Tema 5 - Data frames

Juan Gabriel Gomila & María Santos

Data frames

Data frame. Un data frame es una tabla de doble entrada, formada por variables en las columnas y observaciones de estas variables en las filas, de manera que cada fila contiene los valores de las variables para un mismo caso o un mismo individuo.

- data(): para abrir una ventana con la lista de los objetos de datos a los que tenemos acceso en la sesión actual de R (los que lleva la instalación básica de R y los que aportan los paquetes que tengamos cargados.
 - Si entramos data(package=.packages(all.available = TRUE)) obtendremos la lista de todos los objetos de datos a los que tenemos acceso, incluyendo los de los paquetes que tengamos instalados, pero que no estén cargados en la sesión actual.

- ▶ head(d.f,n): para mostrar las n primeras filas del data frame. Por defecto se muestran las 6 primeras filas
- tail(d.f,n): para mostrar las n últimas filas del data frame.
 Por defecto semuestran las 6 últimas
- str(d.f): para conocer la estructura global de un data frame
- names(d.f): para producir un vector con los nombres de las columnas

..\$ y: chr "(mm)"

```
str(Orange)
Classes 'nfnGroupedData', 'nfGroupedData', 'groupedData' a
                : Ord.factor w/ 5 levels "3"<"1"<"5"<"2"<.
$ Tree
$ age
                : num 118 484 664 1004 1231 ...
 $ circumference: num 30 58 87 115 120 142 145 33 69 111
 - attr(*, "formula")=Class 'formula' language circumferen
  ...- attr(*, ".Environment")=<environment: R_EmptyEnv>
 - attr(*, "labels")=List of 2
  ..$ x: chr "Time since December 31, 1968"
  ..$ y: chr "Trunk circumference"
 - attr(*, "units")=List of 2
  ..$ x: chr "(days)"
```

head(Orange,4)

tail(Orange,4)

	Tree	age	circumference
32	5	1004	125
33	5	1231	142
34	5	1372	174
35	5	1582	177

- rownames(d.f): para producir un vector con los identificadores de las filas
 - ▶ R entiende siempre que estos identificadores son palabras, aunque sean números, de ahí que los imprima entre comillas
- colnames(d.f): para producir un vector con los identificadores de las columnas
- dimnames (d.f): para producir una list formada por dos vectores (el de los identificadores de las filas y el de los nombres de las columnas)
- nrow(d.f): para consultar el número de filas de un data frame
- ncol(d.f): para consultar el número de columnas de un data frame
- dim(d.f): para producir un vector con el número de filas y el de columnas

- d.f\$nombre_variable: para obtener una columna concreta de un dataframe
 - El resultado será un vector o un factor, según cómo esté definida la columna dentro del data frame
 - Las variables de un data frame son internas, no están definidas en el entorno global de trabajo de R

Sub-data frames

- d.f[n,m]: para extraer "trozos" del data frame por filas y columnas (funciona exactamente igual que en matrices) donde n y m pueden definirse como:
 - intervalos
 - condiciones
 - números naturales
 - no poner nada
 - Si sólo queremos definir la subtabla quedándonos con algunas variables, basta aplicar el nombre del data frame al vector de variables
 - Estas construcciones se pueden usar también para reordenar las filas o columnas

Sub-data frames

```
dataOrange = Orange
dataOrange[c(10:12),]
```

```
Tree age circumference
10 2 664 111
11 2 1004 156
12 2 1231 172
```

```
dataOrange[c(2,17),c(1,3)]
```

```
Tree circumference
2 1 58
17 3 75
```

Sub-data frames

```
dataOrange[2,3]
```

[1] 58

dataOrange[dataOrange\$circumference<=50,]</pre>

Tree	age	circumference
1	118	30
2	118	33
3	118	30
4	118	32
5	118	30
5	484	49
	1 2 3 4 5	Tree age 1 118 2 118 3 118 4 118 5 118 5 484

Leyendo tablas de datos

- read.table(): para definir un data frame a partir de una tabla de datos contenida en un fichero
 - ► Este fichero puede estar guardado en nuestro ordenador o bien podemos conocer su url. Sea cual sea el caso, se aplica la función al nombre del fichero o a la dirección entre comillas

Aquí tenéis una lista de data frames para practicar

Parámetros de read.table()

- header = TRUE: para indicar si la tabla que importamos tiene una primera fila con los nombres de las columnas. El valor por defecto es FALSE
- col.names = c(...): para especificar el nombre de las columnas. No olvidéis que cada nombre debe ir entre comillas
- sep: para especificar las separaciones entre columnas en el fichero (si no es un espacio en blanco). Si es así, hay que introducir el parámetro pertinente entre comillas
- dec: para especificar el signo que separa la parte entera de la decimal (si no es un punto. Si es así, hay que introducir el parámetro pertinente entre comillas

Parámetros de read.table()

	technicalDisciplines	aptitude	maths	language	generalKnowl
1	1	23	50	59	
2	1	70	30	79	
3	1	25	50	86	
4	1	0	40	67	
5	1	0	25	70	
6	1	20	60	78	
7	1	97	65	75	
8	1	1	45	61	

Más parámetros de read.table()

- stringsAsFactors: para prohibir la transformación de las columnas de palabras en factores debemos usar stringsAsFactors=FALSE (ya que por defecto, R realiza dicha transformación)
- Para importar un fichero de una página web segura (cuyo url empiece con https), no podemos entrar directamente la dirección en read.table(); una solución es instalar y cargar el paquete RCurl y entonces usar la instrucción read.table (textConnection(getURL("url ")),...).

Leyendo diferentes tipos de fichero

- read.csv(): para importar ficheros en formato CSV
- read.xls() o read.xlsx(): para importar hojas de cálculo tipo Excel u OpenOffice en formato XLS o XLSX, respectivamente. Se necesita el paquete xlsx
- read.mtb(): para importar tablas de datos Minitab. Se necesita el paquete foreign
- read.spss(): para importar tablas de datos SPSS. Se necesita el paquete foreign

Exportando datos a ficheros

- write.table(df, file = ""): para exportar un data frame a un fichero
 - file = "": es donde indicaremos el nombre que queremos darle al fichero
 - Podemos usar el parámetro sep para indicar el símbolo de separación de columnas. Siempre entre comillas
 - ► También podemos utilizar el parámetro dec para indicar la separación entre la parte entera y decimal de los datos

Exportando datos a ficheros

```
write.table(students, file = "../data/StudentsData", dec =
students2 = read.table("../data/StudentsData", header = TRU
str(students2)

'data.frame': 82 obs. of 5 variables:
$ technicalDisciplines: int 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
```

```
$ aptitude : int 23 70 25 0 0 20 97 1 30 23 . $ maths : int 50 30 50 40 25 60 65 45 45 46
```

\$ language : int 50 30 30 40 25 60 65 45 45 46

\$ generalKnowledge : int 10 18 22 16 20 22 22 22 16 18

- data.frame(vector_1,...,vector_n): para construir un data frame a partir de vectores introducidos en el orden en el que queremos disponer las columnas de la tabla
 - R considera del mismo tipo de datos todas las entradas de una columna de un data frame
 - Las variables tomarán los nombres de los vectores. Estos nombres se pueden especificar en el argumento de data.frame entrando una construcción de la forma nombre_variable = vector
 - rownames: para especificar los identificadores de las filas
 - ► También en esta función podemos hacer uso del parámetro stringsAsFactors para evitar la transformación de las columnas de tipo palabra en factores

```
Algebra = c(1,2,0,5,4,6,7,5,5,8)

Analysis = c(3,3,2,7,9,5,6,8,5,6)

Statistics = c(4,5,4,8,8,9,6,7,9,10)

grades = data.frame(Alg = Algebra, An = Analysis, Stat = Str(grades)
```

```
$ Alg : num 1 2 0 5 4 6 7 5 5 8
$ An : num 3 3 2 7 9 5 6 8 5 6
```

'data.frame': 10 obs. of 3 variables:

\$ An : num 3 3 2 / 9 5 6 8 5 6

\$ Stat: num 4 5 4 8 8 9 6 7 9 10

- fix(d.f): para crear / editar un data frame con el editor de datos
- names(d.f): para cambiar los nombres de las variables
- rownames(d.f): para modificar los identificadores de las filas. Han de ser todos diferentes
- dimnames(d.f)=list(vec_nom_fil, vec_nom_col): para modificar el nombre de las filas y de las columnas simultáneamente

- d.f[núm_fila,] = c(...): para añadir una fila a un data frame
 - Las filas que añadimos de esta manera son vectores, y por tanto sus entradas han de ser todas del mismo tipo
 - ➤ Si no añadimos las filas inmediatamente siguientes a la última fila del data frame, los valores entre su última fila y las que añadimos quedarán no definidos y aparecerán como NA
 - Para evitar el problema anterior, vale más usar la función rbind() para concatenar el data frame con la nueva fila

```
Calculus = c(5,4,6,2,1,0,7,8,9,6)
grades2 = cbind(grades, Calculus)
head(grades2)
```

- d.f\$new_var: para añadir una nueva variable al data frame
 - Podemos concatenar columnas con un data frame existente mediante la función cbind(). De este modo se puede añadir la columna directamente sin necesidad de convertirla antes a data frame
 - Esta nueva variable ha de tener la misma longitud que el resto de columnas del data frame original. Si no, se añadirán valores NA a las variables del data frame original o a la nueva variable hasta completar la misma longitud

Cambiando los tipos de datos

- as.character: para transformar todos los datos de un objeto en palabras
- as.integer: para transformar todos los datos de un objeto a números enteros
- as.numeric: para transformar todos los datos de un objeto a números reales

Más sobre sub-data frames

- droplevels(d.f): para borrar los niveles sobrantes de todos los factores, ya que las columnas que son factores heredan en los sub-data frames todos los niveles del factor original, aunque no aparezcan en el trozo que hemos extraído
- select(d.f, parámetros): para especificar que queremos extraer de un data frame
 - starts_with("x"): extrae del data frame las variables cuyo nombre empieza con la palabra "x"
 - ends_with("x"): extrae del data frame las variables cuyo nombre termina con la palabra "x"
 - contains("x"): extrae del data frame las variables cuyo nombre contiene la palabra "x"
 - Se necesita el paquete dplyr o mejor aún tidyverse

Más sobre sub-data frames

- subset(d.f,condición,select = columnas): para extraer del data frame las filas que cumplen la condición y las columnas especificadas
 - Si queremos todas las filas, no hay que especificar ninguna condición
 - Si queremos todas las columnas, no hace especificar el parámetro select
 - Las variables en la condición se especifican con su nombre, sin añadir antes el nombre del data frame

Aplicando funciones a data frames

- sapply(d.f, función): para aplicar una función a todas las columnas de un data frame en un solo paso
 - ▶ na.rm=TRUE: para evitar que el valor que devuelva la función para las columnas que contengan algún NA sea NA
- aggregate(variables~factors,data=d.f,FUN=función): para aplicar una función a variables de un data frame clasificadas por los niveles de un, o más de un, factor
 - Si queremos aplicar la función a más de una variable, tenemos que agruparlas con un cbind
 - ➤ Si queremos separar las variables mediante más de un factor, tenemos que agruparlos con signos +

Variables globales

- attach(d.f): para hacer que R entienda sus variables como globales y que las podamos usar por su nombre, sin necesidad de añadir delante el nombre del data frame y el símbolo \$
 - Si ya hubiera existido una variable definida con el mismo nombre que una variable del data frame al que aplicamos attach, hubiéramos obtenido un mensaje de error al ejecutar esta función y no se hubiera reescrito la variable global original
- detach(d.f): para devolver la situación original, eliminando del entorno global las variables del data frame