

Avaliação do Modelo de Árvore de Classificação e Regressão (CART).

Introdução.

Este Jupyter Notebook investiga a base de dados de propriedades acústicas disponíveis no site

<http://www.primaryobjects.com/2016/06/22/identifying-the-gender-of-a-voice-using-machine-learning/>
(<http://www.primaryobjects.com/2016/06/22/identifying-the-gender-of-a-voice-using-machine-learning/>).

Objetivo da investigação é determinar as chances de algum algoritmo para detecção de gênero, seja por estatística tradicional ou por meio técnicas machine learning e redes neurais, possibilitando a implantação em dispositivos embarcados de baixo custo de memória e processamento restrito.

Propriedades acústicas medidas

As seguintes propriedades acústicas de cada voz são medidas:

- **meanfreq** : frequência média (em kHz) sobre as amostras compostas no sinal de arquivo de voz;
- **sd** : desvio padrão da frequência, sobre as amostras compostas no sinal de arquivo de voz;
- **mediana** : frequência mediana (em kHz) sobre as amostras compostas no sinal de arquivo de voz;
- **Q25** : primeiro quantil (em kHz) sobre as amostras compostas no sinal de arquivo de voz;
- **Q75** : terceiro quantil (em kHz) sobre as amostras compostas no sinal de arquivo de voz;
- **IQR** : intervalo interquartil (em kHz) sobre as amostras compostas no sinal de arquivo de voz;
- **skew** : média de assimetria da distribuição das frequências de vocal predominante;
- **kurt** : curtose distribuição espectral da voz, domínio da frequência;
- **sp.ent** : entropia espectral, pureza da distribuição da voz em relação ao nível de ruído;
- **sfm** : nivelamento espectral, estima a planaridade de um espectro de frequência;
- **modo** : frequência de modo, ou seja, frequência dominante da voz;
- **centrod** : frequência central máxima visto no domínio da frequência;
- **meanfun** : média da frequência fundamental medida através do sinal acústico (Tonalidade base da voz);
- **minfun** : frequência fundamental mínima medida no sinal acústico (Tonalidade base da voz);
- **maxfun** : frequência fundamental máxima medida através do sinal acústico (Tonalidade base da voz);
- **meandom** : média da frequência dominante medida através do sinal acústico (média total das notas musicais mais graves da voz em relação ao sinal gravado);
- **mindom** : mínimo de frequência dominante medido através do sinal acústico;
- **maxdom** : máxima da frequência dominante medida através do sinal acústico;
- **dfrange** : faixa de frequência dominante medida através do sinal acústico;
- **modindx** : índice de modulação. Calculado como a diferença absoluta acumulada entre medições adjacentes de frequências fundamentais divididas pela faixa de frequência.
- **label** : rotulo de identificador da amostra em relação ao sexo, adicionado durante a gravação "male" ou "female".

Resumo da análise anterior com base tratada em python da base de propriedades acústicas.

In [1]:

```
%matplotlib inline
```

In [2]:

```
# Importa as bibliotecas
import pandas
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy
#from pandas.tools.plotting import scatter_matrix
from pandas.plotting import scatter_matrix
import seaborn as sb
from sklearn.model_selection import train_test_split, cross_val_score
from sklearn.preprocessing import Normalizer
#Logistic Regression
from sklearn.linear_model import LogisticRegression
from sklearn.metrics import roc_auc_score, roc_curve, auc, accuracy_score, recall_score, precision_score
import statsmodels.api as sm
from sklearn.metrics import confusion_matrix
# Load libraries
import pandas as pd
from sklearn.tree import DecisionTreeClassifier # Import Decision Tree Classifier
from sklearn import metrics #Import scikit-learn metrics module for accuracy calculation
```

In [3]:

```
url = ".\\baseDados\\voice_fix.csv"
colunas = ["meanfreq", "sd", "median", "Q25", "Q75", "IQR", "skew", "kurt", "sp.ent", "sfm", "mode", "centroid", "meanfun", "minfun", "maxfun", "meandom", "mindom", "maxdom", "dfrange", "modindx", "label"]
dataset = pandas.read_csv(url, sep = ",")
```

In [4]:

```
dataset[["meanfreq", "sd", "median"]].head(2)
```

Out[4]:

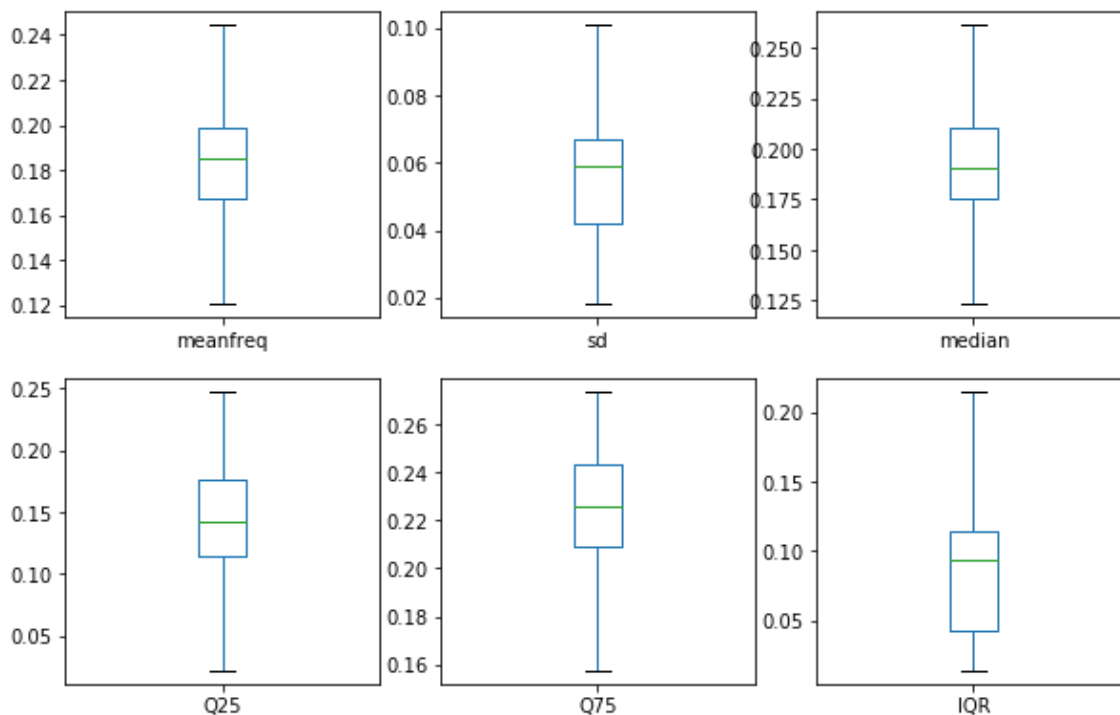
	meanfreq	sd	median
0	0.183506	0.064241	0.190591
1	0.183506	0.067310	0.190591

1) Refazendo boxplot.

O BOXPLOT representa os dados através de um retângulo construído com os quartis e fornece informação sobre valores extremos.

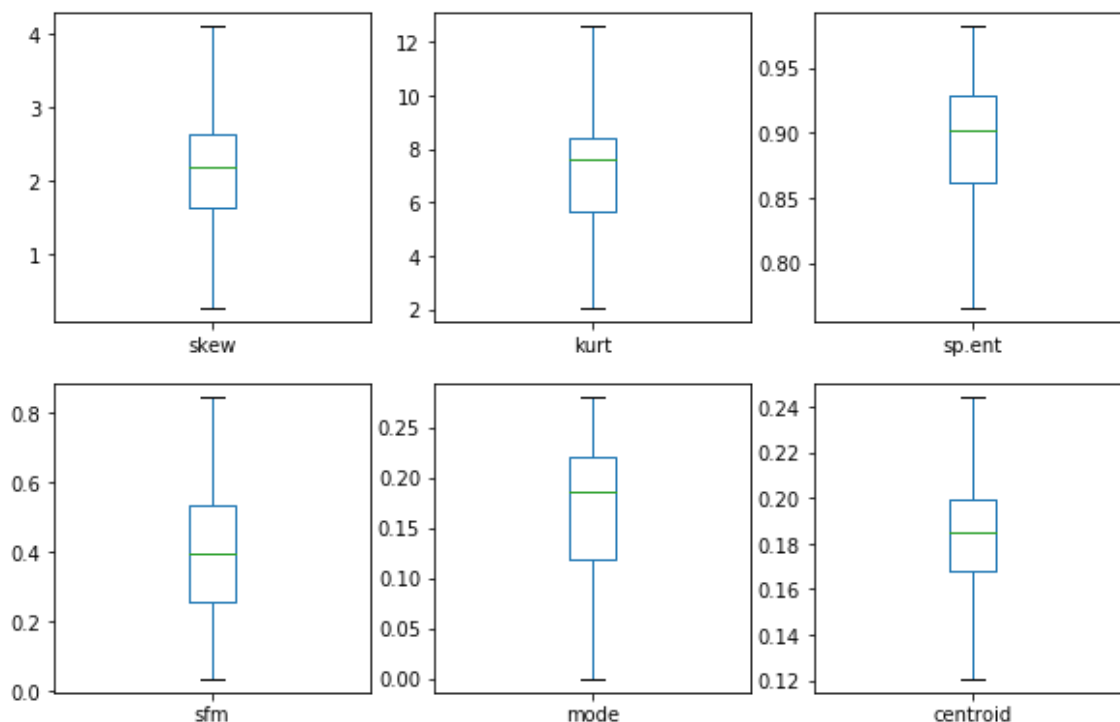
In [5]:

```
plt.rcParams['figure.figsize'] = (10,10)
dataset[colunas[0:6]].plot(kind='box', subplots=True, layout=(3,3), sharex=False, sharey=False)
plt.show()
```



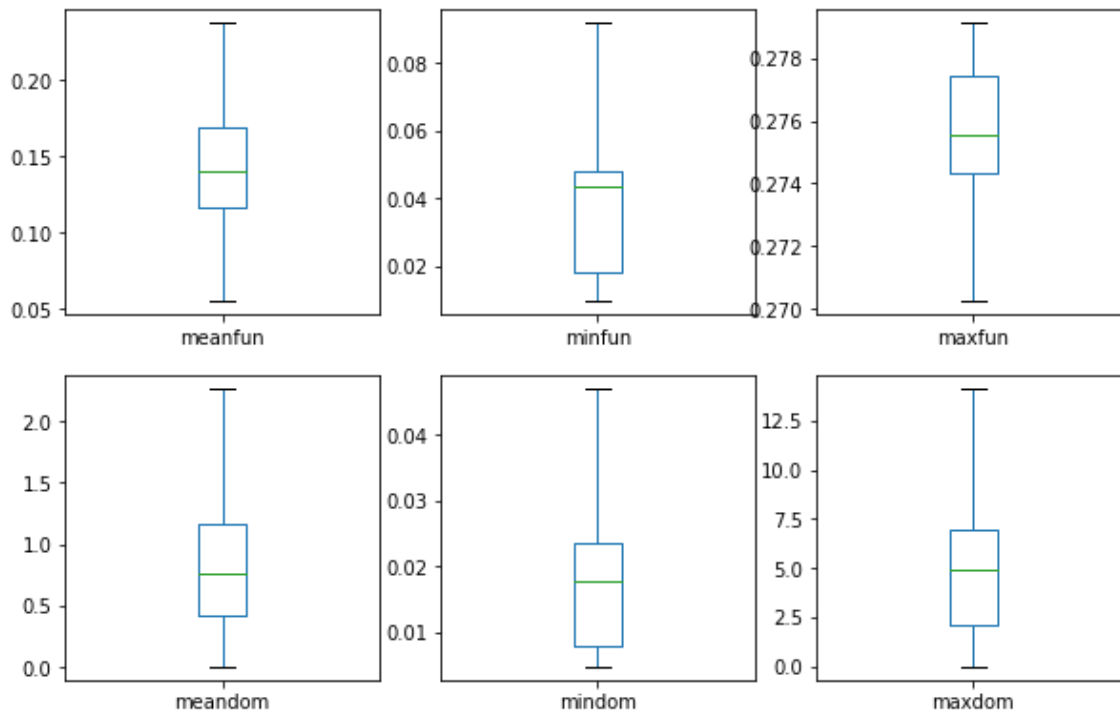
In [6]:

```
plt.rcParams['figure.figsize'] = (10,10)
dataset[colunas[6:6 * 2]].plot(kind='box', subplots=True, layout=(3,3), sharex=False, sharey=False)
plt.show()
```



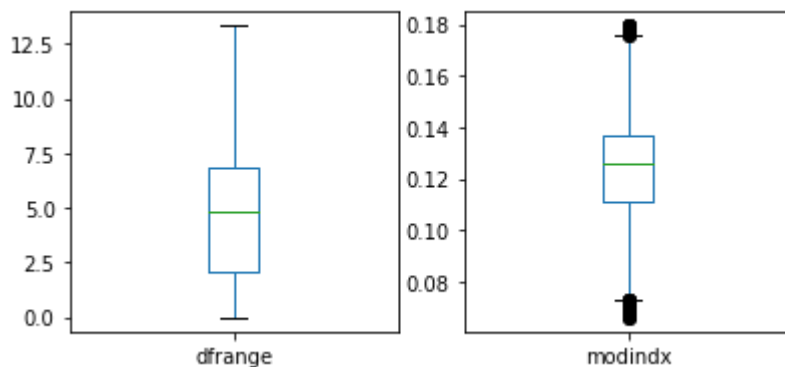
In [7]:

```
plt.rcParams['figure.figsize'] = (10,10)
dataset[colunas[6 * 2 : 6 * 3]].plot(kind='box', subplots=True, layout=(3,3), sharex=False, sharey=False)
plt.show()
```



In [8]:

```
plt.rcParams['figure.figsize'] = (10,10)
dataset[colunas[6 * 3 : 6 * 4]].plot(kind='box', subplots=True, layout=(3,3), sharex=False, sharey=False)
plt.show()
```



Fim do resumo análise exploraria.

Procedimentos de avaliação de modelo

Train/Test Split K-Fold Cross Validation

2) Preparando a base para usar no modelo de Árvore de Classificação e Regressão.

In [9]:

```
print(dataset.head().transpose())
```

	0	1	2	3	4
Unnamed: 0	0	1	2	3	4
meanfreq	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.13512
sd	0.0642413	0.06731	0.0838294	0.0721106	0.0791461
median	0.190591	0.190591	0.190591	0.158011	0.124656
Q25	0.142287	0.142482	0.142287	0.0965817	0.0787202
Q75	0.225624	0.225624	0.225624	0.207955	0.206045
IQR	0.075122	0.0732523	0.123207	0.111374	0.127325
skew	2.19606	2.19606	2.19606	1.23283	1.10117
kurt	8.44236	8.44236	8.44236	4.1773	4.33371
sp.ent	0.893369	0.892193	0.846389	0.963322	0.971955
sfm	0.491918	0.513724	0.478905	0.727232	0.783568
mode	0	0	0	0.0838782	0.104261
centroid	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.13512
meanfun	0.0842791	0.107937	0.0987063	0.0889648	0.106398
minfun	0.0157017	0.0158259	0.0156556	0.0177976	0.0169312
maxfun	0.275862	0.274345	0.271186	0.274345	0.275533
meandom	0.0078125	0.00901442	0.00799006	0.201497	0.712812
mindom	0.0078125	0.0078125	0.0078125	0.0078125	0.0078125
maxdom	0.0078125	0.0546875	0.015625	0.5625	5.48438
dfrange	0	0.046875	0.0078125	0.554688	5.47656
modindx	0.133737	0.124252	0.124252	0.12905	0.126195
label	male	male	male	male	male

3) Removendo indexador salvo durante a análise da base.

In [10]:

```
df_pre=dataset.drop(columns=['Unnamed: 0'])
```

In [11]:

```
dataset=df_pre
print(dataset.head().transpose())
```

	0	1	2	3	4
meanfreq	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.13512
sd	0.0642413	0.06731	0.0838294	0.0721106	0.0791461
median	0.190591	0.190591	0.190591	0.158011	0.124656
Q25	0.142287	0.142482	0.142287	0.0965817	0.0787202
Q75	0.225624	0.225624	0.225624	0.207955	0.206045
IQR	0.075122	0.0732523	0.123207	0.111374	0.127325
skew	2.19606	2.19606	2.19606	1.23283	1.10117
kurt	8.44236	8.44236	8.44236	4.1773	4.33371
sp.ent	0.893369	0.892193	0.846389	0.963322	0.971955
sfm	0.491918	0.513724	0.478905	0.727232	0.783568
mode	0	0	0	0.0838782	0.104261
centroid	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.13512
meanfun	0.0842791	0.107937	0.0987063	0.0889648	0.106398
minfun	0.0157017	0.0158259	0.0156556	0.0177976	0.0169312
maxfun	0.275862	0.274345	0.271186	0.274345	0.275533
meandom	0.0078125	0.00901442	0.00799006	0.201497	0.712812
mindom	0.0078125	0.0078125	0.0078125	0.0078125	0.0078125
maxdom	0.0078125	0.0546875	0.015625	0.5625	5.48438
dfrange	0	0.046875	0.0078125	0.554688	5.47656
modindx	0.133737	0.124252	0.124252	0.12905	0.126195
label	male	male	male	male	male

4) Substituindo female=1, male=0 e troca por o rótulo label=sexo.

In [12]:

```
df_pre['label'] = df_pre['label'].replace({'female': 1, 'male': 0})
```

In [13]:

```
dataset = df_pre
```

In [14]:

```
df = dataset.rename(columns={'label': 'sexo'})
print(df.head().transpose())
```

	0	1	2	3	4
meanfreq	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.135120
sd	0.064241	0.067310	0.083829	0.072111	0.079146
median	0.190591	0.190591	0.190591	0.158011	0.124656
Q25	0.142287	0.142482	0.142287	0.096582	0.078720
Q75	0.225624	0.225624	0.225624	0.207955	0.206045
IQR	0.075122	0.073252	0.123207	0.111374	0.127325
skew	2.196061	2.196061	2.196061	1.232831	1.101174
kurt	8.442361	8.442361	8.442361	4.177296	4.333713
sp.ent	0.893369	0.892193	0.846389	0.963322	0.971955
sfm	0.491918	0.513724	0.478905	0.727232	0.783568
mode	0.000000	0.000000	0.000000	0.083878	0.104261
centroid	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.135120
meanfun	0.084279	0.107937	0.098706	0.088965	0.106398
minfun	0.015702	0.015826	0.015656	0.017798	0.016931
maxfun	0.275862	0.274345	0.271186	0.274345	0.275533
meandom	0.007812	0.009014	0.007990	0.201497	0.712812
mindom	0.007812	0.007812	0.007812	0.007812	0.007812
maxdom	0.007812	0.054688	0.015625	0.562500	5.484375
dfrange	0.000000	0.046875	0.007812	0.554688	5.476562
modindx	0.133737	0.124252	0.124252	0.129050	0.126195
sexo	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000	0.000000

5) Dataset: Train/Test Split para o modelo de Árvore de Classificação e Regressão.

Esse método divide o conjunto de dados em duas partes: um conjunto de treinamento e um conjunto de testes. O conjunto de treinamento é usado para treinar o modelo. Também podemos medir a precisão do modelo no conjunto de treinamento, mas não devemos avaliar modelos com base somente nessa métrica.

6) Separando as variáveis independentes da variável resposta.

In [15]:

```
X_entrada = df.drop(columns=['sexo'])
Y_entrada = df['sexo']
```

7) Mostra variáveis independentes.

In [16]:

```
print(X_entrada.head().transpose())
```

	0	1	2	3	4
meanfreq	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.135120
sd	0.064241	0.067310	0.083829	0.072111	0.079146
median	0.190591	0.190591	0.190591	0.158011	0.124656
Q25	0.142287	0.142482	0.142287	0.096582	0.078720
Q75	0.225624	0.225624	0.225624	0.207955	0.206045
IQR	0.075122	0.073252	0.123207	0.111374	0.127325
skew	2.196061	2.196061	2.196061	1.232831	1.101174
kurt	8.442361	8.442361	8.442361	4.177296	4.333713
sp.ent	0.893369	0.892193	0.846389	0.963322	0.971955
sfm	0.491918	0.513724	0.478905	0.727232	0.783568
mode	0.000000	0.000000	0.000000	0.083878	0.104261
centroid	0.183506	0.183506	0.183506	0.151228	0.135120
meanfun	0.084279	0.107937	0.098706	0.088965	0.106398
minfun	0.015702	0.015826	0.015656	0.017798	0.016931
maxfun	0.275862	0.274345	0.271186	0.274345	0.275533
meandom	0.007812	0.009014	0.007990	0.201497	0.712812
mindom	0.007812	0.007812	0.007812	0.007812	0.007812
maxdom	0.007812	0.054688	0.015625	0.562500	5.484375
dfrange	0.000000	0.046875	0.007812	0.554688	5.476562
modindx	0.133737	0.124252	0.124252	0.129050	0.126195

In [17]:

```
feature_cols=X_entrada.columns
feature_cols
```

Out[17]:

```
Index(['meanfreq', 'sd', 'median', 'Q25', 'Q75', 'IQR', 'skew', 'kurt',
      'sp.ent', 'sfm', 'mode', 'centroid', 'meanfun', 'minfun', 'maxfun',
      'meandom', 'mindom', 'maxdom', 'dfrange', 'modindx'],
      dtype='object')
```

In [18]:

```
Y_entrada.head()
```

Out[18]:

```
0    0
1    0
2    0
3    0
4    0
Name: sexo, dtype: int64
```

8) Divisão de 30% teste e 70% para o treino.

In [19]:

```
X_train,X_test,y_train,y_test=train_test_split(X_entrada,Y_entrada,test_size=0.30,random_state=0)
```


In [20]:

```
X_train.shape,X_test.shape , y_train.shape, y_test.shape

dictabela = {}
dictabela['Registros para treino'] = X_train.shape[0]
dictabela['Registros para teste'] = X_test.shape[0]
```

In [21]:

```
dftreinoteste = pandas.DataFrame.from_dict(dictabela, orient="index").reset_index()
```

In [22]:

```
dftreinoteste =dftreinoteste.rename(columns={'index': 'divisão do dados'})
dftreinoteste =dftreinoteste.rename(columns={0: 'total'})
dftreinoteste
```

Out[22]:

	divisão do dados	total
0	Registros para treino	2217
1	Registros para teste	951

9) Normalização dos dados por questão de escala.

In [23]:

```
# Instantiate
norm = Normalizer()

# Fit
norm.fit(X_train)

# Transform both training and testing sets
X_train_norm = norm.transform(X_train)
X_test_norm = norm.transform(X_test)
```

In [24]:

```
X_train_norm.shape , X_test_norm.shape
```

Out[24]:

```
((2217, 20), (951, 20))
```

10) Declarando o modelo Index de Gini.

O coeficiente de Gini se calcula como uma razão das áreas no diagrama da curva de Lorenz. Se a área entre a linha de perfeita igualdade e a curva de Lorenz é A, e a área abaixo da curva de Lorenz é B, então o coeficiente de Gini é igual a $A/(A+B)$.

Esta razão se expressa como percentagem ou como equivalente numérico dessa percentagem, que é sempre um número entre 0 e 1. O coeficiente de Gini pode ser calculado com a Fórmula de Brown, que é mais prática:

$$G = 1 - \sum_{k=0}^{k=n-1} (X_{k+1} - X_k)(Y_{k+1} + Y_k) \quad G = 1 - \sum_{k=0}^{k=n-1} (X_{k+1} - X_k)(Y_{k+1} + Y_k)$$

onde:

G = coeficiente de Gini X = proporção acumulada da variável "população" Y = proporção acumulada da variável "renda"

In [25]:

```
# Create Decision Tree
classifier = DecisionTreeClassifier()
```

11) Declarando o modelo para Validação cruzada.

In [26]:

```
classifierComp = DecisionTreeClassifier()
```

Treinamento e teste dos modelos.

12) Principal dos modelos.

In [27]:

```
classifier.fit(X_train,y_train)
```

Out[27]:

```
DecisionTreeClassifier(class_weight=None, criterion='gini', max_depth=None,
max_features=None, max_leaf_nodes=None,
min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None,
min_samples_leaf=1, min_samples_split=2,
min_weight_fraction_leaf=0.0, presort=False,
random_state=None, splitter='best')
```

In [28]:

```
y_pred=classifier.predict(X_test)
```

13) Treinamento do modelo Comparativo em validação cruzada.

In [29]:

```
accuracy_cross = cross_val_score(classifierComp, X_entrada,Y_entrada, cv = 10, scoring='accuracy').mean()
```

Modelo de avaliação de métricas.

16) Classificação

Matriz de confusão.

Uma matriz de confusão pode ser definida livremente como uma tabela que descreve o desempenho de um modelo de classificação em um conjunto de dados de teste para os quais os valores verdadeiros são conhecidos.

In [30]:

```
cm=confusion_matrix(y_test,y_pred)
```

In [31]:

```
confusion_matrix_lda = pandas.DataFrame(cm, index = ['Negativos','Positivos'], columns = ['Previsão dos negativos','Previsão dos positivos'] )
confusion_matrix_lda['Total'] = 1
confusion_matrix_lda['Total'][0] = cm[0][0] + cm[0][1]
confusion_matrix_lda['Total'][1] = cm[1][0] + cm[1][1]
```

In [32]:

```
confusion_matrix_lda
```

Out[32]:

	Previsão dos negativos	Previsão dos positivos	Total
Negativos	477	17	494
Positivos	32	425	457

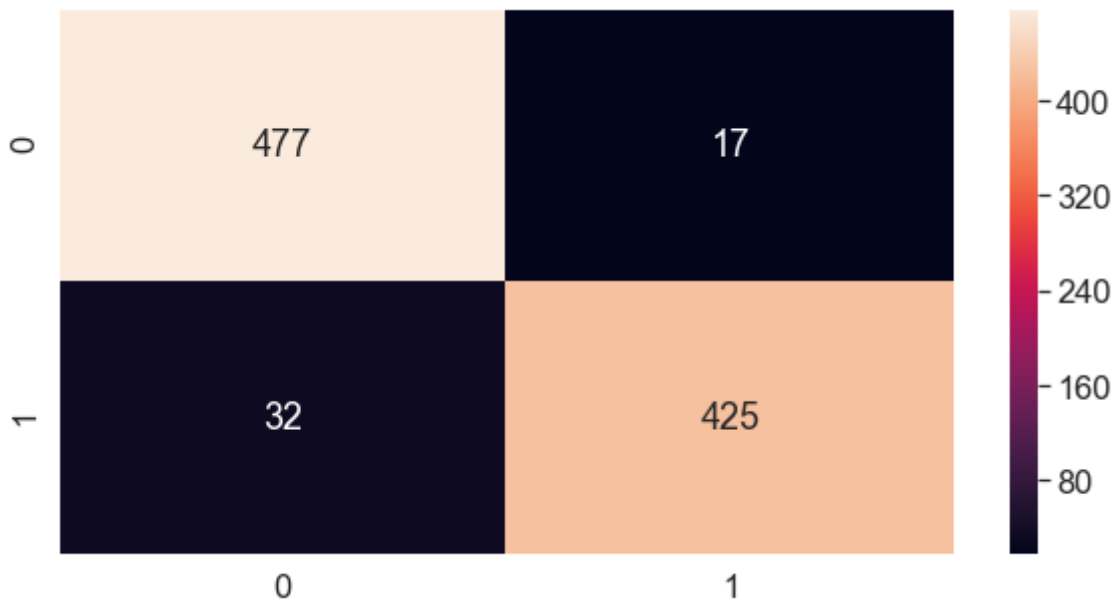
In [33]:

```
print(confusion_matrix_lda)
```

	Previsão dos negativos	Previsão dos positivos	Total
Negativos	477	17	494
Positivos	32	425	457

In [34]:

```
#Plot the confusion matrix
plt.rcParams['figure.figsize'] = (10,5)
sb.set(font_scale=1.5)
sb.heatmap(cm, annot=True, fmt='g')
plt.show()
```



True Positives:TP

Este valor indica a quantidade de registros que foram classificados como positivos corretamente, ou seja, a resposta do classificador foi que o comentário era positivo e o comentário realmente era positivo.

In [35]:

```
TP = confusion_matrix_lda['Previsão dos positivos'][1]
dfTP = pandas.DataFrame(TP, index = ['Negativos verdadeiros'], columns = ['Quantidade a certos'] )
```

In [36]:

```
dfTP
```

Out[36]:

	Quantidade acertos
Negativos verdadeiros	425

In [37]:

```
print(dfTP)
```

	Quantidade acertos
Negativos verdadeiros	425

True Negatives:TN

Este valor indica a quantidade de registros que foram classificados como negativos de maneira correta, ou seja, a resposta do classificador foi que o comentário era negativo e o comentário realmente era negativo.

In [38]:

```
TN = confusion_matrix_lda['Previsão dos negativos'][0]
dfTN = pandas.DataFrame(TN, index = ['Falso Negativo'], columns = ['Quantidade acertos'] )
```

In [39]:

```
dfTN
```

Out[39]:

	Quantidade acertos
Falso Negativo	477

In [40]:

```
print(dfTN)
```

	Quantidade acertos
Falso Negativo	477

Falso Positivos - False Positives:FP

Este valor indica a quantidade de registros que foram classificados como comentários positivos de maneira incorreta, ou seja, a resposta do classificador foi que o comentário era positivo, mas o comentário era negativo.

In [41]:

```
FP = confusion_matrix_lda['Previsão dos positivos'][0]
dfFP = pandas.DataFrame(FP, index = ['Falso Positivo'], columns = ['Quantidade acertos'] )
```

In [42]:

dfFP

Out[42]:

	Quantidade acertos
Falso Positivo	17

In [43]:

print(dfFP)

	Quantidade acertos
Falso Positivo	17

False Negatives:FN

Este valor indica a quantidade de registros que foram classificados como comentários negativos de maneira incorreta, ou seja, a resposta do classificador foi que o comentário era negativo, mas o comentário era positivo.

In [44]:

```
FN = confusion_matrix_lda['Previsão dos negativos'][1]
dfFN = pandas.DataFrame(FN, index = ['Negativos verdadeiros'], columns = ['Quantidade a certos'] )
```

In [45]:

dfFN

Out[45]:

	Quantidade acertos
Negativos verdadeiros	32

In [46]:

print(dfFN)

	Quantidade acertos
Negativos verdadeiros	32

Especificidade (Specificity)

Especificidade é a proporção de previsões negativas corretas para o total não de previsões negativas. Isso determina o grau de especificidade do classificador na previsão de instâncias positivas.

Specificity = (Numero de previsões negativas correta) / (Total do Numero Negativas prevista)

$TN = / TN + FP$

In [47]:

```
Specificity = TN / float(TN + FP)
dfSpecificity = pandas.DataFrame(Specificity, index = ['Specificity'], columns = ['resultado'] )
```

In [48]:

```
dfSpecificity
```

Out[48]:

	resultado
Specificity	0.965587

In [49]:

```
print(dfSpecificity)
```

	resultado
Specificity	0.965587

Precisão Geral (Accuracy)

A precisão da classificação é a proporção de previsões corretas para o total não de previsões.

Accuracy = (numero de predições corretas / numero de predições)

$$Accuracy = \frac{TP + TN}{TP + TN + FP + FN}$$

In [50]:

```
#três maneiras de fazer o calculo
print((TP + TN) / float(TP + TN + FP + FN))
print(accuracy_score(y_test, y_pred))
print("Accuracy ", classifier.score(X_test, y_test)*100)
Accuracy= classifier.score(X_test, y_test)
```

0.9484752891692955

0.9484752891692955

Accuracy 94.84752891692955

In [51]:

```
dfAccuracy = pandas.DataFrame(Accuracy, index = ['Accuracy'], columns = ['resultado'] )
dfAccuracy
```

Out[51]:

	resultado
Accuracy	0.948475

In [52]:

```
print(dfAccuracy)
```

	resultado
Accuracy	0.948475

Sensibilidade ou recordação Recall

Sensibilidade ou recordação é a razão de previsões positivas corretas para o total não de previsões positivas, ou, mais simplesmente, quão sensível o classificador é para detectar instâncias positivas. Isso também é chamado de True Positive Rate

Recall = (Numero de positivas previstas corretamente) / (total de Predições positivas)

$$Recall = \frac{TP}{TP + FN}$$

In [53]:

```
print(TP / float(TP + FN))
print(recall_score(y_test, y_pred))
Recall= recall_score(y_test, y_pred)
```

```
0.9299781181619255
0.9299781181619255
```

In [54]:

```
dfRecall = pandas.DataFrame(Recall, index = ['Sensibilidade-Recall'], columns = ['resultado'] )
dfRecall
```

Out[54]:

	resultado
Sensibilidade-Recall	0.929978

In [55]:

```
print(dfRecall)
```

	resultado
Sensibilidade-Recall	0.929978

Taxa positiva falsa (False Positive Rate)

A *false positive rate*, é a proporção de previsões negativas que foram determinadas como positivas para o número total de previsões negativas ou quando o valor real é negativo, com que frequência a previsão é incorreta.

FalsePositveRate = Números de falsos positivos / Total de predições negativas

$$FalsePositveRate = \frac{FP}{TN + FP}$$

In [56]:

```
print(FP / float(TN + FP))
FalsePositveRate = FP / float(TN + FP)
```

```
0.03441295546558704
```

In [57]:

```
dfFalsePositveRate = pandas.DataFrame(FalsePositveRate, index = ['Taxa de Falso Positiv
o'], columns = ['resultado'] )
dfFalsePositveRate
```

Out[57]:

	resultado
Taxa de Falso Positivo	0.034413

In [58]:

```
print(dfFalsePositveRate)
```

	resultado
Taxa de Falso Positivo	0.034413

Precisão (Precision)

A precisão é a proporção de previsões corretas para o total de não previsões preditas corretas. Isso mede a precisão do classificador ao prever instâncias positivas.

Precision = Número de positivas verdadeiras / Numero total de predicados positivos

$$Precision = \frac{TP}{TP + FP}$$

In [59]:

```
print(TP / float(TP + FP))
print(precision_score(y_test, y_pred))
Precision = precision_score(y_test, y_pred)
```

0.9615384615384616

0.9615384615384616

In [60]:

```
dfPrecision = pandas.DataFrame(Precision, index = ['Precisão'], columns = ['resultado'])
dfPrecision
```

Out[60]:

	resultado
Precisão	0.961538

In [61]:

```
print(dfPrecision)
```

	resultado
Precisão	0.961538

F1 Score

O F1 Score é uma média harmônica entre precisão (que, apesar de ter o mesmo nome, não é a mesma citada acima) e recall. Veja abaixo as definições destes dois termos.

Ela é muito boa quando você possui um dataset com classes desproporcionais, e o seu modelo não emite probabilidades. Em geral, quanto maior o F1 score, melhor.

$$F1Score = \frac{2 \times Precisão \times Recall}{Precisão + Recall}$$

In [62]:

```
F1Score = 2 * Precision * Recall / Precision + Recall
```

In [63]:

```
print(F1Score)
```

2.7899343544857764

In [64]:

```
dfF1Score = pandas.DataFrame(F1Score, index = ['F1 Score'], columns = ['resultado'] )
dfF1Score
```

Out[64]:

	resultado
F1 Score	2.789934

In [65]:

```
print(dfF1Score)
```

	resultado
F1 Score	2.789934

Curva ROC

Uma curva ROC é uma forma comumente usada para visualizar o desempenho de um classificador binário, significando um classificador com duas classes de saída possíveis. A curva plota a Taxa Positiva Real (Recall) contra a Taxa Falsa Positiva (também interpretada como Especificidade 1).

In [66]:

```
def plot_roc_curve(fpr, tpr):
    plt.plot(fpr, tpr, color='red', label='ROC')
    plt.plot([0, 1], [0, 1], color='darkblue', linestyle='--')
    plt.xlabel('Taxa de falsos positivos')
    plt.ylabel('Taxa de verdadeiros positivos')
    plt.title('Curva ROC:Receiver Operating Characteristic (ROC) Curve')
    plt.legend()
    plt.show()
```

Calcula a propabilidade de previsão.

In [67]:

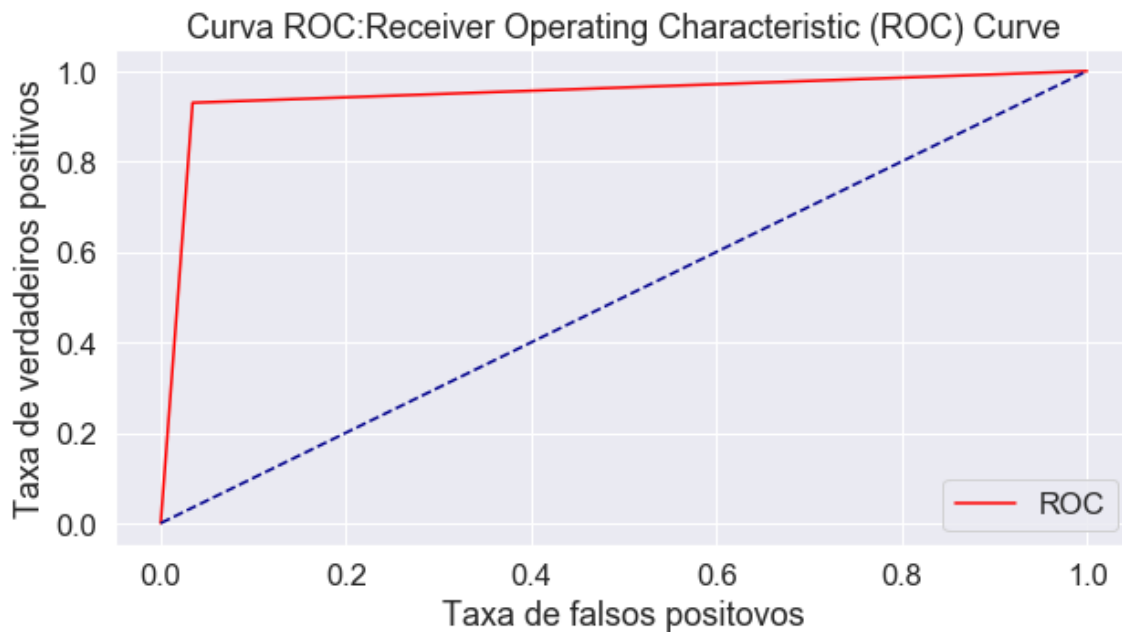
```
y_pred_prob = classifier.predict_proba(X_test)[: , 1]
```

In [68]:

```
fpr, tpr, thresholds = roc_curve(y_test, y_pred_prob)
```

In [69]:

```
plot_roc_curve(fpr, tpr)
```



AUC (área sob a curva) da Curva ROC

AUC ou Area Under the Curve é a porcentagem do gráfico do ROC que está abaixo da curva. AUC é útil como um único número de resumo do desempenho do classificador.

In [70]:

```
print(roc_auc_score(y_test, y_pred_prob))  
Auc=roc_auc_score(y_test, y_pred_prob)
```

0.9477825813481693

In [71]:

```
dfAuc = pandas.DataFrame(Auc, index = ['AUC'], columns = ['resultado'] )  
dfAuc
```

Out[71]:

	resultado
AUC	0.947783

In [72]:

```
print(dfAuc)
```

```
resultado  
AUC      0.947783
```

Histograma das Probabilidades da Previsão.

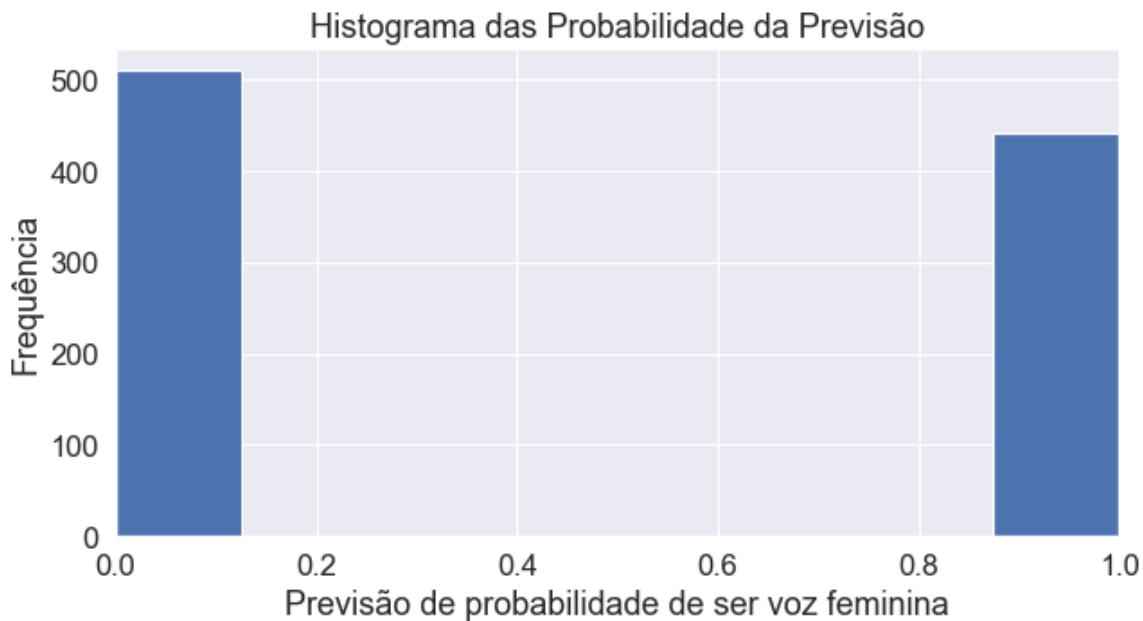
Após o treinamento, o modelo expõe um atributo chamado `predict_prob`, que retorna a probabilidade de os dados do teste estarem em uma determinada classe de resposta. A partir disso, obteremos as probabilidades de prever um resultado para determinar o gênero pela voz.

In [73]:

```
plt.hist(y_pred_prob, bins=8, linewidth=1.2)  
plt.xlim(0, 1)  
plt.title('Histograma das Probabilidade da Previsão')  
plt.xlabel('Previsão de probabilidade de ser voz feminina')  
plt.ylabel('Frequência')
```

Out[73]:

```
Text(0, 0.5, 'Frequência')
```



Precisão Geral (Accuracy_cross) por validação cruzada.

Precisão do modelo sobre técnica de Validação cruzada média dos resultados.

In [74]:

accuracy_cross

Out[74]:

0.9504935912745802

In [75]:

```
dfaccuracy_cross = pandas.DataFrame(accuracy_cross, index = ['Acurácia por validação cruzada'], columns = ['resultado'] )
dfaccuracy_cross
```

Out[75]:

	resultado
Acurácia por validação cruzada	0.950494

In [76]:

print(dfaccuracy_cross)

	resultado
Acurácia por validação cruzada	0.950494

Taxa entre as Accuracy e Accuracy_cross.

Taxa Perda de acurácia da validação cruzada em relação acurácia.

$$RateLossAAC = \frac{Accuracy - Accuracy_{cross}}{Accuracy \times AccuracyCross} \times 100$$

In [77]:

```
print((Accuracy - accuracy_cross)/ Accuracy * accuracy_cross * 100)
RateLossAAC = (Accuracy - accuracy_cross)/ Accuracy * accuracy_cross * 100
```

-0.20225969387239717

In [78]:

```
dfRateLossAAC = pandas.DataFrame(RateLossAAC, index = ['Taxas perdas em acurácia e acurácia por validação cruzada'], columns = ['resultado'] )
dfRateLossAAC
```

Out[78]:

	resultado
Taxas perdas em acurácia e acurácia por validação cruzada	-0.20226

In [79]:

```
print(dfRateLossAAC)
```

resultado

Taxas perdas em acurácia e acurácia por validaç... -0.20226

In []:

In [80]:

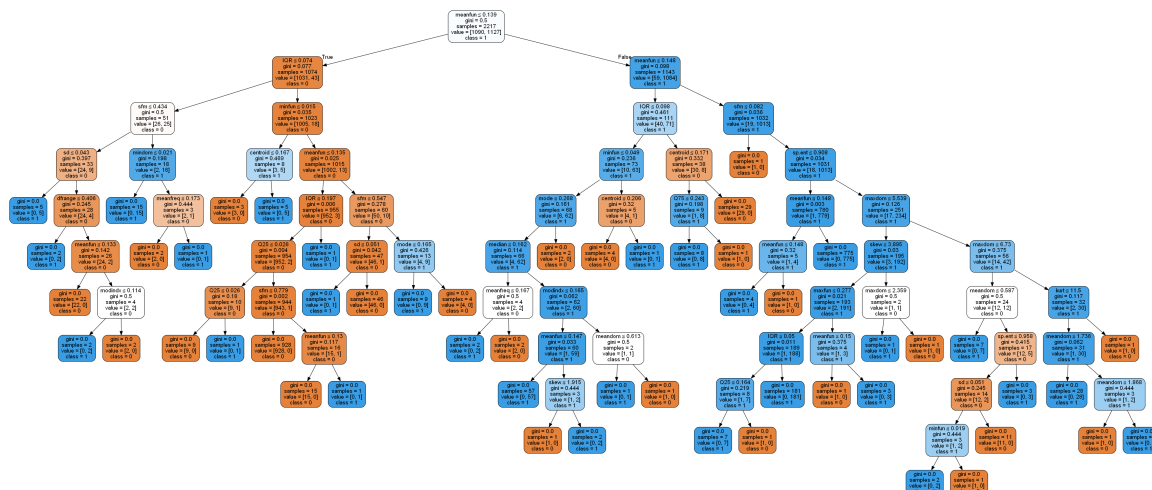
```
from sklearn.tree import export_graphviz
from sklearn.externals.six import StringIO
from IPython.display import Image
import pydotplus

dot_data = StringIO()
export_graphviz(classifier, out_file=dot_data,
                filled=True, rounded=True,
                special_characters=True, feature_names = feature_cols, class_names=['0',
'1'])
graph = pydotplus.graph_from_dot_data(dot_data.getvalue())
graph.write_png('vozes.png')
Image(graph.create_png())
```

c:\users\jorge\appdata\local\programs\python\python37-32\lib\site-packages\sklearn\externals\six.py:31: DeprecationWarning: The module is deprecated in version 0.21 and will be removed in version 0.23 since we've dropped support for Python 2.7. Please rely on the official version of six (<https://pypi.org/project/six/>).

("https://pypi.org/project/six/").", DeprecationWarning)

Out[80]:



Entropia como critério.

A entropia caracteriza a (im)pureza dos dados: em um conjunto de dados, é uma medida da falta de homogeneidade dos dados de entrada em relação a sua classificação.

19) Divisão de 30% teste e 70% para o treino.

In [81]:

```
dictabela = {}
dictabela['Registros para treino'] = X_train.shape[0]
dictabela['Registros para teste'] = X_test.shape[0]
```

In [82]:

```
dftreinoteste = pandas.DataFrame.from_dict(dictabela, orient="index").reset_index()
```

In [83]:

```
dftreinoteste = dftreinoteste.rename(columns={'index': 'divisão do dados'})
dftreinoteste = dftreinoteste.rename(columns={0: 'total'})
dftreinoteste
```

Out[83]:

	divisão do dados	total
0	Registros para treino	2217
1	Registros para teste	951

In [84]:

```
print(X_train_norm.shape , X_test_norm.shape)
```

```
(2217, 20) (951, 20)
```

21) Declarando o Modelo de Árvore de Classificação e Regressão com critério de entropy.

In [85]:

```
# Create Decision Tree classifier object
Rclassifier = DecisionTreeClassifier(criterion="entropy", max_depth=3)
```

22) Declarando o modelo para Validação cruzada.

In [86]:

```
# Create Decision Tree classifier object
RclassifierComp = DecisionTreeClassifier(criterion="entropy", max_depth=3)
```

23) Treinando o modelo com critério *entropy*.

Principal dos modelos.

In [87]:

```
Rclassifier.fit(X_train,y_train)
```

Out[87]:

```
DecisionTreeClassifier(class_weight=None, criterion='entropy', max_depth=
3,
                        max_features=None, max_leaf_nodes=None,
                        min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None,
                        min_samples_leaf=1, min_samples_split=2,
                        min_weight_fraction_leaf=0.0, presort=False,
                        random_state=None, splitter='best')
```

In [88]:

```
yr_pred=Rclassifier.predict(X_test)
```

Declarando o modelo para Validação cruzada.

In [89]:

```
Raccuracy_cross = cross_val_score(RclassifierComp, X_entrada,Y_entrada, cv = 10, scorin
g='accuracy').mean()
```

Modelo:Avaliação de métricas.

Matriz de confusão.

In [90]:

```
rcm=confusion_matrix(y_test,yr_pred)
```

In [91]:

```
rconfusion_matrix_lda = pandas.DataFrame(rcm, index = ['Negativos','Positivos'], column
s = ['Previsão dos negativos','Previsão dos positivos'] )
rconfusion_matrix_lda['Total'] = 1
rconfusion_matrix_lda['Total'][0] = rcm[0][0] + rcm[0][1]
rconfusion_matrix_lda['Total'][1] = rcm[1][0] + rcm[1][1]
```

In [92]:

```
rconfusion_matrix_lda
```

Out[92]:

	Previsão dos negativos	Previsão dos positivos	Total
Negativos	484	10	494
Positivos	22	435	457

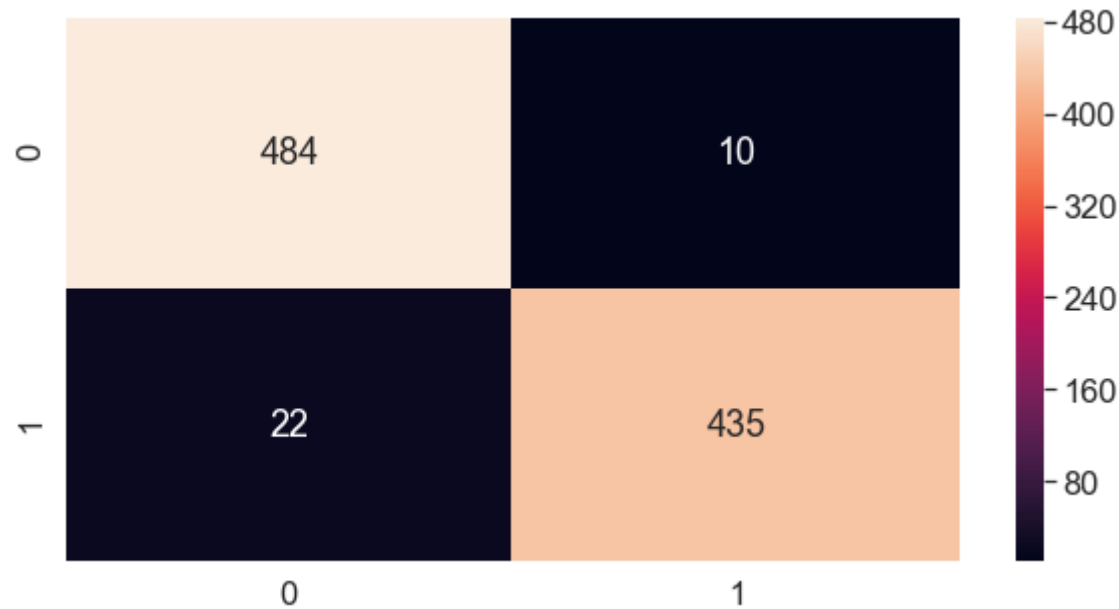
In [93]:

```
print(rconfusion_matrix_lda)
```

	Previsão dos negativos	Previsão dos positivos	Total
Negativos	484	10	494
Positivos	22	435	457

In [94]:

```
#Plot the confusion matrix
plt.rcParams['figure.figsize'] = (10,5)
sb.set(font_scale=1.5)
sb.heatmap(rcm, annot=True, fmt='g')
plt.show()
```



Precisão Geral (Accuracy)

A precisão da classificação é a proporção de previsões corretas para o total não de previsões.

Accuracy = (numero de predições corretas / numero de predições)

$$Accuracy = \frac{TP + TN}{TP + TN + FP + FN}$$

In [95]:

```
RAccuracy= Rclassifier.score(X_test, y_test)
```

In [96]:

```
dfRAccuracy = pandas.DataFrame(RAccuracy, index = ['Accuracy'], columns = ['resultado'])
dfRAccuracy
```

Out[96]:

	resultado
Accuracy	0.966351

In [97]:

```
print(dfRAccuracy)
```

	resultado
Accuracy	0.966351

Curva ROC

In [98]:

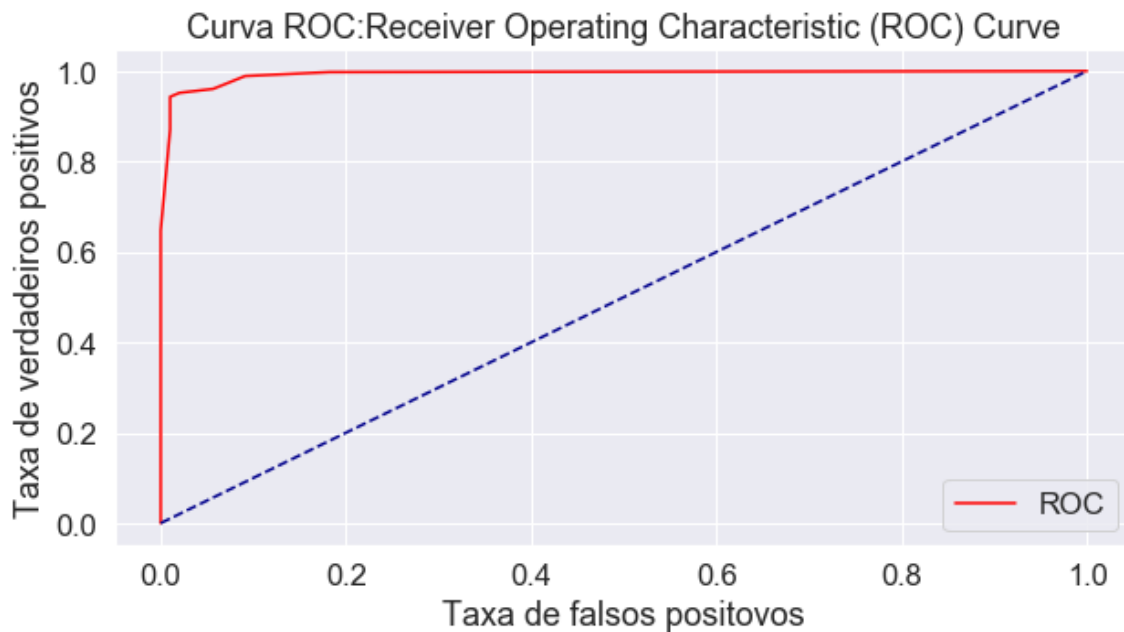
```
yr_pred_prob = Rclassifier.predict_proba(X_test)[: , 1]
```

In [99]:

```
rfpr, rtp, rthresholds = roc_curve(y_test, yr_pred_prob)
```

In [100]:

```
plot_roc_curve(rfpr, rtpr)
```



AUC (área sob a curva) da Curva ROC.

In [101]:

```
print(roc_auc_score(y_test, yr_pred_prob))
rAuc=roc_auc_score(y_test, yr_pred_prob)
```

0.9930788720665491

In [102]:

```
dfrAuc = pandas.DataFrame(rAuc, index = ['AUC'], columns = ['resultado' ])
dfrAuc
```

Out[102]:

	resultado
AUC	0.993079

In [103]:

```
print(dfrAuc)
```

```
      resultado
AUC      0.993079
```

Precisão Geral (Accuracy_cross) por validação cruzada.

Precisão do modelo sobre tecnica de Validação cruzada media dos resultados.

In [104]:

```
print(Raccuracy_cross)
```

```
0.9533197993790303
```

In [105]:

```
dfRaccuracy_cross = pandas.DataFrame(Raccuracy_cross, index = ['Acurácia por validação
      cruzada'], columns = ['resultado'] )
dfRaccuracy_cross
```

Out[105]:

	resultado
Acurácia por validação cruzada	0.95332

In [106]:

```
print(dfRaccuracy_cross)
```

	resultado
Acurácia por validação cruzada	0.95332

Taxa entre as Accuracy e Accuracy_cross.

Taxa Perda de acurácia da validação cruzada em relação acurácia.

$$RateLossAAC = \frac{Accuracy - Accuracy_{cross}}{Accuracy \times Accuracy_{Cross}} \times 100$$

In [107]:

```
print((RAccuracy - Raccuracy_cross)/ RAccuracy * Raccuracy_cross * 100)
RRateLossAAC = (RAccuracy - Raccuracy_cross)/ RAccuracy * Raccuracy_cross * 100
```

```
1.285567910312283
```

In [108]:

```
dfRRateLossAAC = pandas.DataFrame(RRateLossAAC, index = ['Taxas perdas em acurácia e acurácia por validação cruzada'], columns = ['resultado'])
dfRRateLossAAC
```

Out[108]:

	resultado
Taxas perdas em acurácia e acurácia por validação cruzada	1.285568

In [109]:

```
print(dfRRateLossAAC)
```

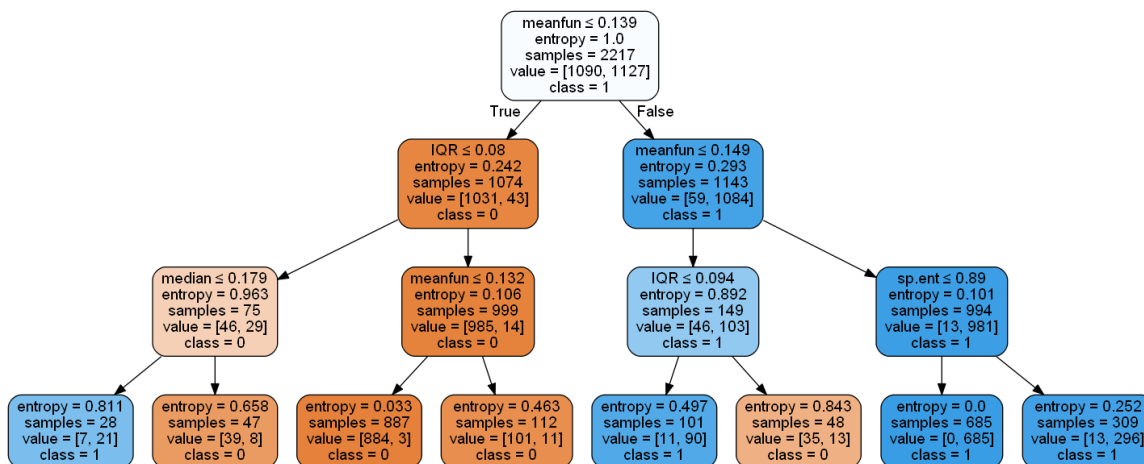
	resultado
Taxas perdas em acurácia e acurácia por validaç...	1.285568

In []:

In [110]:

```
from sklearn.externals.six import StringIO
from IPython.display import Image
from sklearn.tree import export_graphviz
import pydotplus
dot_data = StringIO()
export_graphviz(Rclassifier, out_file=dot_data,
                filled=True, rounded=True,
                special_characters=True, feature_names = feature_cols, class_names=['0',
'1'])
graph = pydotplus.graph_from_dot_data(dot_data.getvalue())
graph.write_png('vozes2x.png')
Image(graph.create_png())
```

Out[110]:



Gráficos comparativos.

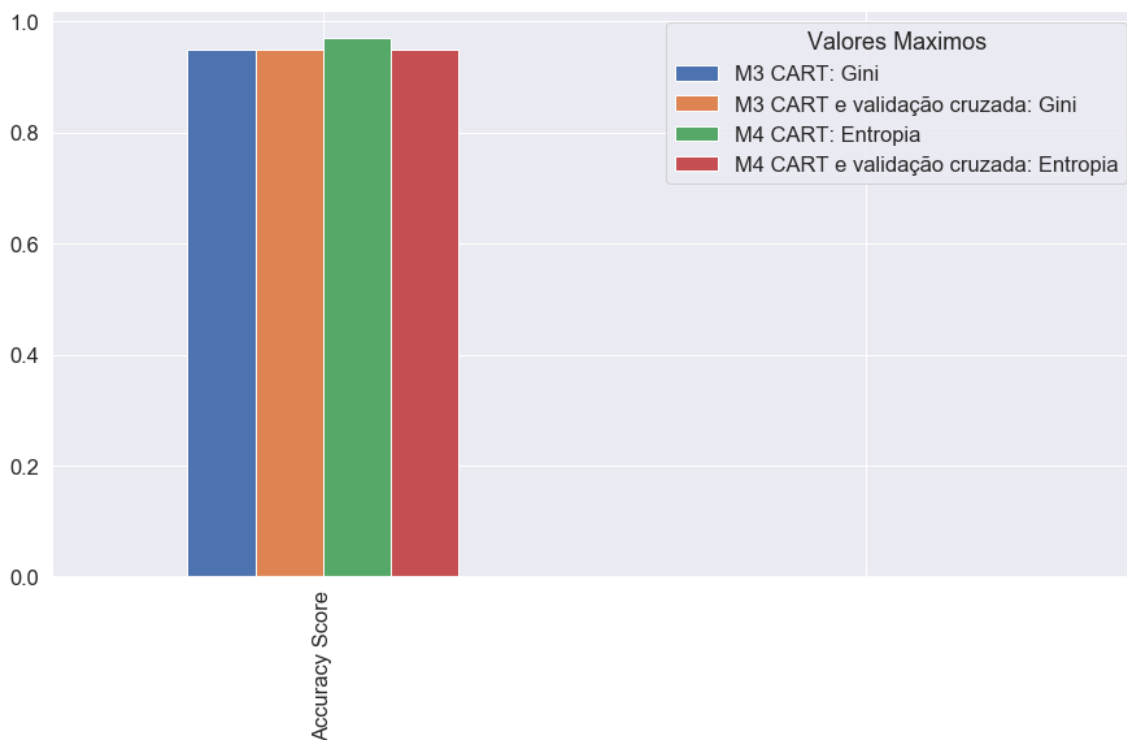
Acurácia entre modelos de Árvore de Classificação e Regressão co, todos dados, treinado por validação cruzada, treinado com redução de dimensionabilidade.

In [111]:

```
df = pandas.DataFrame([Accuracy,accuracy_cross,RAccuracy,Raccuracy_cross],[]),
                        index=['Accuracy Score',''],
                        columns=pandas.Index(['M3 CART: Gini','M3 CART e validação cruzada: Gini',
                        'M4 CART: Entropia','M4 CART e validação cruzada: Entropia'],
                        name='Valores Maximos')).round(2)
df.plot(kind='bar',figsize=(15,8))
```

Out[111]:

<matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x151d7770>



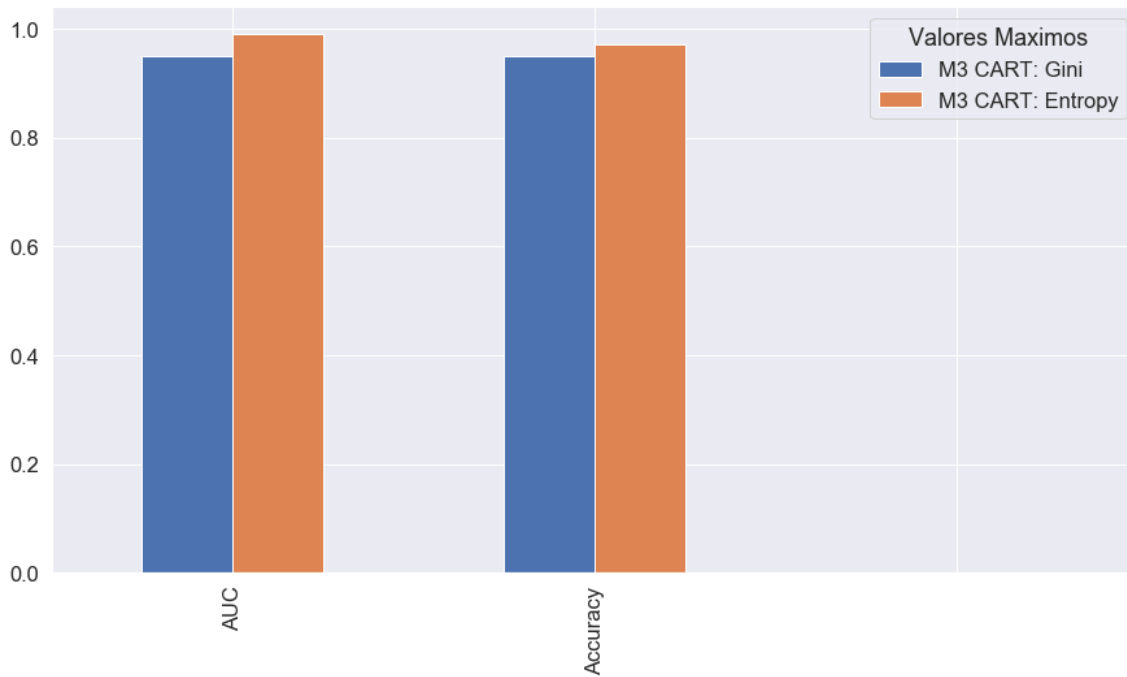
Acurácia e área da curva da ROC entre modelos de regressão logística e regressão logística com redução de dimensionabilidade.

In [112]:

```
df = pandas.DataFrame([Auc,rAuc],[Accuracy,RAccuracy],[ ]),  
                      index=[ 'AUC', 'Accuracy', '' ],  
                      columns=pandas.Index([ 'M3 CART: Gini', 'M3 CART: Entropy' ],  
                      name= 'Valores Maximos' ).round(2)  
df.plot(kind='bar',figsize=(15,8))
```

Out[112]:

<matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x151b3dd0>



Fim da avaliação do modelo.

In []:

In []: