

分子动力学计算代码解读

1. 头文件部分

- `cstdlib`: 包含 `atoi` 和 `atof` 等函数的库。
- `iomanip`: 用于设置输出格式。
- `vector`: 包含向量容器的库。
- `list`: 包含链表容器的库。
- `algorithm`: 包含算法函数的库。
- `"function.h"`: 自定义的函数头文件。
- `"plotter.h"`: 自定义的绘图库头文件。

2. 主要函数

- `LennardJones` 函数: 计算Lennard-Jones势函数对应的力。
- `Force` 函数: 根据位置计算力。
- `Initialize` 函数: 初始化位置和速度。
- `velocityverlet` 函数: 实现Velocity-Verlet算法进行时间演化。
- `instantaneousTemperature` 函数: 计算瞬时温度。
- `Print` 函数: 输出位置、速度和加速度。
- `cmp` 函数: 用于对原子根据其z坐标进行排序。
- `Draw` 函数: 进行绘图, 显示模拟结果。
- `main` 函数: 程序的主函数, 包含命令行参数解析、初始化、模拟循环和绘图部分。

3. 主要函数详解

`LennardJones` 函数

- 功能: 计算Lennard-Jones势函数对应的力。
- 参数:
 - `r`: 包含三个元素的数组, 表示原子之间的距离。
 - `f`: 包含三个元素的数组, 表示计算得到的力。
- 这个函数实现了Lennard-Jones势函数的力计算公式。

```
inline void LennardJones(const double r[3], double f[3])
{
    double r2 = sqr(r[0])+sqr(r[1])+sqr(r[2]);
    double fc = 24 * (2 * pow(r2, -7) - pow(r2, -4));
    f[0] = r[0]*fc;
    f[1] = r[1]*fc;
    f[2] = r[2]*fc;
}
```

`Force` 函数:

- 功能: 根据原子的位置计算相互作用力。
- 参数:
 - `r`: 包含原子位置的二维数组。
 - `a`: 用于存储计算得到的加速度的二维数组。

- 这个函数使用嵌套的循环遍历所有原子对，计算原子之间的相互作用力，并更新对应的加速度。

```
void Force(const function2D<double>& r, function2D<double>& a)
{
    a=0;
    for (int i=0; i<r.size_N()-1; i++)      // loop over all distinct pairs i,j
        for (int j=i+1; j<r.size_N(); j++){
            double rij[3], fij[3];          // position of i relative to j and force
            for (int k=0; k<3; k++) rij[k] = r(i,k) - r(j,k);
            LennardJones(rij,fij);
            for (int k=0; k < 3; k++) {
                a[i][k] += fij[k];
                a[j][k] -= fij[k];
            }
        }
}
```

Initialize 函数:

- 功能：初始化原子的位置和速度。
- 参数：
 - `L`：线性尺寸。
 - `vmax`：最大初始速度分量。
 - `r`：用于存储位置的二维数组。
 - `v`：用于存储速度的二维数组。
- 这个函数将原子在立方体中均匀分布，并为每个原子分配随机的初始速度。

```
void Initialize(double L, double vmax, function2D<double>& r, function2D<double>& v)
{
    int N = r.size_N();
    int n = int(ceil(pow(N, 1./3.))); // number of atoms in each direction
    double a0 = L/n;                 // lattice spacing
    // initialize positions
    int p = 0; // particles are not placed close to the boundary but rather 0.5*a0
    from the boundary!
    for (int ix = 0; ix < n; ix++)
        for (int iy = 0; iy < n; iy++)
            for (int iz = 0; iz < n; iz++) {
                if (p < N) {
                    r(p,0) = (ix + 0.5) * a0;
                    r(p,1) = (iy + 0.5) * a0;
                    r(p,2) = (iz + 0.5) * a0;
                }
                ++p;
            }

    // initialize velocities
    for (int p = 0; p < N; p++)
        for (int i = 0; i < 3; i++)
            v(p,i) = vmax * (2 * drand48()-1);
}
```

velocityVerlet 函数:

- 功能: 使用Velocity-Verlet算法进行时间演化。
- 参数:
 - `N`: 原子数量。
 - `M`: 坐标维度。
 - `dh`: 时间步长。
 - `r`: 包含位置的二维数组。
 - `v`: 包含速度的二维数组。
 - `a`: 包含加速度的二维数组。
 - `F`: 函数对象, 用于计算力。
- 这个函数根据给定的时间步长, 使用Velocity-Verlet算法更新原子的位置和速度, 并调用函数对象 `F` 来计算力。

```
// Velocity-Verlet algorithm written for very general system of variables
template <class storage, class functor>
void velocityVerlet(int N, int M, double dh, storage& r, storage& v, storage& a,
functor& F)
{
    F(r,a); // Computes acceleration "a" using function "F" which depends solely on
positions "r".
    for (int i=0; i<N; i++){
        for (int k=0; k<M; k++){
            v[i][k] += 0.5*a[i][k]*dh;
            r[i][k] += v[i][k]*dh;
        }
    }
    F(r,a);
    for (int i=0; i<N; i++)
        for (int k=0; k<M; k++)
            v[i][k] += 0.5*a[i][k]*dh;
}
```

instantaneousTemperature 函数:

- 功能: 计算瞬时温度。
- 参数:
 - `v`: 包含速度的二维数组。
- 这个函数根据速度计算瞬时温度。

```
double instantaneousTemperature(function2D<double>& v){
    double sum = 0;
    for (int i=0; i<v.size_N(); i++)
        for (int k=0; k<v.size_Nd(); k++)
            sum += sqr(v[i][k]);
    return sum/(3*(v.size_N() - 1));
}
```

Print 函数:

- 功能: 输出原子的位置、速度和加速度。
- 参数:
 - `r`: 包含位置的二维数组。
 - `v`: 包含速度的二维数组。
 - `a`: 包含加速度的二维数组。
- 这个函数使用循环遍历所有原子, 并按照一定的格式输出其位置、速度和加速度。

```
void Print(const function2D<double>& r, const function2D<double>& v, const
function2D<double>& a)
{
    using namespace std;
    for (int i=0; i<r.size_N(); i++){
        cout<<setw(25)<<r(i,0)<<" "<<setw(25)<<r(i,1)<<" "<<setw(25)<<r(i,2)<<" ";
        cout<<setw(25)<<v(i,0)<<" "<<setw(25)<<v(i,1)<<" "<<setw(25)<<v(i,2)<<" ";
        cout<<setw(25)<<a(i,0)<<" "<<setw(25)<<a(i,1)<<" "<<setw(25)<<a(i,2)<<" ";
        cout<<endl;
    }
}
```

cmp 函数:

- 功能: 用于对原子根据其z坐标进行排序。
- 参数:
 - `r1`: 包含三个元素的数组, 表示原子1的位置。
 - `r2`: 包含三个元素的数组, 表示原子2的位置。

```
int cmp(const vector<double>& r1, const vector<double>& r2)// Only for sorting
atoms according to their z coordinate
{ return r1[2]>r2[2];}
```

Draw 函数:

- 功能: 进行绘图, 显示模拟结果。
- 参数:
 - `r`: 包含位置的二维数组。
- 这个函数使用自定义的绘图库进行绘图, 将原子的位置可视化。

```
void Draw(double alpha, double theta, int pixsize, Plotter& plotter, const
function2D<double>& r)
{
    // 3D->2D projection (Cavalier projection)
    double c1 = cos(theta)/tan(alpha);
    double c2 = sin(theta)/tan(alpha);

    plotter.erase();
    plotter.filltype(1);
    // atoms that have larger z coordinate should be plotted first to have the
    right stacking order in 3D plot
    // need to sort coordinates
```

```

list<vector<double> > coord;
for (int i=0; i<r.size_N(); i++){
    vector<double> r0(3);
    r0[0] = r[i][0];
    r0[1] = r[i][1];
    r0[2] = r[i][2];
    coord.push_back(r0);
}
coord.sort(cmp);

// We will draw more distant atoms by dark color and closer by bright color
// Need the minimum and maximum z coordinate
double zmin = (*coord.begin())[2];
double zmax = (*(--coord.end()))[2];

for (list<vector<double> >::iterator ri=coord.begin(); ri!=coord.end(); ri++){
    double xp = (*ri)[0]+(*ri)[2]*c1; // projected coordinates
    double yp = (*ri)[1]+(*ri)[2]*c2;
    int color = static_cast<int>(((ri)[2]-zmin)/(zmax-zmin)*65530);
    plotter.fillcolor(color,color,color); // only grey colors used
    plotter.circle(static_cast<int>(xp*pixsize),static_cast<int>
(yp*pixsize),static_cast<int>(pixsize));
}
    plotter.flushpl(); // to flush output, otherwise some atoms might be missing on
the display
}

```

main 函数:

- 功能：程序的主函数，包含命令行参数解析、初始化、模拟循环和绘图部分。
- 主要步骤：
 - 解析命令行参数，如粒子数、系统大小、最大步数等。
 - 初始化位置和速度。
 - 进行模拟循环，每步调用 `velocityverlet` 函数进行时间演化，并输出模拟结果。
 - 每隔一段时间调用 `Draw` 函数进行绘图展示。

```

int main(int argc, char *argv[], char *env[])
{
    int N=64; // Number of particles
    double L=10; // Linear size of cubic volume
    double vmax=0.2; // Maximum initial velocity component
    int MaxSteps=2000;
    double dt = 0.01; // Time-step
    int i=0;
    while (++i<argc){
        std::string str(argv[i]);
        if (str=="-N" && i<argc-1) N = atoi(argv[++i]);
        if (str=="-L" && i<argc-1) L = atof(argv[++i]);
        if (str=="-vmax" && i<argc-1) vmax = atof(argv[++i]);
        if (str=="-dt" && i<argc-1) dt = atof(argv[++i]);
        if (str=="-Ms" && i<argc-1) MaxSteps = atoi(argv[++i]);
        if (str=="-h" || str=="--help"){
            std::clog<<"***** Molecular dynamics for argon *****\n";
            std::clog<<"**\n";

```

```

std::clog<<"**      Copyright Kristjan Haule, 26.09.2005      **\n";
std::clog<<"*****\n";
std::clog<<"\n";
std::clog<<"dla [-N int] [-h]\n" ;
std::clog<<"Options:  -N      Total number of particles ("<<N<<")\n";
std::clog<<"              -L      Linear system size ("<<L<<")\n";
std::clog<<"              -Vmax    Maximum initial velocity ("<<Vmax<<")\n";
std::clog<<"              -Ms      Maximum number of steps ("
<<MaxSteps<<")\n";
std::clog<<"              -dt      Time-step ("<<dt<<")\n";
std::clog<<"*****\n";
return 0;
}
}

/***** Initialization of plotter *****/
PlotterParams params; // set a Plotter parameter
params.setp1param ("PAGESIZE", (char *)"letter");
XPlotter plotter(cin, cout, cerr, params); // declare Plotter
if (plotter.openp1 () < 0){ // open Plotter
    cerr << "Cou1dn't open Plotter\n";
    return 1;
}
int pixsize=500;
plotter.fspace (-pixsize*L, -pixsize*L, pixsize*L*3, pixsize*L*3); // specify
user coor system
/*****

// Data structures to store position, velocity and acceleartion
function2D<double> r(N,3), v(N,3), a(N,3);

/***** Initialization of random number gen. *****/
int random_seed = time(0);
srand48(random_seed);
/*****
Initialize(L,Vmax,r,v);// Initialize the position and velocities of atoms

for (int i=0; i<MaxSteps; i++){
    std::cout<<i<<" "<<instantaneousTemperature(v)<<std::endl;
    velocityVerlet(N, 3, dt, r, v, a, Force);// Actual simulation
    if (i%50==0){
        Draw(0.25*M_PI, 0.25*M_PI, pixsize, plotter, r);
    }
}

/***** Plotter Done*****/
clog<<"DONE"<<endl;
if (plotter.closep1 () < 0){ // close Plotter
    cerr << "Cou1dn't close Plotter\n";
    return 1;
}
/*****
return 0;
}

```

