[integer(0)]
integer (0)
# Tout sauf les élts du 3ème au 5ème
> v[-3:-51]
[1] 101 102 106 107 108 109 110
```





Accéder à une partie d'un vecteur (2/2)

```
101
                                                         TRUE
                                              102
                                                        FALSE
                                              103
                                                        FALSE
> v[c(TRUE,rep(FALSE,8),TRUE)]
                                              104
                                                        FALSE
[1] 101 110
                                              105
                                                        FALSE
                                              106
                                                        FALSE
                                                                        101
   Le crochet ne fait pas de
                                              107
                                                        FALSE
                                                                        110
   l'indexation, c'est un véritable
                                                        FALSE
                                              108
   opérateur entre deux vecteurs.
                                              109
                                                        FALSE
                                              110
                                                        TRUE
```

L'intérêt majeur de la sélection par vecteur de booléens est que ce vecteur peut provenir d'un calcul logique, où on exprime une condition sur les éléments. Cette condition peut utiliser n'importe quel élément connu de R, et en particulier le vecteur lui-même.

Exemple : une sélection des éléments dont la parité (pair/impair) dépend du positionnement d'un paramètre de nom PARITE (%% est le reste de la division entière)

```
> PARITE <- 1
> v[(v %% 2)==PARITE]
[1] 101 103 105 107 109
```









Le crochet n'est qu'un opérateur!

Puisque le crochet n'est qu'un opérateur, rien n'interdit d'utiliser autre chose qu'un symbole du coté gauche de l'opérateur, en particulier un résultat d'un appel de fonction.

```
> readLines("data2/Z1.txt")[111] %>% str_split("[,.]")
[[1]]
[1] "Le fichier texte"
[2] " lorsqu'il apparait apporte la possibilité de permrmettre à un humain de soumettre un
[3] " Il offre également la possibilité de supprimer et d'ajouter une ligne"
[4] " et cela dès les cartes perforées"
[5] " <<<message(\"GAGNANT!\")>>>Cette fonctionnalité a été reprise par des logiciels comm
[6] ""
```

readLines est une fonction de base qui lit un fichier texte et le restitue sous forme de vecteur où chaque élément contient une ligne de texte.

str_split est une fonction de *stringr* qui éclate une chaîne de caractères en une liste de chaînes de caractères, en se servant d'une **expression régulière** pour définir le séparateur à trouver entre les chaînes. Ici soit une virgule soit un point.







Exercice rapide

Extraire une partie d'un vecteur

• En utilisant le vecteur des 7 jours à partir d'aujourd'hui compris (fonction as.Date ou Sys.Date), quels sont les dates de la semaine dont le nom se termine par « di » ? On pourra utiliser la fonction endsWith ou la fonction str_detect du package stringr avec une expression régulière.







La fonction which

La fonction which permet de faire un pont entre une sélection par booléens ou une sélection par indice : elle restitue les positions des éléments vérifiant une condition.



Attention: which est souvent utilisée par des débutants dans des contextes où on n'en a pas besoin grâce à la possibilité de sélection par booléens.

Mal utilisée, elle peut en outre conduire à des résultats incorrects.

```
> LETTERS
 [1] "A" "B" "C" "D" "E" "F" "G" "H" "T" ".T"
     "K" "L" "M" "N" "O" "P" "O" "R" "S" "T"
    "ITH HVH HWH HXH HVH HZH
[211
# Position des lettres N à P
> which(LETTERS>="N" & LETTERS<="P")</pre>
[1] 14 15 16
# Lettres de N à P
# Version naïve
> LETTERS[which(LETTERS>="N" & LETTERS<="P")]</pre>
[1] "N" "O" "P"
# Version plus simple sans 'which'
> LETTERS[LETTERS>="N" & LETTERS<="P"]
[1] "N" "O" "P"
> length(LETTERS[which(LETTERS>="Z")])
           # correct
> length(LETTERS[-which(LETTERS>="Z")])
           # correct (le complément)
> length(LETTERS[which(LETTERS>"Z")])
[11 0
           # correct
> length(LETTERS[-which(LETTERS>"Z")])
           # erroné!
[1] 0
```









Le recyclage des éléments dans les opérations vectorielles

• En R, les opérateurs arithmétiques et logiques ainsi qu'un grand nombre de fonctions dont '[' sont vectorisés. Lorsqu'on doit faire quelque chose sur tous les éléments d'un vecteur, il n'y a pas à penser à répéter la chose sur chaque élément. C'est R qui va se charger de la "boucle". Et, avec les architectures modernes (multi-cores, GPUs), il est même possible que les opérations se fassent de façon simultanée!

```
> 1:10 + rep(100,10)
[1] 101 102 103 104 105 106 107 108 109 110
```

• Faire la même chose avec deux vecteurs de longueurs différentes ne perturbe pas R. C'est le cas quand utilise un scalaire dans un calcul impliquant un vecteur. R "recycle" le vecteur le plus court pour en faire (virtuellement) un vecteur de la même longueur que le plus long.

```
> 1:10 + 100
[1] 101 102 103 104 105 106 107 108 109 110

> 1:10 + c(100,200)
[1] 101 202 103 204 105 206 107 208 109 210

> 1:10 + c(100,200,300)
Warning message:
In 1:10 + c(100, 200, 300) :
    la taille d'un objet plus long n'est pas multiple de la taille d'un objet plus court
[1] 101 202 303 104 205 306 107 208 309 110
```







Le recyclage : pas toujours une bénédiction ! Un exemple (malheureux)

Le code suivant fonctionne :

```
> mtcars %>% filter(cyl=="6")
               mpg cyl disp hp drat
                                         wt
                                             qsec vs am gear carb
              21.0
                     6 160.0 110 3.90 2.620 16.46
Mazda RX4
Mazda RX4 Wag
              21.0
                    6 160.0 110 3.90 2.875 17.02
                    6 258.0 110 3.08 3.215 19.44
Hornet 4 Drive 21.4
Valiant
              18.1
                    6 225.0 105 2.76 3.460 20.22
Merc 280
              19.2
                    6 167.6 123 3.92 3.440 18.30
Merc 280C
             17.8
                     6 167.6 123 3.92 3.440 18.90
             19.7
Ferrari Dino
                     6 145.0 175 3.62 2.770 15.50
```

Celui là aussi?

```
> mtcars %>% filter(cyl==c("4","6"))
               mpg cyl disp hp drat
                                         wt qsec vs am qear carb
              21.0
                     6 160.0 110 3.90 2.875 17.02
Mazda RX4 Wag
              22.8
                             93 3.85 2.320 18.61
Datsun 710
Hornet 4 Drive 21.4
                     6 258.0 110 3.08 3.215 19.44
Valiant
              18.1
                     6 225.0 105 2.76 3.460 20.22
              22.8
                             95 3.92 3.150 22.90
Merc 230
                     6 167.6 123 3.92 3.440 18.30
Merc 280
              19.2
              30.4
Honda Civic
                        75
                             > mtcars %>% filter(cyl %in% c("4","6")) %>% count()
Toyota Corona 21.5
                     4 120
Porsche 914-2 26.0
                     4 120
                             1 18
             19.7
                     6 145
Ferrari Dino
```







Utile

Il n'y a pas que les opérateurs de vectorisés : la fonction paste

• La concaténation de chaînes de caractères se fait avec la fonction paste qui est en fait une redéfinition à la marge de la fonction plus générale paste qui introduit un séparateur entre les éléments concaténés. Appliquée à deux vecteurs, elle produit un vecteur de chaînes de caractères :

```
> v <- c("un","deux","trois","quatre","cinq")
> w <- 1:4
> paste0(v,w)
[1] "un1"    "deux2"    "trois3"    "quatre4" "cinq1"

> paste(v,w)
[1] "un 1"    "deux 2"    "trois 3"    "quatre 4" "cinq 1"
```

• L'argument 'collapse' permet de changer le mode de fonctionnement : la concaténation "écrase" le vecteur en un vecteur d'un seul élément.

```
> paste(v,collapse="; ")
[1] "un; deux; trois; quatre; cinq"
```









Modifier une partie d'un vecteur (1/3)

• Pour modifier une partie d'un vecteur on fera par exemple :

```
> v <- 101:110
> v[3:5] <- 0
> v
[1] 101 102  0  0  106 107 108 109 110
```

• Un vecteur est extensible à souhait, R complète les trous :

• En revanche on ne peut pas éliminer un élément d'un vecteur. Mais il est possible de sélectionner tous les éléments sauf celui qu'on voudrait éliminer, ce qui revient au même si on appelle le résultat du même nom que l'original.

```
> v <- v[-2]
> v
[1] 101 0 0 0 106 107 108 109 110 NA 12
```









Modifier une partie d'un vecteur (2/3) La fonction cachée

En R, on ne peut pas modifier un objet!

- Or dans l'écriture v [3:5] <- 0 :
 - une partie du vecteur semble "recevoir" la valeur 0 comme s'il s'agissait de cases mémoire dans un langage classique,
 - l'assignation <- ne semble pas du tout être ici l'association d'un nom à une valeur : v[3:5] n'est pas un symbole.
- En fait **cette écriture est un leurre**, et sous une apparence d'instruction d'affectation de langage de programmation classique, elle cache deux choses :
 - le **recours à une nouvelle fonction**, de nom un peu particulier **[<-**, **qui se charge de construire un (nouveau) vecteur modifié**, et joue en quelque sorte le rôle d'une fonction d'écriture de données, alors que la fonction [réalise la fonction de lecture,
 - un raccourci pour une situation classique. Quand on veut, en R, modifier un objet associé à un symbole :
 - 1) on crée une copie modifiée de l'objet indiqué par le symbole,
 - 2) on réassigne le symbole à ce nouvel objet.
- En toute rigueur, pour le programmeur, un vecteur ne peut donc être ni modifié, ni étendu. Ce qui se passe sous le capot est bien sûr une autre histoire...

La notation $v[3:5] \leftarrow 0$ est en fait strictement équivalente aux lignes 2 et 3 de :







Modifier une partie d'un vecteur (3/3) **Démonstration**

La « modification » ne peut être • optimisée parce que les données sont référencées ailleurs.

```
    La « modification » est optimisée :
pas de copie parce que personne
d'autre n'utilise l'original.
```

```
> (v <- LETTERS[1:5])
[1] "A" "B" "C" "D" "E"
> tracemem(v)
[1] "<0F57EF20>"
> w < - v
                 Assigner n'est pas copier
> tracemem(w)
[1] "<0F57EF20>"
> v[1] <- "a"
tracemem[0x0f57ec20 \rightarrow 0x0f57eaa0]:
> tracemem(v)
[1] "<0F57EAA0>"
                     Modifier c'est copier
> tracemem(w)
[1] "<0F57EC20>"
```

A faire sous RGui, Ne marche pas sous RStudio Pourquoi ?

```
> (v <- LETTERS[1:5])
[1] "A" "B" "C" "D" "E"

> tracemem(v)
[1] "<01422EA0>"

> v[1] <- "a"

> tracemem(v)
[1] "<01422EA0>"
```







Des fonctions du côté gauche de l'assignation ? (1/2)

- La présence d'une fonction du côté gauche d'une assignation, comme avec [, n'est pas un cas isolé.
- De telles fonctions permettent de positionner certains champs d'une liste, d'une table etc. en accompagnant l'affectation d'une valeur, de contrôles ou de traitements complémentaires. Généralement on dispose d'un couple de fonctions :

```
> v <- 101:110

> v[3:5]

[1] 103 104 105

> v[3:5]<- 0

> v

[1] 101 102 0 0 0 106 107 108 109 110
```

Ce qui peut être réalisé par l'appel direct des fonctions correspondantes :

```
> v <- 101:110
> `[`(v,3:5)
[1] 103 104 105

> `[<-`(v,3:5,0)
[1] 101 102  0  0  0 106 107 108 109 110</pre>
```







Rare

Des fonctions du côté gauche de l'assignation ? (2/2)

• Il s'agit là d'une fonctionnalité qui peut être mobilisée par l'utilisateur. Mais **il s'agit juste d'une facilité syntaxique.** Lorsqu'un appel à une fonction f se trouve du côté gauche d'une assignation, R cherche une fonction f <- :

```
> x <- 1
> f(x) <- 0
impossible de trouver la fonction "f<-"</pre>
```

- Et si cette fonction existe, R travaille en trois étapes :
 - il donne un nouveau nom au premier argument de la fonction,
 - il appelle la fonction f<- avec ce nom et le reste des arguments d'appels de f, plus l'opérande de droite de l'assignation,
 - il réassigne au premier argument de f le résultat de l'appel précédent.

NOTE : Le premier argument de f est donc nécessairement un symbole. Et, dans la définition de f<-. Par ailleurs, le dernier paramètre qui recevra l'opérande de droite, doit impérativement s'appeler 'value'.





Les matrices

• Pour les besoins des calculs scientifiques, les matrices existent en R sous forme d'une spécialisation de la représentation en vecteur. Pour créer une matrice on peut commencer par créer un vecteur puis on spécifie les dimensions de la matrice en utilisant la forme "réversible" de la fonction dim : dim<-

Une matrice peut avoir plus de deux dimensions.

• Les crochets permettent d'accéder à des éléments ou des portions d'une matrice qui seront soit des vecteurs soit des matrices :





Fin de la séquence XML acte I – scène 1 Tout dans un vecteur

 Avec la fonction readLines, lire l'intégralité du fichier. Le résultat est un (très long) vecteur. La fonction head permet d'en visualiser le début.

⇒ Séquence R1 « les vecteurs »

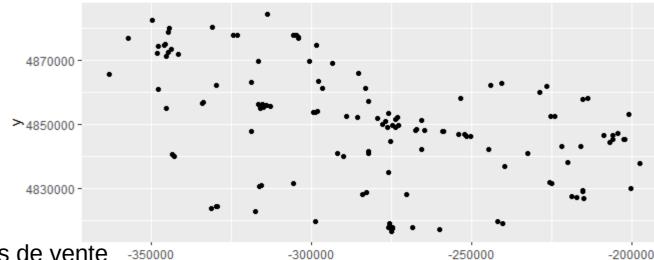
- Avec la fonction str_detect de *stringr*, ne conserver que les lignes contenant 'pdv' (avec un espace à la fin, donc ne contenant pas 'pdv_liste'). str_detect est une fonction qui accepte une expression régulière mais nous n'en avons pas besoin ici.
- Avec la fonction str_replace_all, éliminer: ' <pdv ' (deux espaces avant, un après), les '>', les double quotes.
- Transformer en data.frame (fonction du même nom, sans facteurs). En profiter pour ajouter une colonne contenant le numéro de la ligne (utiliser l'opérateur : ou mieux).







XML acte I – scène 2 La localisation des points de vente



Données caractéristiques des points de vente

```
# A tibble: 145 x 7
   pdv2
                                                   id
                                                          latitude longitude pop
                                          no cp
                                                                             <chr>
   <chr>>
                                       <int> <chr> <chr> <chr>
                                                                   <chr>>
 1 id=22000001 latitude=4852000 long~
                                           1 22000 2200~ 4852000
                                                                   -279200
                                                                             R
  id=22000002 latitude=4852200 long~
                                           2 22000 2200~ 4852200
                                                                   -273200
                                                                             R
  id=22000003 latitude=4849800 long~
                                             22000 2200~ 4849800
                                                                   -274700
                                                                             R
   id=22000004 latitude=4850836 long~
                                             22000 2200~ 4850836
                                                                   -276785
                                                                             R
  id=22000005 latitude=4851449 long~
                                             22000 2200~ 4851449
                                                                   -273652
                                                                             R
                                                                   -274533
 6 id=22000009 latitude=4849806 long~
                                           6 22000 2200~ 4849806
                                                                             R
  id=22000010 latitude=4850836 long~
                                             22000 2200~ 4850836
                                                                   -276785
                                                                             R
  id=22000011 latitude=4849806 long~
                                             22000 2200~ 4849806
                                                                   -274533
                                                                             R
  id=22100001 latitude=4846400 long~
                                           9 22100 2210~ 4846400
                                                                   -208700
                                                                             R
10 id=22100004 latitude=4847100 long~
                                             22100 2210~ 4847100
                                                                   -204400
                                                                             R
  ... with 135 more rows
```





Important 4

Utile

Rare 1

Séquence R2 Les listes







Créer une liste

list, str

- Une liste est une collection d'objets qui peuvent être de types différents. On crée une liste avec la fonction list. Une liste peut être vide : list().
- Les éléments d'une liste peuvent être nommés. Cela simplifiera l'accès ultérieur en précisant des noms et non des positions :

Une liste contenant des champs des types élémentaires du langage R: double, entier, booléen, chaîne de caractères, fonction et... liste. Trois des champs sont nommés : a, f, l. Les autres ne seront accessibles que par leur position.

```
> liste <- list(a=1, 3L, "a", TRUE, f=sum, l=list(1, 2))</pre>
```

• La liste est la structure de données la plus importante de R car elle permet de mémoriser n'importe quelle information complexe. Elle est à la source de la définition de nombreux types de données : data frames, objets graphiques, résultats de régression... Ces types de données sont souvent accompagnés d'une redéfinition de la fonction d'impression/affichage à l'écran qui cache la structure interne en produisant une "belle" sortie. Pour connaître la structure interne, il faut alors utiliser la fonction structure qui affiche un descriptif détaillé.

```
> str(liste)
List of 6
  $ a: num 1
  $ : int 3
  $ : chr "a"
  $ : logi TRUE
  $ f:function (..., na.rm = FALSE)
  $ 1:List of 2
   ..$ : num 1
   ..$ : num 2
```









Accéder à un élément d'une liste

- Deux <u>opérateurs</u> (cf. principe numéro 4) sont disponibles pour accéder à <u>un seul</u> élément d'une liste :
 - le double crochet [[...]], avec :
 soit un numéro d'élément (surtout en l'absence de noms),
 soit un nom d'élément (quand la liste contient des éléments nommés),
 - le \$ qui n'évalue pas son argument de droite (qui doit être un nom) et ne permet donc pas de paramétrer l'élément à récupérer.

```
> liste[[5]]
function (..., na.rm = FALSE) .Primitive("sum")
> liste[["f"]]
function (..., na.rm = FALSE) .Primitive("sum")
> liste$f
function (..., na.rm = FALSE) .Primitive("sum")
```







Accéder à une partie d'une liste

- L'opérateur simple crochet permet d'extraire une partie d'une liste systématiquement sous forme de liste, même lorsqu'il n'y a qu'un seul élément.
- Le fonctionnement est similaire à l'opérateur sur les vecteurs. On a le choix entre lui fournir :
 - un vecteur de nombres, éventuellement tous négatifs,
 - un vecteur de booléens,
 - un vecteur de noms d'éléments.

```
> liste[5]
$f
function (..., na.rm = FALSE) .Primitive("sum")
```

```
> liste[-1:-4]
$f
function (..., na.rm = FALSE) .Primitive("sum")
$1
$1[[1]]
[1] 1
$1[[2]]
[1] 2
```









« Modifier » une liste

• Les opérateurs [[et \$ sont "réversibles". On peut ainsi positionner un élément dans une liste par sa position ou son nom avec [[<-, ou par son nom \$<-

```
> liste <- list(1,2)  # Deux éléments 1 et 2
> liste[[2]]<- -1  # On remplace le 2ème élément
> liste[[4]]<- -2  # On en ajoute un 4ème, le 3ème est indéfini
> liste
[[1]]
[1] 1

[[2]]
[1] -1

[[4]]
[[4]]
[1] -2
```

```
> liste2 <- list()
> liste2$a <- 1  # La liste doit préalablement exister</pre>
```

 NOTE: L'opérateur [est également "réversible" sur les listes. Il permet de modifier une série d'éléments d'une liste à partir d'une série de valeurs fournies en même nombre (ou qui sera complétée par réplication). Il ne permet pas d'insérer des éléments (avec une liste plus longue coté droit) ni de réduire une partie d'une liste (avec une liste plus courte du coté droit).









Rien: NULL

• Contrairement aux vecteurs, **on peut "supprimer" un élément d'une liste** avec l'opérateur [[< - (ou l'opérateur \$< -). Il suffit d'affecter à l'élément à supprimer l'objet vide NULL.

```
> liste[[1]]<- NULL
> length (liste)
[1] 3 

> liste
[[1]]
[1] -1

L'ancien 2ème élément est devenu le premier

[[2]]
[1] NULL

Le « trou » créé par la création de l'ex 4ème élément compte pour 1, et restera même si on supprime ce qui le suit.

[[3]]
[1] -2
```

- NULL est assimilable à une liste vide (« rien ») et ne doit pas être confondu avec NA (« je ne sais pas »). Cf. la réponse à « qu'avez vous mangé ce matin ? » (en général une liste d'aliments) : il faut faire la différence entre « rien » et l'absence de réponse (« j'ai oublié »).
- Le test d'existence d'un élément d'une liste peut se faire en testant l'égalité avec l'objet NULL mais, comme avec les valeurs manquantes, pas directement :

```
soit en utilisant la fonction is.null,
```

soit en testant la longueur de l'élément qui sera alors 0.

```
> is.null(liste$a)
[1] TRUE
```









Convertir une liste en vecteur : unlist

Lorsque tous les éléments d'une liste sont de même type, la fonction unlist permet de construire un vecteur en "écrasant" tous les éléments de la liste.

```
> list(1, 2, 3) %>% unlist()
[1] 1 2 3

> list(1, "a") %>% unlist()
[1] "1" "a"

> list(1, list(2,3)) %>% unlist()
[1] 1 2 3
```

Lorsque les éléments de la liste sont nommés, les éléments du vecteur résultat sont -par défaut (voir paramètre ad'hoc)- également nommés.







Il y a liste et liste!

- En mémoire la structure de liste n'est guère différente de celle d'un vecteur afin de permettre le même type d'accès aléatoire.
- Mais d'autres éléments de R nécessitent une structure de liste : un programme est une liste d'appels de fonctions.

Pour ses besoins internes, R utilise une structure de liste (« pair list ») formée de cellules chaînées entre-elle, directement héritée de LISP. Chaque cellule a un « tag » spécifiant son contenu, un « car » donnant le contenu et « cdr » indiquant la suite de la liste.

La navigation dans ce type de structure n'est pas possible sans recours aux fonctions internes, mais des conversions sont possibles avec la fonction as.list.

```
> liste <- list(a=1,b=2)</pre>
> library(pryr)
> inspect(liste)
<VECSXP 0x12952cb8>
  \langle REALSXP 0x12952c40 \rangle \# vecteur 1
  <REALSXP 0x12952c68> # vecteur 2
attributes:
  <LISTSXP 0xcfeabf8>
  tag:
    <SYMSXP 0x6091fd8>
  car:
    \langle STRSXP 0x12952ce0 \rangle
                                Les noms
      <CHARSXP 0x70c0860>
      <CHARSXP 0x87fe570>
  cdr:
    NULL
> is.vector(liste)La liste des attributs
     TRUE
```









Pour l'exercice RAPPEL : Les expressions régulières

• Les expressions régulières sont un outil de **test de chaînes de caractères** permettant de reconnaître la présence d'un ensemble de chaînes possibles grâce à une syntaxe spécifique :

```
un des caractères ^ $ . * + ? | ( ) [ ] { } \
```

- La fonction str_detect du package *stringr* est une des fonctions réalisant ce genre de tests : elle cherche si son premier argument contient quelque chose ressemblant à son second argument et répond vrai ou faux. Le premier argument peut être un vecteur, le résultat sera un vecteur de booléens.
- Les éléments de syntaxe les plus fréquemment utilisés :

```
# arg...
                           # commence par '0'
str detect(arg,"^0")
                          # se termine par '0'
str detect(arg, "0$")
str detect(arg,"^\\$")
                           # commence par '$' non interprété
str detect(arg, "^.0")
                          # commence par n'importe quel caractère puis un 0
str detect(arg, "^[1-6]")
                          # commence par un caractère de '1' à '6'
str detect(arg, "^[1-68]") #
                            commence par un caractère de '1' à '6' ou un '8'
str detect(arg, "^[^1-6]") #
                            commence par tout sauf un caractère de '1' à '6'
str detect(arg, "^\\d")
                            commence par un chiffre décimal
str detect(arg, "^.*9")
                            commence par 0 et + caractères quelconques puis un 9
str detect(arg, "^.+9")
                             commence par 1 et + caractères quelconques puis un 9
str detect(arg, "^01?")
                             commence par 0 et éventuellement un 1
str detect(arg, "^0(19)?")
                             commence par 0 et éventuellement le groupe '19'
str detect(arg, "^(19|20)")#
                             commence par '19' ou '20'
```







Fin de la séquence XML acte I – scène 2 De la liste au data frame

• Avec la fonction str_split, éclater la colonne issue du data.frame précédent pour séparer en une liste de couples nom=valeur. Afficher la structure de la première ligne de la table résultat.

⇒ Séquence R2 « Les listes »

- La table obtenue précédemment n'est pas « propre » (des données non élémentaires dans la dernière colonne). Avec la fonction unnest de *tidyr*, répartir la nouvelle colonne de type liste sur plusieurs lignes.
- Avec la fonction separate, séparer les deux composants des couples nom=valeur dans deux nouvelles colonnes.
- Le résultat peut être considéré comme une table en format long : un colonne indique le nom de la donnée, une autre la valeur. Mettre le résultat en format « large » (fonction spread ou équivalent): une colonne par modalité du nom.
- Avec la fonction gf_point de *ggformula*, faire une carte des latitudes longitudes, en les ayant préalablement converties en numérique.







Fin de la première demi-journée Résumé

- Les principes fondamentaux
- Les structures de base :
 - Vecteur
 - Liste
- Quelques opérateurs :
 - Vecteurs et listes

```
[<-
```

- Listes

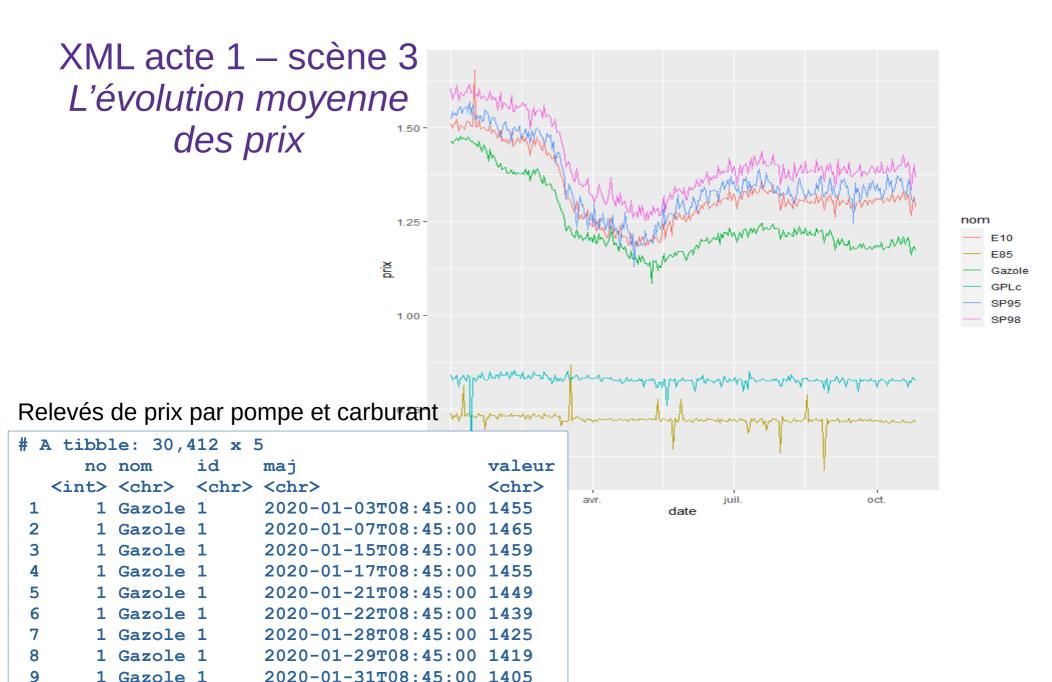
```
[[<
```











2020-02-03T08:45:00 1399



10



1 Gazole 1

with 30,402 more rows

```
Important
             5
             4
  Utile
             1
 Eviter
             1
Important
  Utile
```

Rare

Séquence F1 Définir une fonction

Définir une fonction c'est facile!

Tout est fonction

Tout redéfinir est facile

"To understand computations in R, two slogans are helpful:

- Everything that exists is an object.
- Everything that happens is a function call."











Créer une fonction c'est facile!

- 1) Lister les **noms des paramètres** de la fonction
- 2) Ecrire une **expression** utilisant ces paramètres
- 3) Donner un **nom** à la fonction
- 4) exécuter le code donnant la définition pour créer la fonction dans l'environnement courant
 - 5)... et consommer sans modération

> Somme <
function (début, fin)

sum (c(-1,1) * (début: fin) ^2)

> Somme (1,100) [1] 5050

NOTE: function n'est pas vraiment un mot clé, mais... une fonction dont, certes, la syntaxe est un peu spéciale. Comme toute fonction elle crée un objet. Une fonction est un objet, juste un objet d'un type particulier.









L'utilisation des fonctions



Bien distinguer la définition d'une fonction et son utilisation :

- <u>Un nom seul</u> est interprété comme l'accès à l'objet qu'il référence, dans le cas d'une fonction c'est le code de la fonction.
- Un nom suivi de parenthèses, éventuellement sans rien dedans, correspond à l'appel de la fonction avec les arguments précisés entre parenthèses.

Dans un pipe, du coté droit on trouve un appel de fonction qui sera complété par le résultat du calcul spécifié coté gauche : l'usage des parenthèses devrait donc être obligatoire même s'il n'y a pas d'argument complémentaire. Avec le pipe de la 4.1 on n'aura plus le choix.

```
> Somme <- function(x,y)</pre>
             sum(c(-1,1)*(x:y)^2)
# Entrer le nom seul veut dire qu'on
# veut savoir à quoi il est associé
> Somme
function (x,y) sum (c(-1,1)*(x:y)^2)
# Un nom suivi de parenthèses est un
# appel de fonction
> Somme()
Erreur dans Somme() :
  l'argument "début" est manquant,
  avec aucune valeur par défaut
> 1 |> print
Erreur : L'opérateur pipe nécessite
  un appel de fonction comme membre de
 droite
> 1 |> print()
[1] 1
```







L'expression formant la fonction...

- Soit UNE fonction éventuellement faisant appel à d'autres fonctions ou opérateurs de façon emboîtée, enchaînés par un pipe ou appels imbriqués.
- Soit l'appel de la fonction « accolades » à la syntaxe spéciale où les arguments sont séparés par des point-virgules ou des passage à la ligne et qui évalue successivement tous ses arguments pour donner en résultat le résultat de l'évaluation du dernier.

```
> Somme <-
  function (début, fin)
    sum(c(-1,1)*(début:fin)^2)
```

```
> Somme <-
  function(début, fin) {
    temp <- début:fin
    sum(c(-1,1)*temp^2)
```



Les accolades ne sont pas une notation syntaxique mais une fonction à part entière utilisable partout :

```
> 100 %>%
\{t <- 1:. ; sum(c(-1,1)*t^2)\}
[1] 5050
```









Nommer ses fonctions

Un nom de fonction est un symbole et est donc sujet aux mêmes contraintes :

- commencer par une lettre ou un point
- contenir des lettres, des chiffres, des points ou un underscore _.

La notion de "lettre" est moins simple qu'il n'y parait car au delà des caractères de a à z (et majuscules), on peut parfois utiliser des caractères spécifiques à la langue déclarée lors de l'installation (les caractères accentués en français) ou des caractères issus d'autre alphabets. Mais cette possibilité est hautement dépendante du système d'exploitation et de son paramétrage. Utiliser une fonction nommée λ est parfois possible mais pas forcément une bonne idée.







Utile

Nommer ses fonctions Quelques bonnes pratiques

- Utiliser des noms parlants : 'f' n'est bon que pour une démonstration ou un test.
- **Ne pas préfixer** par quelque chose comme fonction_ ou f_... . Le contexte de déclaration et d'usage est suffisamment explicite pour qu'on voie au premier coup d'oeil qu'il s'agit d'une fonction.
- Eviter les points. Bien qu'il y ait une fonction file.choose en contre exemple et que rien n'interdit leur usage, les points servent à la définition de <u>fonctions génériques</u> telles <u>print.ggplot</u> (fonction qui se charge de l'impression d'un objet généré par *ggplot2*). Noter que les objets dont les noms commencent par un point ne sont pas visibles dans la fenêtre environnement de RStudio.
- Faire un usage raisonné des majuscules : une habitude, indépendante de R, est de réserver les noms complètement en majuscules à des données <u>constantes</u> sur tout le programme.
- Utiliser des noms composés d'un verbe suivis du type d'objet, par exemple : lire_fichier, generer_boxplot...

On peut aussi utiliser le "camelCase": lireFichier, genererBoxplot... Mais il faut prendre garde qu'en cas d'incursion dans les couches objets S4 et R6, cette notation y est l'équivalent de l'usage du point avec les fonctions génériques,







Nommer les paramètres

- Les noms des paramètres sont, comme les noms des fonctions, des symboles qu'on peut choisir arbitrairement.
- Néanmoins, si le code de la fonction est un peu long (ce qui n'est pas souhaitable!) il peut être intéressant d'avoir une convention de nommage qui permet de séparer au premier coup d'oeil ce qui est paramètre de ce qui ne l'est pas. Il n'existe pas de préconisation standard mais on peut penser à ;
- Préfixer par p_: p dep
- Préfixer par un point, c'est qui est fait dans dplyr
- Préfixer par un article : leDep (theDep en anglais)
- <u>Utiliser une majuscule au début</u> : Dep

Le tout sera de se tenir aux choix faits!

- La limite de ce type de convention est qu'elle ne s'applique qu'aux premiers paramètres lorsque leurs valeurs seront passées par position. Pour les suivants où la valeur sera passée par le nom du paramètre, mieux avoir quelque chose de parlant pour l'utilisateur plutôt que pour le programmeur de la fonction.
- Enfin, s'il y a une éventualité que la fonction sorte de l'hexagone, par exemple en faisant partie d'un package, il faut s'habituer à tout écrire en anglais, nom de la fonctions, des paramètres et, bien sûr, commentaires et documentation.







Exercice rapide

Une première fonction

 Transformez en fonction de deux paramètres le code suivant, pour qu'on puisse l'utiliser avec n'importe quel département (ou liste de départements) et une autre variable que 'indnatm'.

• Testez sur 976, 'indnatp'. Résultat attendu :







Au delà du standard...

 Au delà des noms constitués de façon normale, il est possible d'avoir des symboles qui contiennent des caractères en principe interdits. Ceci arrive parfois quand on génère des tables sans prendre trop garde aux noms des colonnes. :

• De tels noms sont généralement (pas avec *ggformula*, par exemple!) manipulables à condition de les inclure entre backticks (ou backquote, l'accent grave, alt-Gr-7), pas vraiment commodes. Ou parfois entre quotes, plus commodes mais avec des risques de confusion plus qu'élevés entre nom de symbole et chaîne de caractère!







Important

Principe numéro 4

Des fonctions absolument partout! mais des fonctions aux noms non standard

- Les noms de fonction non standard ne font que compliquer leur usage. Néanmoins **les multiples notations syntaxiques de R cachent en fait des appels à des fonctions**. Et ces fonctions ont systématiquement des noms qui sortent franchement du standard.
- Les opérateurs: +, -, *, / et d'autres qu'on verra ensuite

```
> `*`
function (e1, e2) .Primitive("*")
> .Primitive("*")(6,7)
[1] 42
```

- L'assignation, les accolades, les crochets, les parenthèses, le « mot-clé » function...

```
> `<-`
.Primitive("<-")
> `{`
.Primitive("{")
> `(`
.Primitive("(")
> `function`
.Primitive("function")
```

• .Primitive est la fonction qui réalise l'interface entre le code R et le code C du noyau.









Construire un opérateur : % ... %

• Un cas particulier de syntaxe dans les noms de fonction est l'usage du caractère "pourcent" comme dans %>% (on peut mettre n'importe quel caractère différent de % entre les %, y compris des espaces). Le caractère "pourcent" offre la possibilité de définir ses propres opérateurs binaires, Cela fournit juste une syntaxe alternative à tout appel de fonction à deux arguments.

Par exemple, pour définir un opérateur de concaténation de chaînes de caractères :

```
> `%+%` <- function(left,right) paste0(left, right)
> "un" %+% " " %+% "petit" %+% " " %+% "essai"
[1] "un petit essai"
```

• Enfin, il a existé un opérateur :=. Bien qu'il ne soit plus défini en R, cette notation continue à être reconnue comme syntaxiquement valide et l'opérateur a été (re)défini dans certains packages comme *dplyr* (marginalement), *data.table* (massivement), et donc ne disparaîtra pas. Pour ceux qui ne font pas de complexes, ce peut être une opportunité de définir quelque chose porté par une syntaxe synthétique. On verra un exemple plus tard.







Exercice rapide

Un opérateur

- Construire l'opérateur manquant %not in%: non appartenance à une liste.
- Que donne ?

```
"width" %not in% names(options())
```









Pour rire! Redéfinir des éléments clés du langage

L'existence d'une fonction donne le droit de la redéfinir... à ses risques et périls. Les fonctions utilisant la fonction redéfinie ne seront peut être pas préparées à subir les derniers outrages !

Néanmoins ce genre de technique (avec « un peu » de précautions pour ne rien casser) peut se justifier le cas d'un objet de type particulier où on veut une syntaxe qui sorte de l'ordinaire.









RAPPEL: les packages

- Les packages sont un composant essentiel de l'éco-système R. Même les fonctions statistiques ou utilitaires de base sont dans des packages chargés automatiquement avec le noyau : 'stats' et 'util'.
- Pour utiliser les fonctionnalités développées par des milliers de contributeurs dans le monde, on aura nécessairement besoin de plusieurs packages complémentaires plus ou moins recommandés par les formations, les collègues, etc. La démarche est en deux temps :
 - 1) <u>Installer dans le répertoire de packages du **disque** de l'ordinateur</u>
 - En provenance d'internet (site CRAN), la fonction : install.packages, ou le bouton 'install' de l'ongle 'package' de RStudio.
 - En provenance d'un répertoire de l'ordinateur, c'est à dire dans un contexte de développement de package, il y a plusieurs procédures possibles, dont une est en démonstration en annexe du support.
 - 2) <u>Utiliser le package c'est à dire installer le package en **mémoire**</u>
 - La fonction library ou cocher la case dans la liste des packages connus (installés).
- Remarque : Les deux opérations précédentes peuvent être annulées (ce n'est utile qu'en développement) : respectivement detach et remove.packages.









L'accès direct à une fonction d'un package

Le chargement d'un package avec library n'est pas une fatalité. Si le package voulu est installé, on peut invoquer ses fonctions avec l'<u>opérateur</u> ::

Les fonctions du noyau sont dans le pseudo package 'base'.

- ATTENTION : ne pas conclure trop vite autour de l'usage du terme « chargement » pour library. En terme d'occupation mémoire l'économie proposée par les :: est minime : juste le dictionnaire des fonctions du package.
- L'usage de :: est une pratique courante et conseillée à l'intérieur de code destiné à être partagé.
 - Cela rend explicite la référence aux packages utilisées par le code
 - Cela évite qu'une fonction de même nom mais dans un autre package soit utilisée à tort.







Représentation interne (1/2)

 La représentation interne d'une fonction est une « expression » : une arborescence de symboles.

```
> p <- parse(text="function(x,y) x + y", keep.source=TRUE)</pre>
> getParseData(p)
   line1 col1 line2 col2 id parent
                                                  token terminal
                                                                        text
17
                         19 17
                                                            FALSE
                                                   expr
1
                                               FUNCTION
                                                              TRUE function
                                    17
                                                     1 (1
                                                              TRUE
                        10 3
            10
                                        SYMBOL FORMALS
                                                              TRUE.
                                                                            X
            11
                         11
                                    17
                                                              TRUE
                                        SYMBOL FORMALS
                                                              TRUE
            13
                                    17
                                                     1) 1
                                                              TRUE
15
           15
                                    17
                                                            FALSE
                                                   expr
            15
                                    11
                                                 SYMBOL
                                                              TRUE
                                                                            X
            15
                                    15
                                                            FALSE
                                                   expr
                         17 10
10
            17
                                    15
                                                              TRUE
                         19 12
12
            19
                                    14
                                                 SYMBOL
                                                              TRUE
                                                                            y
14
            19
                         19 14
                                     15
                                                   expr
                                                             FALSE
```





Représentation interne (2/2)

 Néanmoins depuis la R3.4, un compilateur à la volée transforme automatiquement un code souvent utilisé en instructions d'une machine virtuelle, du « bytecode ». C'est ce code, plus efficace, qui sera désormais utilisé.

```
> f <- function(x,y) x + y
> f
function(x,y) x + y
> f(1,2)
[1] 3
> f
function(x,y) x + y
> f(2,3)
[1] 5
> f
function(x,y) x + y
```







Il y a fonction et fonction!

- En pratique il a trois types de fonctions, dont deux premiers types de fonctions complètement internes (pas de code R):
 - des fonctions qui évaluent tous leurs arguments a priori, avant le calcul du résultat : les builtin,
 - des fonctions qui évaluent leurs arguments en fonction de leur besoin, donc pas a priori, les special,
 - des fonctions définies en R avec function, y compris dans le noyau : les closure. L'évaluation des arguments n'est pas systématique.
- La fonction typeof retourne la représentation interne, contrairement à class qui peut être modifié par l'utilisateur.

```
> typeof(`+`)
[1] "builtin"
> typeof(`{`)
[1] "special"
> typeof(quote)
[1] "special"
> typeof(library)
[1] "closure"
> f <- function (x) x+1
> typeof(f)
[1] "closure"
```





```
Important 1

Utile 3

Avancé 1

Utile 1
```

Séquence F2 Les paramètres des fonctions

Promesses missing l'ellipse do.call







Paramètres non renseignés : les valeurs par défaut

• Lors de la définition d'une fonction, on peut préciser des valeurs par défaut :

```
> f <- function(x=1, y=2) x+y
> f()
[1] 3
> f(y=1)
[1] 2
```

 Grace à l'évaluation retardée (détaillée dans une séquence ultérieure), les valeurs par défaut peuvent être des expressions et même faire référence à d'autres paramètres. Le calcul ne sera fait qu'en cas de besoin, dans l'environnement de la fonction. Ces expressions sont du type « promesse » ('promise'), une structure spécifique.

```
> f <- function(x=y/2, y=2*x) x+y
> f(1)  # x est fourni, y sera calculé à partir de x
[1] 3
> f(y=1) # y est fourni, x sera calculé à partir de y
[1] 1.5
> f()
Error in f():
    la promesse est déjà en cours d'évaluation : référence récursive d'argument par défaut ou problème antérieur ?
```







Paramètres non renseignés: la fonction missing

 En l'absence de valeur par défaut, l'appel d'une fonction sans alimenter un paramètre est encore possible car en raison de l'évaluation retardée c'est à la fonction de décider de ce qu'elle fait de ses paramètres.

Par défaut :

```
> f <- function(x=1, y) x+y
> f(1)
Error in f(1):
  l'argument "y" est manquant, avec aucune valeur par défaut
```

• La fonction missing, <u>appelée dans le corps de la fonction</u>, permet d'intercepter les cas de paramètres non renseignés.

```
> f <- function(x, y) if (missing(x) | missing(y)) 42 else x+y
> f(2)
[1] 42
> f(2,3)
[1] 5
```







Exercice rapide

Paramètres avec valeur par défaut

 Transformez en fonction de deux paramètres le code suivant, pour qu'on puisse l'utiliser avec n'importe quel département (ou liste de départements) et une autre variable que 'indnatm'.

Faites en sorte que par défaut, la fonction travaille sur le département 974.









Des paramètres sans nom : l'ellipse '...'

• Le <u>symbole</u> '...' spécifié dans les paramètres d'une fonction joue un rôle particulier : il collecte le reste des arguments après que les autres paramètres aient été alimentés par les arguments de l'appel de la fonction.

```
> f <- function (x,...) str(get("..."))
> f(1,TRUE,z=2)
length 2, mode "...": TRUE 2 Ni une liste, ni un vecteur!
```

• Il s'agit d'un objet d'un nouveau type et structure très spécifiques, mais **cet objet peut être transféré à une autre fonction** qui pourra, par exemple, le mettre sous une forme exploitable : list ou c, pour ensuite permettre de parcourir l'ensemble des valeurs.



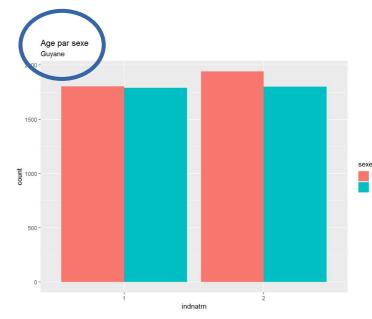




Une utilisation classique de l'ellipse

L'ellipse peut aussi servir à transporter des paramètres destinés à une autre fonction sans préciser quels sont ces paramètres. C'est le mécanisme utilisé par les fonctions 'import' et 'export' de rio pour, sans programmation complémentaire, autoriser la spécification d'options propres aux fonctions des divers packages qui sont appelés suivant le suffixe du fichier.

Dans l'exemple ci dessous la fonction 'realiser_graphique' est définie avec un unique paramètre fournissant le département de travail mais on peut lui passer n'importe quoi d'autre qui sera alors transmis à la fonction 'gf_bar'.



```
> realiser_graphique <- function(.dep = "13", ...)
   Naissances %>%
   filter(depnais==.dep) %>%
    gf_bar( ~ indnatm, fill=~ sexe, position= "dodge", ...)
> realiser graphique(.dep = "973", title = "Age par sexe", subtitle = "Guyane")
```







Avancé

Appeler une fonction avec ses paramètres dans une liste: la fonction do.call

En R il est facile de construire dynamiquement un appel de fonction :

- on peut paramétrer le nom de la fonction à appeler :

```
> f <- `*`
> f(6,7)
[1] 42
```

- Il est trivial de paramétrer chacun des arguments,

```
> p <- 6 ; q <- 7
> f(p,q)
[1] 42
```

- la fonction do.call permet de paramétrer l'ensemble des arguments qu'on doit fournir en les spécifiant sous forme d'une unique liste :

```
> 1 <- list(6,7)  # 'c' construirait un vecteur non une liste
> do.call(f,1)
[1] 42
```

Cette fonction est souvent utile dans des contextes où les valeurs des arguments proviennent de fonctions de type 'Map' et où la fonction travaille uniformément sur ses arguments :

```
> do.call(sum, Map(function(x) x^2, 1:10))
[1] 385
```



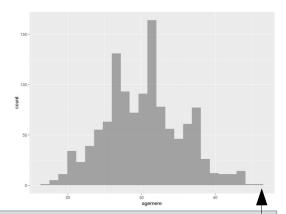






La reconnaissance des noms des paramètres : la fonction match.arg

- Lorsqu'on appelle une fonction en donnant le nom des paramètres il n'est pas nécessaire de les donner en entier : toute abréviation non ambiguë fait l'affaire.
- La fonction qui est derrière ce mécanisme est match.arg qui permet de convertir une abréviation en un nom complet appartenant à une liste prédéfinie.









Fin de la séquence XML acte 1 – scène 3 « On ne copie pas ! »

⇒ Séquence F1 « Les fonctions »

 Rassembler toutes les étapes, sauf la première et la dernière, dans une seule fonction sans argument. Tester le graphique.

=> Séquence F2 « Les paramètres des fonctions »

• Paramétrer cette fonction pour qu'elle puisse fonctionner sur les lignes « pdv » mais aussi « prix » ou d'autres (attention le marqueur de fin est différent, ' />' avec un espace avant, mais ce sont les lignes point de vente qui constituent une exception).

Rappel: Un peu de statistiques

- Rajouter une colonne 'date' (de type date) à partir du début de la colonne 'maj'. Mettre en numérique le contenu de 'valeur' (le prix en millièmes d'euros), puis calculer le prix moyen du SP98 par jour (fonctions group_by et summarise de dplyr). Avec la fonction gf_line tracer l'évolution du prix moyen.
- Faire la même chose en superposant les courbes obtenues pour chaque type de carburant.







Corrigé

```
lire <- function(tag)</pre>
  z[str detect(z,paste0('<',tag,' '))] %>%
  str replace all(paste0(" +<",tag,' '),"") %>%
  str replace all(paste0(' */?>'),"") %>%
  str replace all("\"","") %>%
  data.frame(
             d=.
             no=seq along(.),
             stringsAsFactors=FALSE) %>%
 mutate(l=str split(d," +")) %>%
  unnest(1) %>%
 separate(1,c("clé","donnée"),"=") %>%
  spread (clé, donnée)
lire("prix") %>%
 filter(nom=="SP98") %>%
 mutate(date=as.Date(substr(maj,1,10)),
         prix=as.numeric(valeur)/1000) %>%
 group by (date) %>%
  summarise(prix=mean(prix)) %>%
  gf line(prix ~ date)
```

R version $\geq 4.1.0$

Une implémentation rigoureuse du pipe dans le noyau de R.

```
lire <- \(tag)
  z[str detect(z,paste0('<',tag,' '))] |>
  str replace all(paste0(" +<",tag,' '),"") |>
  str replace all(paste0(' */?>'),"") |>
  str replace all("\"","") |>
  (\(x)\) data.frame(
             d=x,
            no=seq along(x),
             stringsAsFactors=FALSE))() |>
 mutate(l=str split(d," +")) |>
  unnest(1) |>
  separate(1,c("clé","donnée"),"=") |>
  spread(clé, donnée)
lire("prix") |>
  filter(nom=="SP98") |>
 mutate(date=as.Date(substr(maj,1,10)),
         prix=as.numeric(valeur)/1000) |>
  group by (date) |>
  summarise(prix=mean(prix)) |>
  gf line(prix ~ date)
```





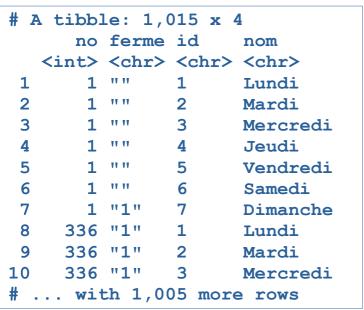


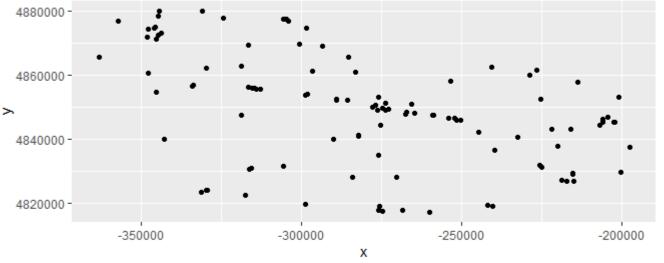




Acte I - scène 4 Les pompes ouvertes le dimanche

Jours d'ouverture par pompe







Important 5

Utile

5

Rare

1

Séquence R3 Les tables de données

data.frame









Un data frame est une liste

Pour les besoins du statisticien, R introduit le data.frame, objet rectangulaire constitué d'une liste de vecteurs :

Un vecteur pour chacune des variables. Chaque variable mesurant la même chose a donc un type unique.

Chaque vecteur a un nom et peut porter des attributs supplémentaires (des "labels" par exemple).

Autant d'éléments dans chaque vecteur que d'observations. Tous les vecteurs ont donc la même hauteur.

Un exemple : une petite table de 4 observations (lignes) et 4 variables (colonnes = vecteurs)

CODGEO	SUPERF	POP	URBAIN
↓	•		•
"16015"	22	42081	TRUE
"17300"	28	75404	TRUE
"79191"	68	58952	TRUE
"86091"	17	423	FALSE

NOTE : En principe, les données présentes dans les colonnes sont issues des types de base et les colonnes sont donc des vecteurs. Mais ce principe peut être violé avec des données de complexité quelconque









Les colonnes ont des noms, les lignes aussi

• La fonction colnames permet de construire un vecteur à partir des noms des colonnes.

• Les lignes aussi peuvent avoir des noms. Ceux ci sont initialisés par défaut au numéro de la ligne. La fonction rownames permet d'extraire le vecteur des noms.

```
> mtcars %>% head(1)%>% rownames()
[1] "Mazda RX4"
```









Accéder à une partie d'un data frame : sélectionner des lignes

La sélection d'une partie d'un data frame peut se faire comme s'il s'agissait d'une matrice : on fournit entre crochets deux arguments. Le premier sert à sélectionner les lignes selon les possibilités suivantes :

- Rien : toutes les lignes
- Un vecteur numérique : uniquement les lignes de numéro cité (déconseillé)
- Un vecteur de nombres négatifs : toutes les lignes sauf celles de numéro cité (déconseillé)
- Un vecteur de chaînes de caractères : uniquement les lignes de nom cité
- **Un vecteur de booléens**, exprimant généralement une condition sur les colonnes. Les colonnes doivent alors être citées par leur nom complet en indiquant la table d'origine, même si cela semble redondant : n'importe quel objet connu de R pourrait intervenir dans la condition.

Tandis que :

```
> mtcars[hp>100 & cyl==4,]
Error in `[.data.frame`(mtcars, hp > 100 & cyl == 4, ) :
  objet 'hp' introuvable
```

Des crochets, une fonction, mais des crochets adaptés aux data frames (cf. principe numéro 6 : toute fonction peut être surchargée)









Accéder à une partie d'un data frame : sélectionner des colonnes

Les colonnes sont sélectionnées par le deuxième argument présent entre crochets, sur le même principe que pour les lignes :

- Rien: toutes les colonnes
- Un vecteur numérique : uniquement les colonnes de numéro cité (déconseillé)
- Un vecteur de nombres négatifs : toutes les colonnes sauf celles de numéro cité (déconseillé)
- Un vecteur de chaînes de caractères : uniquement les colonnes de nom cité
- **Un vecteur de booléens**, exprimant généralement une condition sur les noms (la fonction 'colnames' fournit le vecteur des noms de colonnes)



ATTENTION: Sauf si on rajoute le paramètre drop=FALSE à l'appel de la fonction [, lorsqu'on sélectionne une seule colonne, le résultat est, par défaut, "simplifié". Il n'est plus un data frame mais un vecteur:









Accéder à une partie d'un data frame : sélectionner une unique colonne

Un data frame étant une liste, l'opérateur \$ ou l'opérateur [[permettent de restituer un champ de la liste, donc un vecteur.

```
> mtcars$hp
[1] 110 110 93 110 175 105 245 62 95 123 123 180 180 180 205 215 230 66 52 65 97 150 150 245
[25] 175 66 91 113 264 175 335 109

> mtcars[["hp"]]
[1] 110 110 93 110 175 105 245 62 95 123 123 180 180 180 205 215 230 66 52 65 97 150 150 245
[25] 175 66 91 113 264 175 335 109

> mtcars[[4]]
[1] 110 110 93 110 175 105 245 62 95 123 123 180 180 180 205 215 230 66 52 65 97 150 150 245
[25] 175 66 91 113 264 175 335 109
```

La fonction pull de *dplyr* est une alternative à ces deux opérateurs. Son principal avantage est qu'elle s'intègre naturellement dans une syntaxe à base de pipes :

```
> mtcars %>% pull(hp) # ou pull("hp") ou pull(4)
[1] 110 110 93 110 175 105 245 62 95 123 123 180 180 180 205 215 230 66 52 65 97 150 150 245
[25] 175 66 91 113 264 175 335 109
```







Exercice rapide

Filtrer un data frame sans *dplyr*

- 1) Sans utiliser *dplyr* (donc avec les crochets), à partir du fichier de naissances ("IGoR/data/nais2017.fst"), récupérer le vecteur des ages *agemere* de la mère, pour les naissances :
- de filles (sexe est à 2)
- des départements 16 et 18 (depnais)
- hors mariage (amar est à '0000'),
- où la mère a plus de 40 ans.
- 2) Ne produire que les valeurs distinctes (utiliser deux méthodes différentes : avec *dplyr* ou sans, grâce à un peu de recherche).







Corrigé de l'exercice

```
> library(rio)
> naissances <- import("IgoR/data/nais2017.fst")</pre>
> with (naissances,
     naissances[(sexe=='2')&(depnais %in% c("16","18"))&(amar=='0000')
                  &(agemere>40), "agemere"]
 [1] "42" "44" "43" "46" "42" "41" "42" "42" "43" "41" "45" "45" "41" "45" "45" "43"
[16] "41" "41" "41" "43" "41" "45" "45" "42" "43" "43" "41" "41" "41" "42" "42" "43"
> naissances %>%
    with(.[(sexe=='2')&(depnais %in% c("16","18"))&(amar=='0000')
            & (agemere>40), "agemere", drop=FALSE] %>%
          distinct(agemere) %>%
          pull(agemere)
                                          Une seule colonne mais on ne veut pas
                                          de la réduction automatique à un vecteur
 [1] "42" "44" "43" "46" "41" "45"
> naissances %>%
    with(.[(sexe=='2')&(depnais %in% c("16","18"))&(amar=='0000')
            &(agemere>40), "agemere"] %>%
          unique()
                                          # Voir documentation de 'distinct'
 [1] "42" "44" "43" "46" "41" "45"
```





La fonction 'with'

• La fonction with permet de raccourcir l'écriture des conditions en omettant le nom de la table d'origine. Les noms cités sont cherchés en priorité parmi les colonnes de la table fournie en premier argument de with et ne sont pas perturbés par une éventuelle variable portant le même nom.

Avec un pipe qui limite les redondances et rapproche de la simplicité de dplyr:







Modifier un data frame

- La logique pour modifier les cellules existantes d'un data-frame est la même que pour les vecteurs : on met la sélection de cellules à modifier du coté gauche de l'assignation.
- Deux solutions existent selon qu'on considère un data frame comme :
- une liste de vecteurs
- ou comme une matrice.

La seconde possibilité permet en outre de modifier simultanément plusieurs colonnes.

- Ajouter une colonne est également possible : la cohérence est assurée.
- Pour ajouter des lignes il faut faire appel à la fonction de concaténation de data frames : rbind.

```
> df <- read.table(h=TRUE,text=</pre>
11 x
            Z
        1
           NA
 un
 deux NA 2")
> df$z[df$x=="un"]<- 1</pre>
> df
   deux NA
  df[df$x=="un","z"] <- 2
> df
1
   deux NA
> df[df$x=="un",c("v","z")]<-0</pre>
> df
     un
   deux NA
> df$new<- "a"</pre>
> df
     un
                   а
   deux NA
                   a
```





Les avatars des data frames : les 'tibble'

- Par défaut, l'affichage d'un gros « data frame » n'est guère commode : il y a bien une limite en termes de lignes affichées, mais celle ci (certes paramétrable) est élevée. De plus, lorsqu'on a de nombreuses variables, toutes sont affichées conduisant à une présentation sur plusieurs lignes.
- Le monde du "tidyverse" autour du package dplyr introduit la notion de tibble, un « data frame » qui s'affiche "proprement": uniquement 10 lignes (c'est paramétrable) et uniquement les colonnes qui peuvent tenir dans la fenêtre. Le reste est mis en commentaire. Enfin, taille du « data frame » et type des variables sont affichés.

```
> mtcars %>% as tibble() -> a
> a
# A tibble: 32 x 11
                                                                                                                                                                                                                                                                                                                ATTENTION: le
                                                cyl disp
                                                                                                        hp drat
                                                                                                                                                                                                                                                                                     carb
                                                                                                                                                                             qsec
                                                                                                                                                                                                                                                            gear
             <dbl> <
                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 « tidyverse » n'aime pas
                                                                160
                                                                                                                                                                                                                                               1
                 21
                                                                                                    110
                                                                                                                          3.9
                                                                                                                                                    2.62
                                                                                                                                                                             16.5
                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 les noms d'observations,
                21
                                                                160
                                                                                                   110
                                                                                                                         3.9
                                                                                                                                                   2.88
                                                                                                                                                                        17.0
              22.8
                                                        4 108
                                                                                                                         3.85
                                                                                                                                               2.32 18.6
                                                                                                                                                                                                                                                                                                                 ils sont perdus lors de la
               21.4
                                                         6 258
                                                                                                                         3.08
                                                                                                                                                   3.22
                                                                                                                                                                        19.4
                                                                                                   110
                                                                                                                                                                                                                                                                                                                transformation.
                18.7
                                                        8 360
                                                                                                                       3.15
                                                                                                                                                  3.44
                                                                                                                                                                            17.0
                                                                                                   175
                18.1
                                                        6 225
                                                                                                   105
                                                                                                                         2.76
                                                                                                                                                   3.46
                                                                                                                                                                            20.2
                 14.3
                                                        8 360
                                                                                                                         3.21
                                                                                                                                                                         15.8
                                                                                                    245
                                                                                                                                                  3.57
                 24.4
                                                         4 147.
                                                                                                62
                                                                                                                     3.69
                                                                                                                                                  3.19
                                                                                                                                                                                                                                                                                                   2
                 22.8
                                                                                                                                                                             22.9
                                                                141.
                                                                                                                         3.92
                                                                                                                                                   3.15
                                                                168.
            19.2
                                                                                                    123
                                                                                                                          3.92
                                                                                                                                                   3.44
                                                                                                                                                                            18.3
         ... with 22 more rows
```

- REMARQUE : Le mode "tibble" est en fait un exemple d'un nouveau type de données créé comme spécialisation d'un autre plus général (data.frame).
- La fonction 'as.data.frame' permet de faire la conversion inverse.









Les avatars des data frames : accéder à une partie d'un fichier **fst**

 La fonction fst du package fst permet d'établir une connexion avec un fichier créé par ce package et de travailler dessus comme s'il s'agissait d'un « data frame » en mémoire, mais sans le charger, avec l'essentiel des mécanismes de sélection de lignes ou de colonnes décrits précédemment.

```
> library(fst)
> f1 <- fst("IGoR/data/nais2017.fst")</pre>
> str(f1)
                                                     'f1' n'est pas un data frame
List of 4
 $ meta
             :List of 7
             : chr "D:\\h2izgk\\PALETTES\\IGoR\\data\\nais2017.fst"
  ..$ path
  ..$ nrOfRows : num 792868
  ..$ keys
                  : NULL
  ..$ columnNames : chr [1:10] "comnais" "depnais" "reqnais" "sexe" ...
  ..$ columnBaseTypes: int [1:10] 2 2 2 2 5 2 2 2 2 2
  ..$ keyColIndex : NULL
  ..$ columnTypes : int [1:10] 2 2 2 2 10 2 2 2 2 2
  ..- attr(*, "class")= chr "fstmetadata"
 $ col selection: NULL
 $ row selection: NULL
 $ old format : logi FALSE
                                                    'f1' peut être utilisé comme un data frame
> f1[1,c("depnais","agemere")]
 depnais agemere
      01
```

• ATTENTION: Le raccourci avec with ne marche pas, pas plus que les fonctions de *dplyr*. Un objet issu de *fst* n'est pas un « data frame ».









length **et** ncol, nrow colnames **et** names

Un « data frame » est une liste, certes, mais des packages comme **fst** ou **dbplyr** (vers des bases de données) mettent à disposition des objets qui se comportent comme des « data frame » sans en être. Il est donc judicieux de ne pas trop faire confiance à l'équivalence avec une liste et d'utiliser les fonctions explicitement construites pour récupérer les metadonnées.

• Pour obtenir le nombre de colonnes, length ne donne pas toujours le bon résultat. C'est ncol qui donne le nombre de colonnes d'une table :

```
> length(f1)
[1] 4
> ncol(f1)
[1] 32
```

- Pour obtenir le nombre des colonnes, names donne le noms des éléments d'une liste ou d'un vecteur mais pourrait ne pas avoir de sens pour un data.frame. C'est colnames qu'il faut utiliser.
- De même, regarder la longueur d'un vecteur de la liste constituant le data frame pourrait ne pas avoir de sens. C'est nrow qui donne la taille d'une table :

```
> nrow(f1)
[1] 769553
```







Des data frames hors norme : I

 Le schéma usuel où au croisement d'une ligne et d'une colonne on trouve une donnée élémentaire n'est pas une fatalité.

Les fonctions nest de *tidyr*, str_split de *stringr* sont des exemples de fonctions qui peuvent amener à des structures plus complexes.

 Invoquée à l'intérieur de la fonction data.frame la fonction I (pour « as is ») est le moyen élémentaire de créer une table où une des colonnes n'est pas un vecteur.

```
> (df <- data.frame(no=1:2,</pre>
   x=I(list(list("a","b"),
             list("c","d","e")))))
  no
        a, b
               Attention : la présentation
  2 c, d, e
               peut être trompeuse :
               les virgules n'appartiennent pas
               aux données!
> str(df)
'data frame':
                2 obs. of 2 variables:
 $ no: int 1 2
 $ x :List of 2
  ..$ :List of 2
  ....$ : chr "a"
    ..$ : chr "b"
  ..$ :List of 3
    ..$ : chr "c"
    ..$ : chr "d"
  ....$ : chr "e"
  ..- attr(*, "class") = chr "AsIs"
```







Des data.frames hors normes Démythifier le data frame

- Un « data frame » n'est rien d'autre qu'une liste de colonnes (des vecteurs ou des listes), agrémentée de propriétés supplémentaires :
 - Des noms aux colonnes
 - Des noms aux lignes
 - Une classe "data.frame"
- Il est donc tout à fait possible d'en créer de façon complètement artisanale.

```
> m <- matrix(1:6,nrow=2,ncol=3)</pre>
> m
     [,1] [,2] [,3]
[1,] 1
[2,1
> df <- list(x = c("un", "deux"), y=m)
> class(df) <- "data.frame"</pre>
> row.names(df) <- 1:2</pre>
> df
     x y.1 y.2 y.3
   un
2 deux 2
> str(df)
                2 obs. of 2 variables:
'data.frame':
 $ x: chr "un" "deux"
 $ y: int [1:2, 1:3] 1 2 3 4 5 6
> df[1,]
 x y.1 y.2 y.3
1 1
```







Fin de la séquence

Acte I - scène 4 Une architecture complète

⇒ Séquence R3 « data frames »

- 1) En revenant au résultat brut du readLines, deux premières lignes exclues, construire un data frame de deux colonnes : le numéro de la ligne et le contenu de la ligne.
- 2) Sans utiliser *dplyr*, mettre à valeur manquante le numéro de toutes les lignes autres que celles d'un point de vente.
- 3) Avec la fonction na.locf du package **zoo**, remplacer chaque valeur manquante par la dernière valeur non manquante.
- 4) Modifier la fonction écrite précédemment pour utiliser la table qu'on vient de construire au lieu du vecteur issu de readLines. L'appliquer au niveau point de vente, puis au niveau « jour ».
- 5) Quelles sont les pompes ouvertes le dimanche ?







Retour sur la deuxième demi-journée

Les fonctions

Définir une fonction : function

Juste une <u>substitution des constantes par des noms</u> de paramètres.

Ni accolades, ni 'return' sauf cas compliqués.

Les paramètres des fonctions :

Valeurs par défaut

L'ellipse ..., dans les fonctions des packages.





XML acte II

Un nouveau personnage, mais des listes rien que des listes...

• Avec la fonction read_xml du package xml2, lire la totalité du contenu du fichier. Afficher la structure obtenue. Puis convertir le résultat en liste à l'aide de la fonction as_list du même package.

Le résultat est une très très longue liste similaire à la structure interne du fichier XML. Hormis la première ligne d'en tête, celui ci est en fait constitué d'une unique liste de points de vente, et chaque élément de la liste est une liste décrivant les données du point de vente.

Utiliser le paramétrage max.level=2 de la fonction str pour visualiser le sommet de la structure.

- Si 'xml2' est le résultat de l'opération précédente xml2[[1]] (aussi nommé xml2\$pdv_liste) est la liste des points de vente et xml2[[1]][[42]] est le 42ème point de vente et ses données.
- Visualiser xm12[[1]][[42]].

Chacune des données se présente sous forme de liste , par exemple :

xml2[[1]][[42]]\$adresse qui est une liste d'une seule chaîne de caractères, l'adresse. L'adresse est donc en

```
xml2[[1]][[42]]$adresse[[1]].
```







La structure du fichier vue par *xml2*

Premier niveau de liste

Un seul élément : l'en-tête du fichier

xml2[[1]]
xml2\$pdv_liste

Deuxième niveau de liste

Un élément par point de vente, de numéro <i>

xml2\$pdv_liste[[i]]

Troisième niveau de liste

Un élément par donnée

xml2\$pdv_liste[[i]]\$ville
xml2\$pdv_liste[[i]]\$adresse

...

<u>Quatrième niveau</u>: les données

Soit des attributs des nœuds précédents

Soit un élément de la liste présente au niveau précédent







XML acte II scène 1 Les adresses des points de vente

```
# A tibble: 145 x 3
     no ville
                     adresse
  <int> <chr>
                     <chr>>
      1 Saint-Brieuc "LES VILLAGES"
      2 SAINT-BRIEUC "3 Rue Champlain"
      3 SAINT-BRIEUC "Rue Guillaume Apollinaire"
      4 SAINT-BRIEUC "44 Boulevard Charner"
      5 Saint-Brieuc "28 Rue Edmond Rostand"
      6 SAINT-BRIEUC " Rue Guillaume Apollinaire"
      7 Saint-Brieuc "44, BOULEVARD CHARNER"
      8 Saint-Brieuc "RUE GUILLAUME APOLLINAIRE"
      9 OUEVERT
                    "C CIAL LE CHENE"
10
     10 Taden
                    "Le Pré des Landes"
  ... with 135 more rows
```





```
Important 4

Utile 5

Rare 2
```

Séquence B Faire des traitements itératifs

Comment répéter un appel de fonction un nombre fixe de fois









Itérer un traitement un nombre fixe de fois (1/3)

R est un langage fonctionnel.

Le principe le plus naturel en R pour répéter un traitement consiste à :

- définir le traitement sous forme d'une fonction dont les paramètres seront ce qui va varier entre les différents traitements,
- appliquer cette fonction aux différents cas, en spécifiant ceux ci sous forme de liste.

Il existe de nombreuses fonctions permettant d'appliquer une fonction à chacun des éléments d'une liste. En utilisant le R de base, pour effectuer la lecture successive des deux départements de Charente (16) et Charente-Maritime (17), on pourra faire :

```
> ldf <- Map(lire1, c("16","17"))
```

Le résultat est une liste de résultats, un pour chacune des lectures :

```
> str(ldf)
List of 2
$ 16:'data.frame': 3027 obs. of 2 variables:
..$ depnais: chr [1:3027] "16" "16" "16" "16" ...
..$ agemere: chr [1:3027] "34" "34" "31" "21" ...
$ 17:'data.frame': 4826 obs. of 2 variables:
..$ depnais: chr [1:4826] "17" "17" "17" "17" ...
..$ agemere: chr [1:4826] "29" "36" "27" "37" ...
```









Itérer un traitement un nombre fixe de fois (2/3)

- Les arguments de la fonction Map :
 - Une fonction (les fonctions sont des objets comme les autres on peut donc les passer en paramètre):
 - Soit par son nom (donc un symbole)

```
> Map(<u>import</u>, c("nais2017.dbf", "nais2017.fst"))
```

- Soit par sa seule définition, une fonction sans nom (cela arrive très souvent!)
- > Map(function(x) paste0("nais2017.",x) %>% import(), c("dbf", "fst"))
 - Une « liste » de valeurs :
 - Soit une liste, quelle qu'elle soit (p.e. les colonnes d'un data.frame)
 - Soit un vecteur
- Le résultat de la fonction Map:
 - Est systématiquement une liste (pas un vecteur), voir unlist si besoin,
 - dont les composants peuvent avoir un nom (si la liste de valeurs est un vecteur de chaînes de caractères)
 - cf. l'exemple précédent.









Itérer un traitement un nombre fixe de fois (3/3)

Le résultat d'un appel de Map étant une liste, il n'est pas directement utilisable par les fonctions de *dplyr*. Par contre on peut continuer à travailler dans une logique d'itération et de résultats sous forme de liste :

Et si on désire réellement revenir à une logique de table unique, le R de base offre la fonction Reduce qui combine successivement tous les éléments d'une liste pour obtenir un élément unique. :

```
> df <- Reduce(bind_rows, ldf)
> str(df)
'data.frame': 7853 obs. of 2 variables:
$ depnais: chr "16" "16" "16" "16" ...
$ agemere: chr "34" "34" "31" "21" ...
Rappel:
bind_rows = concaténation
```

Remarque : 'map' et 'reduce' forment une logique réutilisée en « big data », où 'map' distribue le travail à faire sur les différentes machines et 'reduce' collecte l'ensemble des résultats.







Exercice rapide

Une première boucle avec Map

- 1- Charger le fichier « IGoR/data/poplegale_6815.sas7bdat » et en afficher la structure.
- 2- Avec les fonctions Map et class, récupérer une liste d'autant d'éléments que de colonnes et contenant la classe de chaque colonne.
- **3-** Enigme : comment fabriquer un data.frame à partir du résultat précédent (deux colonnes « nom », « classe »)?







La fonction Filter

 Alors que le résultat de la fonction Map a autant d'éléments que la liste qui lui est fournie,

la fonction Filter permet de boucler sur une liste en ne retenant que les éléments vérifiant une condition.

• Filter transforme son résultat en vecteur si c'est possible.

```
> p <- import("poplegale 6815.sas7bat")</pre>
> Map(function(x)
        if (is.numeric(p[[x]])) x,
      colnames(p))
$DC
NULL
SNCC
NULL
SPMUN15
[1] "PMUN15"
# (affichage partiel)
# ... Une liste avec des NULL
> Filter(function(x)
            is.numeric(p[[x]]),
          colnames(p))
[1] "PMUN15" "PMUN10" "PMUN06" "PSDC99"
[5] "PSDC90" "PSDC82" "PSDC75" "PSDC68"
# Une solution sans Filter
# names(p) [unlist(Map(is.numeric,p))]
```







mapply, lapply, sapply

- La fonction Map n'est qu'une des interfaces à une fonction plus complète mapply qui permet de traiter le cas de traitements devant être paramétrés par plus d'un paramètre.
- Il existe aussi les fonctions suivantes, qui ne travaillent que sur une seule liste et donc une fonction à un seul paramètre.
 - lapply: comme Map à l'ordre des arguments près, mais avec une possibilité de passer des arguments complémentaires à la fonction
 - sapply: comme la précédente, le « s » signifiant « simplifier » c'est à dire transformer en vecteur si c'est possible.

```
> mapply(`+`,1:2,3:4)
[11 4 6
> mapply(`+`,1:2,3:4, SIMPLIFY=FALSE)
[[1]]
[11 4]
[[211
[1] 6
> a <- list(c(1,2,NA),c(3,4))</pre>
> lapply(a,mean,na.rm=TRUE)
[[1]]
[1] 1.5
[[2]]
[11 3.5
> sapply(a,mean,na.rm=TRUE)
[1] 1.5 3.5
```







Utile

Itérer un nombre fixe de fois le package **purrr** (1/3)

- Le package *purrr* offre une fonction similaire à Map, map où les arguments sont à fournir dans l'ordre inverse : liste en premier, ceci pour simplifier l'écriture de « pipes ».
- Cette fonction est utilement complétée par des fonctions qui, au lieu de listes, restituent des vecteurs ou mieux. Le nom de la fonction indique le type désiré.

```
map_chr restituera un vecteur de chaînes de caractères (« <u>character</u> »)

map_dbl restituera un vecteur de nombres (flottants <u>double</u> précision)

map_dfr restituera un <u>data frame</u> après concaténation par bind_rows. Chaque étape de la boucle est sensée produire une liste nommée, avec toujours les mêmes noms. Ces noms seront les noms des colonnes de la table résultat.
```

• Lorsque l'effet souhaité de la boucle n'est pas de restituer un résultat, mais juste d'effectuer une opération à effet de bord, la fonction walk peut être utile.







Rare

Itérer un nombre fixe de fois le package **purrr** (2/3)

 Le package offre également des fonctions permettant d'appliquer successivement une fonction non à une liste mais à deux listes (ou vecteurs), voire à une liste de listes (ou de vecteurs, donc aussi à un data frame).

map2 applique une fonction de deux arguments à deux listes

```
> map2(list(1,2),list(3,4),`+`)
[[1]]
[1] 4
[[2]]
[1] 6
```

pmap applique une fonction de *n* arguments à une liste de *n* listes

```
> pmap(list(list(1,2),list(3,4),list(5,6)), function (x,y,z) x+y+z)
[[1]]
[1] 9
[[2]]
[1] 12
```

 Ces fonctions sont complétées par des fonctions à suffixe comme dans map chr.







Utile

Itérer un nombre fixe de fois le package **purrr** (3/3)

• Les éléments d'une liste pouvant être nommés, des fonctions permettent de boucler sur les éléments tout en récupérant leur nom. La fonction à fournir sera une fonction de deux arguments, le second recevant le nom de l'élément à traiter.

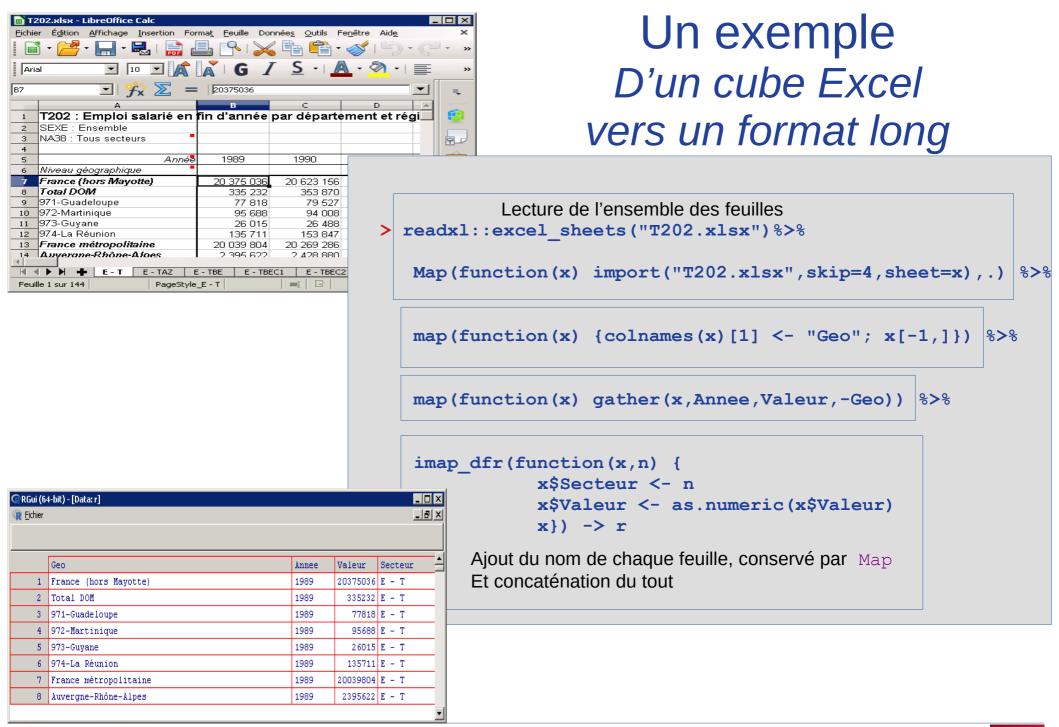
```
imap
```

• Ces fonctions sont complétées par des fonctions à suffixe comme dans map chr.















Exercice rapide

Les fonctions map de *purrr*

- 1- Utilisez la fonction map_chr pour récupérer directement le vecteur des chaînes de caractères donnant les classes des colonnes de la table de populations.
- **2-** Utilisez la fonction map_dfr à la place de map_chr. La fonction s'attend à ce que chaque itération produise une liste de valeurs correspondant aux variables de la ligne à rajouter.
- **3-** Le résultat précédent ne comporte pas le nom de la colonne initiale, or, puisque qu'un data frame est une liste de colonnes nommées, on peut utiliser à chaque itération de la boucle à la fois le contenu de la colonne et son nom en passant par la fonction imap_dfr et une fonction à deux arguments.

Construisez la table complète : nom, classe.









Itérer un nombre fixe de fois La fonction for

- Pour les adeptes d'une programmation moins fonctionnelle, R offre la fonction for qui répète un traitement suivant les les valeurs d'un « indice ».
 Malgré sa syntaxe, il s'agit bien d'une fonction!
- Syntaxe :

```
for (<var> in <liste>) <expression>
```

- ⇒ Utiliser la fonction accolades lorsqu'une seule expression ne suffit pas.
- ⇒ <var> est l'« indice » conducteur de la boucle : c'est une variable (de type quelconque) qui sera créée dans l'environnement englobant la boucle (une variable globale dans les exemples ci joints)
- Le for est donc non seulement plus « rétro » do mais aussi moins « propre » que les solutions à base de « map ».. Il est par ailleurs plus difficile à paralléliser.
 - Le résultat de l'appel de la fonction for est toujours NULL

```
> (`for`(i,list("a","b")1:2,print(i)))
[1] "a"
[1] "b"
NULL

> (for (i in list("a","b")) print(i))
[1] "a"
[1] "b"
NULL
> i
[1] "b"

> class(`for`)
[1] "function"

> library(ggformula)
> for (x in c("hp", "wt","qsec"))
    print(gf_boxplot(mtcars, ~ .data[[x]])
```

Le print est indispensable pour générer les graphiques, car for n'imprime rien et a un résultat vide.











Avertissement Ne bouclez pas!

- Ecrire une boucle n'est pas une fatalité. En R la structure de base n'est pas la donnée élémentaire mais quasi systématiquement un ensemble de données, sous forme soit de liste, soit de vecteur.
- De nombreuses opérations fonctionnent donc spontanément sur l'intégralité de vecteurs en produisant d'autres vecteurs. Et ce mode de travail se propage dans les fonctions définies par l'utilisateur.

```
> x <- c("a","b","c")
> for (i in seq_along(x)) x[i] <- str_to_upper(x[i])
> x
[1] "A" "B" "C"
```

Se simplifie en :

```
> x <- c("a","b","c")
> x <- str_to_upper(x)
> x
[1] "A" "B" "C"
```

Il faut donc se méfier de tout code qui contient une boucle autour de la référence à un unique élément d'un vecteur. Il est possible que le code écrit pour ce seul élément marche naturellement sur l'ensemble du vecteur sans nécessité de boucler.







Exercice rapide

La fonction for

Intuitivement, ce qu'on a réalisé avec imap_dfr, revient à rajouter successivement à la table résultat une ligne pour chacune des colonnes.

- 1- Commencez par créer la structure de la table résultat (nom, classe), initialisée avec des vecteurs de chaînes de caractères de longueur nulle.
- 2- Puis avec une boucle for indicée par le numéro de colonne et la fonction add_row ajoutez successivement à cette table chacune des lignes formée par le nom de la colonne fourni par la fonction colnames ainsi que sa classe.
- **3-** Pour n'utiliser que du R de base, reportez la création du data frame à la fin et utilisez le for pour construire les futures colonnes. Qu'est ce qui n'a plus sa place dans la boucle ?







while: Itérer jusqu'à ce qu'une condition se réalise

while fait partie des mots réservés du langage et propose une fonction qui évalue une expression tant qu'une condition est réalisée.

```
while (<condition>) <expression>
```

Cette situation est assez fréquente lorsqu'on lit un fichier petit à petit ou pour lire une grosse table de données d'un SGBD par morceaux :

```
Création d'une base en mémoire
con <- dbConnect(RSQLite::SQLite(), ":memory:")</pre>
                                                       avec une copie de mtcars
dbWriteTable(con, "mtcars", mtcars)
                                                         Initialisation de la lecture
rs <- dbSendQuery(con, "SELECT * FROM mtcars")</pre>
while (!dbHasCompleted(rs)) {
                                     Le traitement à réaliser :
  chunk <- dbFetch(rs, 10)</pre>
                                      Récupération de 10 observations maximum
  print(nrow(chunk))
                                      Affichage du nombre d'observations récupérées
                                      ...jusqu'à ce qu'il n'y en ait plus :
                                       dbHasCompleted vrai
dbClearResult(rs)
dbDisconnect(con)
```







Fin de la séquence

XML acte II scène 1

« Voulez vous répéter, s'il vous plait ? »

⇒ Séquence B « les boucles »

- **1-** Avec la fonction Map récupérez l'ensemble des noms de ville. Le résultat est une liste où chaque élément est nommé. Utiliser la fonction unname pour enlever ces noms superflus.
- 2- Recommencez avec la fonction map_chr du package *purrr* pour récupérer un vecteur de chaînes de caractères au lieu d'une liste.
- **3-** Les résultats précédents ne contiennent aucune référence au point de vente, empêchant tout rapprochement, par exemple de la ville et de l'adresse d'un même point de vente.

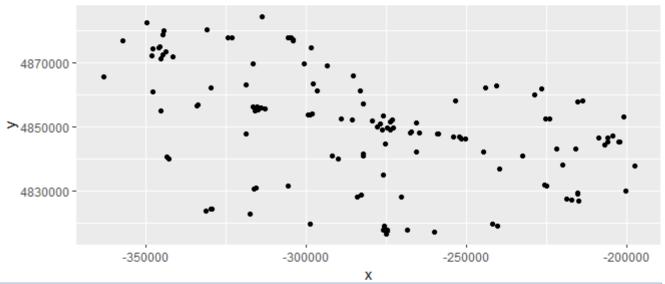
Recommencez en bouclant non sur les éléments de la liste mais sur le numéro d'item dans la liste et en produisant à chaque itération une liste nommée de deux composants : le numéro d'item 'no' et la ville 'ville'. Utiliser la fonction map_dfr pour faire la boucle et construire un résultat final sous forme de data.frame. Appliquer aux champs 'ville' et 'adresse'.







XML acte II scène 2 La localisation des points de vente



```
A tibble: 145 \times 6
                   latitude longitude cp
      no id
                                             pop
   <int> <chr>
                            <chr>>
                   <chr>>
                                       <chr> <chr>
       1 22000001 4852000
                            -279200
                                       22000 R
 1
       2 22000002 4852200
                            -273200
                                       22000 R
       3 22000003 4849800
                            -274700
                                       22000 R
       4 22000004 4850836
                            -276785
                                       22000 R
       5 22000005 4851449
                            -273652
                                       22000 R
       6 22000009 4849806
                            -274533
                                       22000 R
       7 22000010 4850836
                            -276785
                                       22000 R
 8
       8 22000011 4849806
                            -274533
                                       22000 R
       9 22100001 4846400
 9
                            -208700
                                       22100 R
10
      10 22100004 4847100
                            -204400
                                       22100 R
      with 135 more rows
```







```
Rare 1
Important 1
Utile 1
Rare 2
```

Séquence R4 Les attributs d'un objet











Lire les attributs d'un objet (1/2)

attributes

- <u>Tous</u> les objets de R peuvent être complétés par des informations supplémentaires (« attributs ») qui se présentent sous la forme de couples nom - valeur.
- La fonction attributes restitue une liste de l'ensemble des attributs d'un objet.
- En pratique, pour le fonctionnement courant de R, ces attributs sont massivement utilisés.

Par exemple, un data frame, c'est juste une liste avec quelques attributs :

```
> "IGoR/data/poplegale 6815.sas7bdat"%>%
   import() %>% head() %>%
   attributes()
$label
                            Un effet secondaire de la fonction de lecture des fichiers SAS
[1] "POPLEGALE 6815"
                             Les noms des colonnes sont là !
$names
  [11 "DC"
              "NCC"
                      "PMUN15" "PMUN10" "PMUN06" "PSDC99" "PSDC90" "PSDC82" "PSDC75" "PSDC68"
 [111 "D"
              "REGION"
$row.names
                             Les lignes aussi ont des noms, par défaut leur numéro
[1] 1 2 3 4 5 6
Sclass
                             L'attribut clé : l'objet est un peu plus qu'une liste
[1] "data.frame"
```







Lire les attributs d'un objet (2/2)

attr

Il existe des fonctions spécifiques pour accéder aux attributs les plus importants :

Pour des attributs quelconques, la fonction 'attr' fournit un outil général :

```
> "IGoR/data/poplegale_6815.sas7bdat"%>% import() %>%
    attr('label')
[1] "POPLEGALE_6815"

> "IGoR/data/poplegale_6815.sas7bdat"%>% import() %>%
    attr('class')
[1] "data.frame"
```







Positionner les attributs d'un objet

- Les fonctions de lecture d'un attribut sont "réversibles" : on peut s'en servir pour positionner ou changer un attribut donné. En fait, comme on ne modifie jamais un objet en R, on va créer une copie avec l'attribut ajouté ou modifié et la substituer à l'original : ceci impose que l'argument (l'original) soit un symbole et non un objet.
- Pour effacer un attribut, on affectera la valeur NULL.

```
> p <- import("IGoR/data/poplegale 6815") %>% head(1)
> attr(p, 'label') <- 'essai'</pre>
> class(p) <- NULL ←
                                            La table ne sera plus qu'une liste ordinaire
> str(p)
List of 12
  $ DC : chr "01001"
  $ NCC : chr "L' Abergement-Clémenciat"
  $ PMUN15: num 767
  $ PMUN10: num 784
  $ PMUN06: num 811
  $ PSDC99: num 728
  $ PSDC90: num 579
  $ PSDC82: num 477
  $ PSDC75: num 368
  $ PSDC68: num 347
         : chr "01"
  S REGION: chr "82"
- attr(*, "label") = chr "essai"
  - attr(*, "row.names") = int 1
                                                  row.names est un souvenir du data frame
```

ATTENTION : N'utiliser attr qu'en l'absence de fonction spécifique comme names, class... ces dernières font toujours plus de contrôles de cohérence.









class

ne donne pas forcément un résultat unique

Le système de définition de types qui existe par défaut, qu'on appelle **S3**, est très rudimentaire.

- Les types de données construits au dessus des types de base (les types dit atomiques, les vecteurs et les listes) n'existent pas en tant qu'objets, et ne sont que des attributs positionnés sur les objets de leur famille. On a vu précédemment qu'il suffisait d'effacer l'attribut "class" d'un data frame pour que celui redevienne une simple liste.
- La hiérarchie des types de données est réalisée par le même moyen rudimentaire : pour donner de nouvelles propriétés à un objet par le biais de l'appartenance à un nouveau type, on se contente de rajouter le nom de ce nouveau type à la liste (vecteur) des noms des classes associées à l'objet. C'est ce qui se produit pour les 'tibble' :

```
> haven::read_sas("IGoR/data/poplegale_6815.sas7bdat") %>% class()
[1] "tbl_df" "tbl" "data.frame"
```



La conséquence pratique est que pour tester l'appartenance à un type de données, il vaut toujours mieux passer par les fonctions spécifiques de test de type comme 'is.data.frame'.

La séquence sur les « fonctions génériques » S3 démontera le processus.







Plusieurs résultats pour une fonction

Il n'est pas rare qu'une fonction produise plusieurs résultats : un résultat principal et des résultats secondaires, produits fatals du calcul. C'est le cas de la division qui produit essentiellement un quotient mais aussi, comme sous produit, un reste. Il existe plusieurs stratégies :

- Faire plusieurs fonctions, mais le calcul devra être relancé pour chacun des résultats (cf. la division entière : %/% et %%),
- Collecter tous les résultats dans une liste, mais il y un surcoût en termes de codage pour extraire de la liste le résultat principal.
- Restituer le résultat principal en lui adjoignant sous forme d'attributs les résultats secondaires, de cette façon l'accès au résultat principal est immédiat, mais il faudra extraire les résultats secondaires.

Un exemple , la fonction regexpr restitue la position d'une expression régulière mais aussi la longueur du « match » :







Exercice rapide Métadonnées d'un fichier 'feather'

Les fichiers '**feather**' (package **feather**) sont une alternative aux fichiers '**fst**' en termes de fonctionnalités d'accès aux données par morceaux ou d'accès aux métadonnées sans charger le fichier.

- **1-** Charger le fichier 'poplegale_6815.sas7bdat' du répertoire 'IGoR/data', et le **sauvegarder en format** 'feather'.
- **2-** Avec la fonction feather_metadata du package *feather*, récupérez l'information sur le contenu du fichier. Cette fonction ne charge pas les données en mémoire, mais uniquement les métadonnées. Affichez la structure de cette information.

Les types de colonnes sont contenus dans un vecteur <u>nommé</u> de chaînes de caractères : les noms des colonnes sont des attributs des types de données.

3- Pour savoir quelles sont les colonnes de type "character", sélectionnez les éléments correspondants du vecteur des types et extrayez en l'attribut donnant le nom. Résultat attendu:

```
[1] "DC" "NCC" "D" "REGION"
```

4) Transformez le code précédent en fonction et listez les colonnes de type "double".

```
> contenu("poplegale_6815.feather", "double")
[1] "PMUN15" "PMUN10" "PMUN06" "PSDC99" "PSDC90" "PSDC82" "PSDC75" "PSDC68"
```







Fin de la séquence

XML acte II scène 2

« Vous avez de bien beaux attributs... »

⇒ Séquence R4 « attributs d'un objet »

Les données fixes relatives à un point de vente (longitude, latitude...) se présentent non sous forme de liste mais sous forme d'attributs d'une liste vide.

- **1-** Avec la fonction attributes, afficher les caractéristiques fixes du premier point de vente.
- 2- Ces caractéristiques commencent par un attribut de gestion des listes indépendant du contenu du XML, le sauter.
- **3-** Avec la fonction map_dfr, collecter toutes les caractéristiques de tous les points de vente dans un seul data frame.
- **4-** Faire une carte pour vérifier le résultat.
- **5-** La table obtenue ne va pas pouvoir être appariée aux données d'adressage précédemment obtenues. Il faut enrichir chaque ligne avec un numéro de point de vente. Utiliser la fonction append pour compléter la liste issue des attributs par le numéro d'ordre de point de vente et boucler sur les numéros d'ordre.



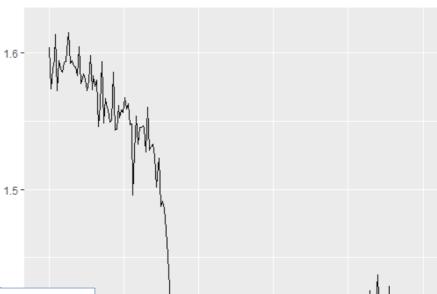






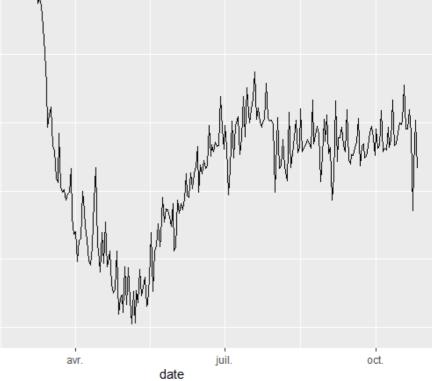


XML acte 2 scène 3 L'évolution du prix du « sans plomb 98 »



Relevés de prix par pompe et carburant 🛓

# A tibble: 30,412 x 5					
1	no nom	id	maj	valeur	
<in< td=""><td>t> <chr></chr></td><td><chr></chr></td><td><chr></chr></td><td><chr></chr></td><td></td></in<>	t> <chr></chr>	<chr></chr>	<chr></chr>	<chr></chr>	
1	1 Gazole	1	2020-01-03T08:45:00	1455	
2	1 Gazole	1	2020-01-07T08:45:00	1465	
3	1 Gazole	1	2020-01-15T08:45:00	1459	
4	1 Gazole	1	2020-01-17T08:45:00	1455	
5	1 Gazole	1	2020-01-21T08:45:00	1449	
6	1 Gazole	1	2020-01-22T08:45:00	1439	
7	1 Gazole	1	2020-01-28T08:45:00	1425	
8	1 Gazole	1	2020-01-29T08:45:00	1419	
9	1 Gazole	1	2020-01-31T08:45:00	1405	
10	1 Gazole	1	2020-02-03T08:45:00	1399	
# with 30,402 more rows					









```
Important 3

Utile 2
```

Rare

2

Séquence C Réaliser des traitements conditionnels

Les alternatives La gestion des erreurs









Des traitements conditionnels avec if(1/2)

La fonction if (c'est une fonction, comme le reste) restitue le résultat de l'évaluation d'une expression ou d'une autre selon que le résultat d'un calcul booléen renvoie vrai ou faux.

```
if (<expression>) <expression1> else <expression2>
```

Les parenthèses sont obligatoires.

La branche 'else' est facultative.

En l'absence de branche else, if restitue NULL lorsque la condition est fausse. C'est pratique quand on construit une liste dont certains éléments seront peut être absents :

```
> z <- 8
> c("Le nombre z est",
    if (z%3==0) " divisible par 3",
    if (z%4==0) " divisible par 4",
    if (z%5==0) " divisible par 5")
[1] "Le nombre z est" " divisible par 4"
NULL,
    " divisible par 4"
NULL)
```



ATTENTION : if ne doit pas être confondue avec ifelse qui travaille sur des vecteurs. Appliquée à un vecteur, if ne testera que le premier élément (avec avertissement).

```
> z <- c(1,2,3)
> if (z%2==1) -z else z
[1] -1 -2 -3
Warning message:
In if (z%2 == 1) -z else z :
  la condition a une longueur > 1 et seul le premier élément est utilisé
```









Des traitements conditionnels avec if (2/2)

ATTENTION: Les accolades ne sont pas une notation syntaxique pour regrouper des instructions mais une vraie fonction sans lien particulier avec if. Les accolades sont utiles lorsqu'on a plusieurs traitements indépendants à réaliser dans chaque branche, mais les vrais délimiteurs du if sont les fins de ligne!

```
L'instruction se termine à '0'
else 1
[1] 0
Erreur : 'else' inattendu(e) in "else"
```







La fonction switch

- La fonction switch permet d'écrire des alternatives à plus de deux possibilités, mais sur la base d'un résultat qui est une chaîne de caractères : le premier argument de la fonction, donnera le sélecteur, les autres devront se présenter sous la forme d'une correspondance entre une chaîne de caractères et une valeur.
- On peut préciser le même résultat pour plusieurs étiquettes consécutives en en omettant la valeur. Le résultat sera la première valeur présente.

Ici FST et fst sont synonymes :

```
> f <- function(file)
    switch(str_extract(file,"(?<=[.]).*$"), # le type du fichier
    fst = , # si c'est 'fst', faire comme suit
    FST = metadata_fst(file), # si c'est 'FST'...
    feather = metadata_feather(file) # si c'est 'feather'...
)</pre>
```

• Si aucune branche de l'alternative n'est prise, la fonction switch ne fait rien (sans avertissement, mais elle restitue NULL)







Les opérateurs non vectoriels & & et | |

Les opérateurs & et | sont vectoriels et particulièrement adaptés à des fonctions comme ifelse. Avec la fonction if qui, au contraire, ne travaille que sur le premier élément d'un vecteur lorsqu'on lui passe un vecteur, des opérateurs vectoriels ne présentent pas d'intérêt

Ils sont donc complétés par && et || qui ont en outre la propriété de **ne faire que les** calculs absolument nécessaires à l'obtention du résultat.

Par exemple:

```
> x <- 1
> if ((x==1)||oops(42)) message("ok")
ok
```

Alors que:

```
> x <- 1
> if ((x==1)|oops(42)) message("ok")
Error in oops(42) : impossible de trouver la fonction "oops"
```









Exercice rapide

La fonction if

1- Ecrivez une fonction qui teste si son argument est NULL (qu'on appellera recode.null) et qui restitue l'argument si ce n'est pas vrai, une chaîne vide sinon.

Appliquez votre fonction à l'attribut "label" des colonnes *PSDC99*, *DC* de la table de populations.

2- Puis, en s'inspirant du premier exercice sur les boucles, construire un data frame contenant le nom et l'étiquette de chaque colonne de la table de populations.

```
> recode.null(attr(p$DC, 'label'))
[1] ""
> recode.null(attr(p$PSDC99,'label'))
[1] "Population sans double compte 1999"
> map...
# A tibble: 9 x 2
         label
  nom
 <chr> <chr>
1 DC
2 PMUN15 "Population municipale 2015"
3 PMUN10 "Population municipale 2010"
4 PMUN06 "Population municipale 2006"
5 PSDC99 "Population sans double compte 1999"
6 PSDC90 "Population sans double compte 1990"
7 PSDC82 "Population sans double compte 1982"
8 PSDC75 "Population sans double compte 1975"
9 PSDC68 "Population sans double compte 1968"
```







Erreurs, avertissements et messages

R offre trois façons d'émettre des messages depuis un programme :

- avec la fonction message, juste un simple message en passant, comme fait print mais en plus concis,
- avec la fonction warning un message d'avertissement sur une situation anormale <u>qui n'interrompt pas</u> le fonctionnement du programme,
- avec la fonction stop **un message d'erreur <u>suivi de l'arrêt</u> du programme**

Ces messages ne sont pas que des impressions à la console, ils sont également accompagnés d'un signal qui peut intercepté, ou comme avec le package *log4r*, qui être utilisé pour garder une trace du comportement du programme.

⇒ Lorsqu'il s'agit de suivre le comportement d'un programme, a fonction message doit donc être systématiquement préférée à la fonction print.







Exemple

```
> f <- function (t) {</pre>
    if (t<25) message("Tout va bien.")</pre>
    else if (t<40) warning("Il commence à faire chaud!")
         else stop ("Arrêt d'urgence déclenché : température hors limites!!!")
    print("ok")
    paste0 ("Temperature = ",t,"°C")
> f(20)
Tout va bien.
[1] "ok"
                                             La différence entre 'print' et 'message'
[1] "Temperature = 20°C"
> f(35)
[1] "ok"
                                             Le résultat.
[1] "Temperature = 35°C"
                                             puis les warnings
Warning message:
In f(35): Il commence à faire chaud!
> f(40)
Error in f(40) : Arrêt d'urgence déclenché : température hors limites!!!
                                             Le programme n'est pas allé plus loin.
                                             Pas de résultat
```







La fonction tryCatch

- Les messages d'erreur cachent une structure plus complexe qu'une simple chaîne de caractères. En R, une erreur est un objet d'une classe particulière "condition". C'est également un "évènement" qu'il est possible d'intercepter.
 - Pour éviter que le programme ne stoppe
 - Pour déclencher un traitement complémentaire
- R ne propose pas de nomenclature de codes d'erreur et chaque programmeur peut émettre le message d'erreur qu'il veut. Cela rend l'interception d'une erreur particulière délicate, voire impossible en contexte multi-langue.

Le fait d'intercepter une erreur n'est donc généralement utile que pour assurer une sortie propre à une section de programme lorsque les interactions avec un utilisateur peuvent conduire à n'importe quel comportement.







Exemple

```
> f <- function (x) {</pre>
    r <- tryCatch(eval(parse(text=x)), # ce qu'il faut tenter de faire
                 error=function(e) e) # quoi faire des éventuelles erreurs
                #error=identity
    if ("condition" %in% class(r)) {
      message(paste0("Echec : ",r$message))
      r <- NULL
                           En cas d'erreur le résultat du tryCatch
                            est le résultat de la fonction du paramètre 'error',
    message("Fin.")
                            ici, l'erreur, une structure contenant le message d'erreur
    r
                           sinon c'est le résultat du calcul
> f("6*7")
Fin.
[11 42]
> f("6*")
Echec : <text>:2:0: unexpected end of input
                                                            En anglais
1: 6*
Fin.
                                                                 Et pourtant tous deux
NULL
                                                                 viennent du noyau!
> f("truc")
Echec : objet 'truc' introuvable
                                                            En français
Fin.
NULL
```





Rare

Terminer une fonction prématurément : la fonction return

- Le résultat d'une fonction définie par
 - une unique expression, est la valeur de cette expression
 - une liste d'expressions entre accolades, est la valeur de la dernière expression de l'accolade
- Dans certains cas on peut souhaiter que le résultat soit produit avant la fin de l'évaluation de l'expression (1^{er} cas) ou sans évaluer le reste de la liste d'expressions (2nd cas).
- La fonction return permet de quitter prématurément une fonction. Elle permet de préciser au passage le résultat de la fonction.







Exemple

```
> f <- function (x) {
  if (x<=1) return(1)  # Sortie prématurée : pas d'évaluation de la suite
  x * f(x-1)  # Sortie normale : pas besoin de 'return'
}

# f <- function (x) if (x<=1) 1 else x*f(x-1)

> f(3)
[1] 6
```

ATTENTION: La fonction return semble provenir directement des langages de programmation classiques où exprimer explicitement le résultat d'une fonction est toujours obligatoire. Mais R n'est pas un langage de programmation classique et l'abus de return peut être considéré comme un manque de style.







```
Important2Avancé1Rare2Eviter1
```

Séquence F3 Les environnements

Le lien entre objets et symboles peut être éphémère









Des assignations locales

 Les associations valeur-nom réalisées par la fonction <- n'ont qu'une portée locale : à l'intérieur de la définition d'une fonction elles ne sont effectives qu'à l'exécution de cette fonction, même si un symbole de même nom préexistait en dehors de la fonction.

```
> z <- 1
> f <- function(x) z <- x
> f(0)
> z
[1] 1
```

• Ceci n'est pas une particularité des symboles : toute référence à <- n'est que locale y compris lorsqu'il s'agit d'une fonction de « modification ».

```
> v <- 1:10
> f <- function(x) v[1] <- x
> f(0)
> v
[1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
```









Un empilement d'environnements

 Chaque exécution de fonction, y compris l'évaluation de ses paramètres se passe dans un contexte propre, un « environnement » ('environment'). On obtient généralement un empilement d'environnements dont la base de la pile est l'environnement global (cf. la fenêtre de RStudio), aussi

accessible via le symbole '.GlobalEnv'.

```
> un <- 1
> f <- function () {
    g <- function (x) if (x>0) x*g(x-1) else un
    g(3)
    }
> f()
[1] 6
```

La recherche de la valeur associée à un symbole implique le parcours de la pile d'environnements

 g(1): x x?, g?

 g(2): x x?, g?

 g(3): x x?, g?

 f(): g g?

 .GlobalEnv: f, un
 f?

g(0): x

 REMARQUE: l'utilisation d'un package implique aussi l'utilisation d'un environnement spécifique afin de cloisonner le contexte de travail du package.





x?, un?



Viols de frontière (1/2)

• Plusieurs fonctions permettent de ne pas respecter le cloisonnement créé par l'exécution d'une fonction. Ce sont des fonctions qui acceptent un argument supplémentaire spécifiant l'environnement précis où doit être créée ou lue l'association symbole – valeur.

```
> z <- 1
> f <- function(x) assign("z",x,envir=.GlobalEnv)
> f(0)
> z
[1] 0

> z <- 1
> f <- function(z) get("z",envir=.GlobalEnv)
> f(0)
[1] 1

> z <- 1
> f <- function(z) eval(parse(text="z+z"),envir=.GlobalEnv)
> f(0)
[1] 2
```

• NOTE : L'argument 'envir' accepte aussi des références relatives (l'environnement supérieur, deux niveaux au dessus, etc.). A manier avec soin et à n'utiliser qu'en cas de nécessité absolue !









Viols de frontière (2/2) L'opérateur <<-

L'assignation spéciale <<- permet d'associer une valeur à un symbole appartenant à un environnement supérieur : en remontant, le premier où le symbole est défini.

```
> a <- 1
> b <- 2
> c < - 3
> f <- function(x) {</pre>
    a < 0
    g <- function(y) {a <<- y; b <<- y}</pre>
    q(-1)
    c <<- x
    sprintf("a=%d, b=%d",a,b) # Détaillé en annexe
> f(0)
[1] "a=-1, b=-1"
                       'a' : Pas modifié : il y a un 'a' dans l'environnement de 'f',
> a
                       dans 'g', on remonte d'un seul niveau
[1] 1
                       'b' : Modifié, pas de référence autre que dans l'environnement global
> b
[1]
                       dans 'g', on remonte de deux niveaux
-1
                       'c' : Modifié, pas de référence autre que dans l'environnement global
> c
[1] 0
                       on remonte d'un niveau
```



A éviter, cela nuit à la lisibilité des programmes, la cible n'étant pas identifiable immédiatement. Et cela ne correspond pas au concept de variable globale!







Exercice rapide

Un contre-exemple pour <<-

 Reprendre le code suivant, avec la même logique de traitement (une liste qu'on remplit petit à petit), mais en utilisant la fonction walk au lieu du for (transformer en fonction la section en rouge)

```
> ldf <- list()
> for (d in c("16","17")) ldf[[d]] <- lire1(d)
> str(ldf)
```

Avec :

```
lire1 <- function(Dep)
  fst("V:/PALETTES/IGoR/data/nais2017.fst") %>%
      .[.$depnais==Dep, c("depnais","agemere")]
```







Un autre contre-exemple Assignations locales : les fermetures

- Lors de son exécution une fonction R travaille sur un univers de symboles connus constitué de :
 - une **copie des associations (symbole objet) existantes** au moment de la création de la fonction, copie...
 - enrichie des **associations (paramètre argument)** dues à l'appel et...
 - enrichie, au fil de l'exécution, de toutes les **associations locales** générées par l'usage de l'assignation <-.
- L'environnement d'une fonction est par contre initialisé au moment de la définition de la fonction et non à son appel.
- La fonction local, qui simule l'exécution au sein d'une fonction, permet de créer des fonctions (« fermetures ») qui contiennent des variables cachées.







Les environnements : un type d'objet

- Les environnements sont le moyen pour R de mémoriser une liste de symboles à utiliser dans un contexte particulier :
 - Le contenu de l'espace de travail .GlobalEnv
 - Les symboles d'un package
 - Les symboles locaux lors de l'évaluation d'une fonction
- C'est aussi une façon de stocker une correspondance entre un nom et une valeur, en permettant un accès particulièrement rapide (hash code) à la valeur de n'importe quel symbole.
- La fonction new.env permet de créer un environnement utilisable comme une base de données clé valeur.

```
> a <- new.env()</pre>
> str(a)
<environment: 0x02efaf10>
> assign("x",1,envir=a)
> ls(envir=a)
> get("x",envir=a)
> eval(quote(2*x),envir=a)
[1] 2
  et comme dans une liste
> a$x
> a$x <- 2
> a[["x"]]
```





Fin de la séquence « Je ne sais pas bien où aller! D'ailleurs où suis-je? »

⇒ Séquence C « Traitements conditionnels »

En revenant à l'affichage du premier point de vente, on constate que les données de prix se trouvent sous une forme similaire à celles d'identification des points de vente. Il y a une liste par relevé, mais cette liste est vide et les données ne sont qu'en attributs de cette liste vide. Chaque liste a pour nom 'prix' (cf. le premier attribut d'un point de vente).

• Utiliser la fonction imap_dfr pour récupérer dans un data frame les relevés du 42ème point de vente. On bouclera sur tous les items du point de vente en ne conservant les attributs (fonction attributes) que pour ceux provenant d'items nommés 'prix'.

⇒ Séquence F3 « Environnements »

- Boucler sur tous les points de vente pour récupérer l'ensemble des relevés.
- Faire un graphique pour vérifier.













Important 1

Rare

2

Avancé

1

Séquence F4 Les fonctions sont des objets

On sait déjà écrire des fonctions mais celles ci ne sont que des objets parmi d'autres, il s'agit ici d'utiliser des fonctions qui ont des fonctions en entrée et fournissent des fonctions en sortie









Le cinquième principe Des objets et des fonctions... qui sont aussi des objets

- Selon la formule "en R tout ce qui existe est objet...", les fonctions sont également des objets. Même si elles ont une représentation interne qui n'a rien à voir avec les données manipulées par le statisticien, les fonctions peuvent apparaître dans les mêmes conditions :
 - comme arguments d'autres fonctions (le premier argument de Map),
 - comme éléments de structures de données,
 - comme résultat d'un calcul, ou d'un appel de fonction.

```
> f <- function(x) if (x) `*` else `+` # une fonction en résultat</pre>
> f(TRUE) (6,7)
[1] 42
> (function (x) if (x) `*` else `+`)(TRUE)(6,7) # un calcul direct
[1] 42
> creer compteur <- function() { i <- 0; function() { i <<- i+1; i} }</pre>
> compteur <- creer compteur()</pre>
                                                # un générateur de fonctions
> compteur(); compteur()
[1] 1
[1] 2
```







La fonction Vectorize

La fonction Vectorize permet de couvrir le gap entre les fonctions et opérateurs qui travaillent naturellement sur l'ensemble de vecteurs, et ceux qui ne peuvent travailler que sur une donnée à la fois. La fonction Vectorize transforme une fonction en une autre qui, elle, est vectorisée (i.e. un vecteur en entrée, un vecteur en sortie).

La fonction 'compter1' n'est pas vectorisée, la valeur de l'argument est transférée directement dans le paramètre .dep et le test revient à faire .\$depnais==c("16","17"), ce qui donne un résultat, mais un résultat incorrect (== n'est pas %in%).

```
> compter1 <- function(.dep)
    fst("IGoR/data/nais2017.fst") %>%
    .[.$depnais==.dep, "agemere"] %>% # La simplification conduit à un vecteur
    as.numeric() %>%
    length()
> compter1(c("16","86"))
[1] 3655
Warning message:
In .$depnais == .dep :
    la taille d'un objet plus long n'est pas multiple de la taille d'un objet p$
> f <- Vectorize(compter1)
> f(c("16","86"))
    16 86
3027 4271
```

REMARQUE: La fonction Vectorize ne peut pas être utilisée sur des primitives (comme class): le passage d'arguments à des primitives se fait de façon optimisée. Une solution consiste à les encapsuler dans une définition de fonction usuelle.







R est moins complet que SAS? La fonction Negate

Le `not in` de SAS n'existe pas en standard.

Mais il peut être facilement rajouté aux opérateurs de R car ceux ci ne sont que des fonctions à deux arguments. La **notation entre signes % est utilisée pour définir de nouveaux opérateurs** qui auront tous obligatoirement cette forme.

Negate est une fonction qui prend une fonction en entrée et produit une fonction donnant le résultat opposé.

```
> `%not in%`<- Negate(`%in%`)
> liste <- 1:5
> 6 %not in% liste
[1] TRUE
```

REMARQUE: comme les nom de fonction <code>%in%</code> et <code>%not in%</code> ne contiennent pas que des lettres, on utilise les "backticks" ` (altGr-7) qui servent à définir des noms de symbole contenant des caractères spéciaux.









La curryfication

- La « curryfication » consiste à **prendre une fonction à plusieurs arguments et à en geler certains** (mais pas tous) sur des valeurs prédéfinies : le résultat est encore une fonction, mais à nombre d'arguments réduit. La fonction partial du package *purrr* réalise cette opération.
- Il s'agit juste d'une question de style pour simplifier les programmes dans un esprit de <u>programmation fonctionnelle</u>. Les deux écritures sont **presque** fonctionnellement équivalentes :

 Il est possible de « curryfier » à gauche (les premiers paramètres : le défaut) ou à droite (les derniers paramètres)











Exercice rapide

Des fonctions comme paramètres

1- Ecrire une fonction qui extrait, pour un département donné, du fichier **fst** des naissances, la colonne 'agemere' (voir vue sur Vectorize) sous forme numérique puis en calcule la moyenne.

Appliquer au département de Mayotte (976).

Paramétrer la fonction pour qu'elle calcule une statistique quelconque fournie à l'appel et par défaut la moyenne.

Appliquer à la médiane.

Calculer le premier quartile.

2- Modifier la fonction pour qu'elle puisse accepter une liste de fonctions statistiques à calculer.

```
> f <- fst::fst("nais2017.fst")</pre>
> calcul <- function(.dep) ???</pre>
> calcul("976")
[1] 28.22976
> calcul <- function(.dep, .fun ???</pre>
> calcul("976")
[1] 28.22976
> calcul("976",median)
[11 28
> calcul("976", ???)
25%
 23
> calcul <- function(.dep, .funs ???</pre>
> calcul("976",c(mean,median))
[[1]]
[1] 28.22976
[[211
[1] 28
> calcul("976")
[11 28.22976
```







Corrigé de l'exercice

```
> calcul <- function(.dep,.fun=mean) {</pre>
    data <- fst("IGoR/data/nais2017.fst") %>%
             .[.$depnais==.dep, "agemere"] %>%
            as.numeric()
    .fun(data)
> calcul("976")
[1] 28.22976
> calcul("976",median)
[1] 28
> calcul("976",function (x) quantile(x,p=.25))
25%
 23
> calcul("976",partial(quantile,p=.25))
25%
 23
```





Corrigé de l'exercice

```
> calcul <- function(.dep,.funs=mean) {</pre>
    data <- fst("IGoR/data/nais2017.fst") %>%
             .[.$depnais==.dep, "agemere"] %>%
            as.numeric()
    if (length(.funs)==1) .funs(data)
    else Map(function (x) x(data), .funs)
> calcul("976",fun=list(mean,median))
[[1]]
[1] 28.22976
[[2]]
[1] 28
                                            Ou Vectorize:
                                            Vectorize(calcul)("976",c(mean,median))
> calcul("976")
[11 28.22976
```











Important 1

Utile

3

Séquence F5 Les fonctions génériques

Une fonction peut en cacher une autre!







Les fonctions génériques (1/2)

- Par défaut, R possède un système très simplifié de programmation orientée objet dit S3.
- Certaines fonctions vont avoir un comportement différent suivant la classe de l'objet passé en premier argument, ce sont des **fonctions génériques**.

```
> p <- haven::read sas("IGoR/data/poplegale 6815.sas7bdat")
> class(p)
[1] "tbl df"
                  "tb1"
                                "data.frame"
> p
# A tibble: 38,219 x 12
               PMUN15 PMUN10 PMUN06
         NCC
                                     La fonction 'print' va ainsi se comporter différemment
                               <db1>
   <chr> <chr> <dbl>
                        <db1>
                                 suivant que l'objet à afficher est de classe 'tbl_df' ou
                   767
 1 01001 L' A~
                          784
                                      de classe 'data.frame' (s'il appartient aux deux classes,
 2 01002 L' A~
                  241
                          221
 3 01004 AmbÃ~ 14127
                               12709
                                      c'est la première de la liste qui l'emporte)
                       13835
 4 01005 AmbÃ~
                 1619
                         1616
                                 1436
                                                                82
                         116
                                 120
                                                 76
                                                         65
                                                                       108 01
 5 01006 Ambl~
                 109
                                          86
 6 01007 Ambr~
                 2615
                         2362
                                 2241
                                        2146
                                               1996
                                                       1862
                                                              1270
                                                                      1193 01
 7 01008 Ambu~
                                                               353
                 747
                         729
                                  641
                                         586
                                                595
                                                       405
                                                                       327 01
 8 01009 Ande~
                                         275
                  342
                          340
                                  319
                                                262
                                                        276
                                                               184
                                                                       159 01
 9 01010 Angl~
                                         769
                                                                       528 01
                 1133
                          994
                                  900
                                                 687
                                                        714
                                                               697
10 01011 Apre~
                                         329
                   390
                          363
                                  333
                                                341
                                                        279
                                                               200
                                                                       148 01
 ... with 38,209 more rows, and 1 more variable: REGION <chr>
```

• REMARQUE : Il y a d'autres systèmes de programmation objet S4 et surtout R6, non abordés ici. Ils sont plus complets et utilisés dans certains packages nécessitant des structures complexes (cartographie, shiny).







Les fonctions génériques (2/2)

- Il serait possible d'avoir une fonction 'print' qui teste le type de son argument et fait des traitements différenciés. Cela ne serait pas compatible avec une prolifération de packages nécessitant cette fonctionnalité.
- Le principe des fonctions génériques est juste d'être marquées comme telles. A l'exécution de la fonction, c'est le moteur de R qui cherchera la fonction adéquate à appliquer, une fonction de nom composé <fonction>.<type>

```
> print
function (x, ...)
UseMethod("print")
<bytecode: 0x08a789d8>
<environment: namespace:base>
> methods(class="tbl")
 [1] $<-
          %within% [[<- [<- as.tbl
                                                          coerce
 [7] coerce<- count
                         format fortify glimpse
                                                          initialize
                                    slotsFromS3 tally
[13] Ops print
                         show
                                                          tbl sum
see '?methods' for accessing help and source code
```









Explorer les fonctions génériques Une fonction cachée d'un package :::

```
> methods("print") %>% {print(length(.)); head(.)}
[1] 303
[1] "print.abbrev"
                       "print.acf"
                                           "print.all vars"
[4] "print.anova"
                     "print.Anova" "print.anova.loglm"
> tibble:::print.tbl
function (x, ..., n = NULL, width = NULL, n extra = NULL)
   cat line(format(x, ..., n = n, width = width, n extra = n extra))
    invisible(x)
<bytecode: 0x04e1fa90>
<environment: namespace:tibble>
```

NB :'format' est aussi une fonction générique!









Explorer les fonctions génériques Obtenir l'accès à une fonction spécialisée

```
> methods(str)
 [1] str.arrow*
                            str.data.frame*
 [31 str.Date*
                            str.default*
 [5] str.dendrogram*
                            str.logLik*
 [7] str.POSIXt*
                            str.quosure*
                                                    Pas exporté, pour y avoir accès, il faut
                            str.rlang data pronoun*
 [9] str.Rcpp stack trace*
                                                    utils:::str.data.frame
[11] str.rlang envs*
                            str.tbl df*
                                                    ou:
[13] str.vctrs vctr*
                                                    getS3method("str", "data.frame")
see '?methods' for accessing help and source code
# - La structure d'un data frame vu comme une simple liste
# utils:::str.default(mtcars)
# Le package apparaît dans le code de getS3method("str", "default")
> getS3method("str","default") (mtcars)
 $ mpg : num [1:32] 21 21 22.8 21.4 18.7 18.1 14.3 24.4 22.8 19.2 ...
 $ cyl : num [1:32] 6 6 4 6 8 6 8 4 4 6 ...
 $ disp: num [1:32] 160 160 108 258 360 ...
 $ hp : num [1:32] 110 110 93 110 175 105 245 62 95 123 ...
 $ drat: num [1:32] 3.9 3.9 3.85 3.08 3.15 2.76 3.21 3.69 3.92 3.92 ...
  wt : num [1:32] 2.62 2.88 2.32 3.21 3.44 ...
  gsec: num [1:32] 16.5 17 18.6 19.4 17 ...
 $ vs : num [1:32] 0 0 1 1 0 1 0 1 1 1 ...
  am : num [1:32] 1 1 1 0 0 0 0 0 0 0 ...
 $ gear: num [1:32] 4 4 4 3 3 3 3 4 4 4 ...
 $ carb: num [1:32] 4 4 1 1 2 1 4 2 2 4 ...
```







Exemple : redéfinir un | | à la SAS ou SQL

• Dans l'exemple qui suit on cherche à redéfinir l'opérateur || de manière à ce qu'il s'applique aussi à des chaînes de caractères. La fonction || est une primitive (c.a.d. du code C). On la redéfinit de manière à ce qu'elle devienne une fonction générique...

```
> `||` <- function (e1, e2) UseMethod("||")</pre>
```

• ... qui ait le même comportement par défaut que la fonction primitive (un OU non vectorisé qui s'arrête si le premier argument est vrai)

```
> `||.default` <- function (e1, e2) .Primitive("||")(e1, e2)</pre>
```

• ... sauf pour les chaînes de caractères pour lesquelles on cherche à faire une concaténation.

```
> `||.character` <- function(e1, e2) paste0(e1, e2)</pre>
```





Pour rire

- Les fonctions génériques sont partout. Cela signifie en pratique que beaucoup de fonctions usuelles peuvent très facilement adopter un comportement déroutant.
- L'exemple ci joint n'est que partiellement factice : il est inspiré d'une histoire réelle (la fonction st crs du package **sf**).

```
# Une liste, apparemment...
> machin
$a
[1] 1
$b
[1] 2
attr(,"class")
[1] "truc"
> machin$a
[1] 1
# Un champ qui n'existe pas !
> machin$c
[1] 42
## --- La clé de l'énigme
> `$.truc` <-
   function(x,y)
    if (y %in% names(x)) x[[y]] else 42
> machin <- list(a=1,b=2)</pre>
> class(machin) <- "truc"</pre>
```





Il y a classe et classe!

- La fonction class ne répond pas toujours la même chose que attr avec "class". Pour certains types d'objets usuels de R, la classe n'est pas un attribut mais une propriété interne.
- Les fonctions génériques, elles, utilisent la classe telle qu'elle est positionnée par attr pour trouver la méthode à appliquer.
- Et des fonctions génériques peuvent se cacher à l'intérieur de foncions de type "builtin".

```
# `+`, une fonction interne et ne fait
# apparemment pas référence à UseMethod
function (e1, e2) .Primitive("+")
# Pourtant il y a des méthodes !
> methods("+")
[1] +.Date +.POSIXt
see '?methods' for accessing help and so
> `+.character`<- paste0</pre>
> z <- "abc"
> class(z)
[1] "character"
> z + z
Erreur dans z + z: argument non
numérique pour un opérateur binaire
> attr(z,"class")
NULL
> attr(z,"class") <- "character"</pre>
[1] "abcabc"
```







Important

Utile

4

2 Rare

```
dm <- function(...,expr) {</pre>
  c <- as.list(match.call())</pre>
  n \leftarrow c[2:(length(c)-1)]
  t <- unlist(Map(Negate(is.name),n))
  if (any(t)) stop("Bad parameter name.")
  function(...) {
    1 <- list(...)
    if (length(1)!=length(n)) stop("Wrong number of arguments.")
    names(1)<- if (is.null(names(1))) as.character(n)</pre>
                else ifelse(names(1) == "", as.character(n), names(1))
    e <- do.call(substitute, list(c$expr,1))
    eval(e,envir=-2)
}}
```

Séquence F6 L'évaluation retardée

R est paresseux! Le 7ème principe Les macros









L'évaluation des arguments L'évaluation retardée

- Dans nombre de langages de programmation classiques, le passage d'arguments à une fonction se fait généralement par valeur : les arguments sont d'abord évalués, puis la fonction est invoquée pour travailler sur les valeurs obtenues.
- En R les valeurs des arguments ne sont calculées qu'au dernier moment, lorsque la fonction en a vraiment besoin : c'est l'évaluation retardée (« lazy evaluation »).

```
# Classique en apparence...
> f <- function(x,y) x*y</pre>
> f(print(6),print(7))
           # par 'print' qui restitue 6
[1] 6
[1] 7  # par 'print' qui restitue 7
[1] 42
           # Le résultat (par la REPL)
# L'évaluation au dernier moment
> f <- function(x,y) {</pre>
         message("ok")
         x*v }
> f(print(6),print(7))
       # ici on est dans `f' !
ok
          # PUIS on évalue x...
[1] 6
[1] 7
[11 42
# Eventuellement pas d'évaluation !
> f <- function(x,y) 42
> f(print(6),print(7))
[1] 42
           # où sont les 'print' ???
```









L'évaluation des arguments L'évaluation retardée : match.call

- Attention: si l'évaluation des arguments se fait quand la fonction a commencé son travail, cette évaluation se fait néanmoins dans l'environnement d'appel pas dans celui de la fonction.
- L'intérêt du mécanisme est que la fonction peut disposer des conditions de son appel.

La fonction match.call permet de connaître précisément les expressions qui ont été passées en argument, avant qu'ils ne soient évalués.

```
# Classique en apparence...
> y <- 6
> f <- function(x,y) x*y</pre>
> f(print(y),print(7))
[1] 6 # le 'y' global pas le parametre
[1] 7
[1] 42
# L'évaluation au dernier moment
> f <- function(x,y) {</pre>
    z <- match.call()</pre>
    str(z)
    x*v
> f(print(6),print(7))
 language f(x = print(6), y = print(7))
[1] 6
[1] 7
[1] 42
```









Le septième sceau

Une fonction fait ce qu'elle veut!

- L'expression restituée par match.call correspond à la représentation interne de l'appel. Néanmoins, avec as.list elle peut être convertie en liste pour pouvoir être retravaillée.
- La fonction peut donc décider si l'évaluation des arguments doit se faire ou non et donc interpréter les arguments comme elle veut. On parle d'« <u>évaluation non</u> <u>standard</u> ».

```
> f <- function(x,y) {</pre>
  z <- as.list(match.call())</pre>
  print(z)
  zx <- z$x
  zx <- eval(substitute(</pre>
          substitute(zx,
            list(print=quote(message)))))
  x \leftarrow eval(zx)
  x*v
> f(1+print(5),print(7))
[[1]]
$x
                      Le résultat de'match.call'
1 + print(5)
$v
print(7)
[1] 7
          Tout 'print' dans le 1er argument
[1] 42
          est désactivé au profit de 'message'.
```







Exemple : paramétrer les noms des colonnes "à la dplyr"

La fonction suivante permet de paramétrer la colonne qui sert au filtre :

L'inconvénient est que le nom de la colonne doit apparaître entre quotes, ce qui n'est généralement pas le cas quand on utilise **dplyr**. Pour jouer dans la même cour, on peut exploiter l'évaluation retardée :

```
> lireV2 <- function(.col,.val) {
    call <- as.list(match.call())
    col <- as.character(call$.col)
    fst("IGoR/data/nais2017.fst") %>%
    .[.[[col]]==.val, ]
  }
> lireV2(depnais, "86") %>% nrow()
[1] 4271
```







Un exemple réel

Une fonctionnalité utile : un « mouchard »

```
> `:=` <- function(.table,value) {</pre>
  call = as.list(match.call())
  expr.function <- as.list(call$value)[[1]]</pre>
  table.name <- toString(call$.table)
  time <- system.time(assign(table.name,eval(value),envir=parent.frame()))</pre>
  message(sprintf("NOTE: The %s '%s' has %d row(s) and %d column(s)."
                   ,head(class(.table),n=1),
         table.name, nrow(.table),ncol(.table))
  message(sprintf(
"NOTE: Function '%s' used:\n
      elapsed time %6d seconds\n
                                         system time %6d seconds",
         toString(expr.function),
         as.integer(time[3]),
         as.integer(time[2]))
  invisible(.table) # Retourne .table, mais ne l'imprime pas comme avec <-
> a := data.frame(x=1:length(LETTERS),y=LETTERS)
NOTE: The data.frame 'a' has 26 row(s) and 2 column(s)
NOTE: Function 'data.frame' used:
                                                     Pour cette fonctionnalité.
      elapsed time
                       0 seconds
       system time
                       0 seconds
                                                     voir aussi le package tidylog
```







L'évaluation retardée Les « promesses »

- L'évaluation retardée repose sur la notion de « promesse », un type d'objet qui ne calcule sa valeur que lors qu'on l'utilise.
- Les « promesses » ne sont pas pas présentes que par les paramètres des fonctions :

On en trouve dans les tables de données associées à certains package « lazy loading » : la table n'est mise en mémoire que si on s'en sert.

On peut (exceptionnellement) en créer soimême.

 Du fait de leur comportement, les promesses ne peuvent pas être visualisées avant évaluation, il faut passer par des fonctions du package pryr pour savoir si quelque chose est une « promesse » ou en avoir une image sous forme de liste.

```
> pryr::is promise(cars)
[1] TRUE # 'cars' pas encore utilisée
> delayedAssign("x",y*print(6))
> v < -7
> x
[1] 6 # Evaluation déclenchée!
[1] 42 # Valeur de x
> x
[1] 42 # Pas besoin d'un autre calcul
> f <- function(x) pryr::promise info(x)</pre>
> f(print(1))
$code # Le code à évaluer
print(1)
         # ... où l'évaluer ?
$env
<environment: R GlobalEnv>
$evaled # ... a-t-il été évalué?
[1] FALSE
$value
         # pour n'évaluer qu'une fois
NULL
```







Utile

Contourner l'évaluation retardée Les macros

- A son appel une fonction réalise une certaine tâche. La finalité d'une macro est la même avec une étape intermédiaire de plus : une macro commence par construire le programme qui va effectuer la tâche puis elle l'exécute (l'évalue).
- L'intérêt des macros est de pouvoir contourner le comportement de nombreuses fonctions qui, s'appuyant sur l'évaluation retardée, n'évaluent pas un de leurs arguments. Et si un argument n'est pas évalué on ne peut pas le paramétrer.

Si on essaie de paramétrer la variable sur laquelle on fait la moyenne, cela ne marche pas :







Des macros avec le package gtools

Les macros sont présentes dans divers langages de programmation avec des fonctionnalités plus ou moins évoluées. Souvent le programme à exécuter au final se présente sous forme d'une chaîne de caractères (exemple SAS) qui est construite par substitution puis ensuite compilée.

En R, le package **gtools** apporte la notion de macro sous une forme un peu plus restrictive, on donne :

- un **squelette de programme** qui doit être syntaxiquement correct,
- des **symboles** qui seront substitués ('substitute') dans le squelette par les expressions non évaluées passées au moment de l'appel.

```
> f <- defmacro(.dep, .var, expr= {</pre>
    var=as.character(quote(.var)) # agemere -> "agemere" sans évaluer
    fst("IGoR/data/nais2017.fst") %>%
      .[.$depnais==.dep, c("indnatm", var)] %>%
      group by(indnatm) %>%
      summarise(n = n(),
                age = mean(as.numeric(.var)))
})
> f("976",agemere)
# A tibble: 2 x 3
  indnatm
              n
                  age
  <chr> <int> <dbl>
           2314 29.4
2 2
           7161 27.9
```







Exercice rapide Une première macro

Le code suivant permet, sur la table des naissances, de calculer des statistiques sur l'age de la mère selon les différentes modalités de l'indicateur de nationalité.

```
> naissances %>%
   group_by(indnatm) %>%
   summarise(n = n(), age = mean(as.numeric(agemere)))
```

Rajouter une condition en utilisant *dplyr* (fonction filter pour ne calculer les statistiques que sur une partie de la table. Construire pour cela une fonction qui acceptera n'importe quelle expression en paramètre.

Tester sur la condition depnais== "976"







Corrigé de l'exercice

```
> f <- defmacro(.test,expr=
    naissances %>%
        filter(.test) %>%
        group_by(indnatm) %>%
        summarise(
          age=mean(as.numeric(agemere)),
          n=n())
)

> f(depnais=="976")
# A tibble: 2 x 3
    indnatm age n
        <chr>        <dbl> <int>
1 29.4 2314
2 2 27.9 7161
```





Le code cible du code La fonction substitute

- La fonction substitute est une fonction de base qui permet de modifier un morceau de code (c.a.d. une expression non évaluée) en remplaçant les occurrences de certains symboles par d'autres expressions.
- defmacro n'est qu'un enrobage autour de substitute.
- substitute est un instrument puissant pour réaliser de l'évaluation non standard mais quelque peu incommode car il n'évalue pas son argument et demande donc souvent un deuxième passage de substitution.







Contourner l'évaluation retardée parse et eval

- La fonction defmacro de *gtools* impose que le squelette de programme soit syntaxiquement correct, car les substitutions réalisées sont directement faites sur la forme interne du programme (voir la fonction substitute).
- Si certains symboles utilisés par le programme doivent être construits, il faut passer par la forme externe : construire la chaîne de caractères représentant le programme final, puis l'évaluer.

Exemple : le nom de la colonne cible doit être construit :





Rare

Le chaînon manquant Des fonctions en forme de variables

- Avec la fonction makeActiveBinding, R propose un objet étrange qui se comporte comme une fonction "réversible" sans argument dont la forme de l'appel est syntaxiquement celle de la référence à une variable. C'est un peu ce qui se passe avec les paramètres des fonctions: leur référence déclenche leur évaluation.
- Cette fonctionnalité permet d'implémenter des variables où l'opération d'assignation d'une valeur est contrôlée pour ne pas permettre l'assignation de n'importe quelle valeur.
- Une utilisation possible est la définition de constantes : des variables où on interdit la réassignation :

```
> constante <- defmacro(NOM, VALEUR,</pre>
    expr=makeActiveBinding(
            as.character(quote(NOM)),
           function(v)
              if (missing(v)) VALEUR
              else stop("Tentative de modifier une constante!"),
            .GlobalEnv))
                                                  MakeActiveBinding(
                                                    "DEUX",
                                                    function (v)
> constante (DEUX, 2) _____
                                génère
                                                      if missing(v) 2
> DEUX
                                                       else stop ("Tentative...!"),
[1] 2
                                                     .GlobalEnv)
> DEUX <- 1
Error in (function (v) : Tentative de modifier une constante!
```







That's all!





Mesurer les performances (1/2) Le package *microbenchmark*

- La fonction microbenchmark du package de même nom répète l'exécution d'expressions et collecte les temps d'exécution. Elle permet de comparer les vitesses de solutions alternatives.
- Jeu d'essai :

```
n < -10000
n2 < - n*2
  data1 <- data.frame(id=1:n,a=runif(n), b=rnorm(n))</pre>
  data2 <- data.frame(id=1:n2,c=runif(n2), d=rnorm(n2))</pre>
# --- data.table travaille sur des tables spécialement formatées
  data1bis <- data.table::data.table(data1)</pre>
  data2bis <- data.table::data.table(data2)</pre>
# --- mise en base de données (packagse RSQLite et DBI)
  driver <- dbDriver("SOLite")</pre>
 base <- dbConnect(driver, "truc.sqlite")</pre>
                                                                 NB: merge est une fonction générique
  copy to (base, data1, "data1")
  copy to (base, data2, "data2")
# --- les scenarios
  f0 <- function() merge(data1,data2,by="id",all.x=TRUE,all.y=FALSE)
  f1 <- function() dplyr::left join(data1,data2, by="id")</pre>
  f2 <- function() merge(data1bis, data2bis, by="id", all.x=TRUE, all.y=FALSE)
  f3 <- function() dbGetQuery(base, "SELECT * FROM data1 LEFT JOIN data2 ON data1.id=data2.id")
```







Mesurer les performances (2/2) Le package *bench*

 La fonction mark du package bench donne accès à d'autres statistiques que celles sur la vitesse, en particulier elle fournit l'occupation mémoire et le nombre d'appels au « ramasse miettes » (Garbage Collector, GC)

NB : Les différents scenarios doivent restituer exactement le même résultat.

```
bm <- bench::mark("base"=f0(),"dplyr"=f1(),</pre>
               "data.table"=as.data.frame(f2()), "sqlLite"=f3()[,-4])
summary (bm)
# A tibble: 4 \times 13
 expression
               min median `itr/sec` mem alloc `gc/sec` n itr n gc total time
 <bch:tx> <bch:tx>
                             <dbl> <bch:byt> <dbl> <int> <dbl> <bch:tm>
            12.5ms 13.96ms
                             65.0
                                     2.82MB
                                             4.33
                                                      30
                                                                  462ms
1 base
2 dplyr
           4.57ms 5.04ms
                             188. 1.55MB
                                             8.56 88
                                                                 467ms
                            198. 1.04MB 4.13 96 2
3 data table 4.13ms 4.94ms
                                                                 484ms
4 sqlLite 33.98ms 37.2ms
                            27.2 898.47KB
                                               2.09
                                                      13
                                                                  479ms
```







Lire un fichier Ecrire un fichier	rio	<pre>df <- import("truc.dbf") export(df, "truc.dbf")</pre>	Formats supportés : csv, dbf, ods, xlsx, (xls) sas7bdat, RDS, Rdata, fst
Visualiser une table Visualiser sa structure		View(df) str(df)	Rstudio : click dans le nom click dans le bouton bleu
Compter les lignes	dplyr	<pre>df1 <- count(mtcars) df1 <- count(mtcars,cyl)</pre>	
Faire une statistique		<pre>df1 <- summarise(mtcars, M = mean(hp), N = n())</pre>	min(hp), max(hp), median(hp) quantile(hp,0.25)
Calculer une colonne		<pre>df1 <- mutate(mtcars, cyl=as.factor(cyl), m=mean(hp))</pre>	as.numeric as.character
Conserver des colonnes Conserver des lignes		<pre>df1 <- select(mtcars,hp,cyl) df1 <- filter(mtcars,hp>100)</pre>	-hp supprime hp == teste l'égalité
Calculer par modalités d'autres colonnes		<pre>df2 <- group_by(df1, mtcars) df3 <- summarise(df2, m=mean(hp)) df2 <- mutate(df2, m=mean(hp)) df2 <- filter(df2, hp>mean(hp))</pre>	
Appeler une fonction	dplyr	<pre>df <- "truc.dbf" %>% import() "truc.dbf" %>% export(df,.)</pre>	







Modalités distinctes	dplyr	df2 <- distinct(mtcars, cyl)	
Renommer des colonnes		df2 <- rename (mtcars, c=cyl)	
Fusionner des tables		<pre>dfc <- inner_join(dfa,dfb, by="id"</pre>	left_join, anti_join, semi_join
Empiler des tables		dfc <- bind_rows(dfa,dfb)	
Transposer une table	tidyr	<pre>df1 <- gather(df0,k,v,-id) df0 <- spread(df1,k,v)</pre>	Large vers long Long vers large



