

Holzstraße 1, 44869 Bochum, Deutschland

🛮 (+49) 1522 1529 541 | 💌 jonas@falcken.de | 😭 joe-nas.github.io | 🖸 joe-nas | 🛅 joe-nas

Fähigkeiten.

Programmiersprachen Java, C#, GO, Python, javascript, R, SQL, BASH, LaTeX

> Entwicklung Git, GitHub Actions, Docker, Docker compose, Maven, Testcontainers, testing, OOP

Back-end Spring, Next.js, Django, REST API

Front-end React, Next. is, Angular, BubbleTea, HTML, tailwind

Betriebssysteme Linux (server), Windows, macOS

> Sprachen Deutsch (Muttersprache), Englisch (fließend), Niederländisch (fließend)

Software

Conway's Bubbletea github

2025

• Conway's game of life implementierung in Go unter Zuhilfenahme der (TUI) BubbleTea library

Features: Cursor, Autorun, manueller Generationswechsel, 2 verschiedene Spielfeldansichten (Normal, Stats)

Go TUI BubbleTea

joe-nas.github.io github

JONAS FALCK 2024

· Meine persönliche nicht immer 100% aktuelle Github Pages Seite.

javascript React

Iron Delirium - Workout-Tracker

Backend@github,Frontend@github

JONAS FALCK 2023 - fortfahrend

· Iron Delirium ist mein aktuelles Lern-projekt, ein Workout-Tracker, der es Nutzern ermöglicht, ihre Workouts und Fortschritte zu tracken. Nutzer können ein Konto erstellen, sich anmelden/abmelden sowie Workouts erstellen. Diese können bearbeitet und gelöscht werden. Iron Delirium™ ist mit Spring Boot/Security und MongoDB im Backend sowie Next.js/React und Tailwind im Frontend gebaut. Tests sind mit mit Hilfe JUnit, Mockito sowie Testcontainers geschrieben.

Java Spring Boot Spring Security JWT Testing Testcontainers javascript Next.js React MongoDB

haploplotR - Visualisierung des Kopplungsungleichgewichts mithilfe von 1000-Genomes-Daten

haploplotR@github

IONAS FAICK

 HaploplotR - Tool zur Visualisierung des Kopplungsungleichgewichts in menschlichen Populationen basierend auf 1000-Genomes-Daten. Erstellt LD-Plots zur Darstellung von Allelkorrelationen, die Forschenden helfen, relevante Genomregionen für zum Beispiel Krankheiten zu identifizieren.

R GGPLOT grid Visualisierung

Praktika und Arbeitserfahrungen

Quantore Beuningen, Niederlande

MITARBEITER IN DER LOGISTIK

- · Kommissionierkontrolle Überpruefung von Tausenden Bestellungen pro Tag mit Hilfe von Lagerverwaltungssoftware
- Einarbeitung von neuen Mitarbeitern in Prozesse insbesondere der Kommissionierkontrolle
- · Kommissionierung

Teamwork KNAPP KiSoft

Center for Molecular and Biomolecular Informatics CMBI

Nimwegen, Niederlande

2018 - 2023

2016

· Transformation eines explorativen Forschungsprojekts in ein hypothesengetriebenes Projekt, das zu einer Publikation führte.

- Nutzung von Multi-Omics-Datensätzen zur Hypothesengenerierung und -testung.
- Anwendung von maschinellen Lernverfahren (PCA, HCA) und Visualisierungstechniken zur Datenexploration.

R GGPLOT BASH Datenintegration Datenanalyse Visualisierung LaTeX

November 2015 - 2016

- In-silico-Vorhersage und Validierung von Transkriptionsfaktor-Bindungsstellen mittels integrativer Multi-Omics-Analyse.
- Entwicklung einer Pipeline zur Integration öffentlicher und hausinterner Omics-Daten (haplotplotR).
- Kommunikation bioinformatischer Methoden für Forscher ohne bioinformatische Expertise.

GGPLOT Datenintegration Datenanalyse Visualisierung Office

Veröffentlichungen und Berichte

CTCF-mediated chromatin loops enclose inducible gene regulatory domains (2016)

MARTIN OTI, JONAS FALCK, MARTIJN A. HUYNEN, HUIQING ZHOU

Verfügbar hier: BMC Genomics

CTCF-motif directionality controls CTCT-mediated chromatin interactions and correlates with topological domain structure (2016)

Master Praktikum

BMC Genomics

JONAS FALCK

Verfügbar hier: Google Drive

Identification and ranking of p63 binding sites putatively involved in the etiology of non-syndromic cleft lip with or without cleft palate (2015)

Master Praktikum

JONAS FALCK Verfügbar hier: Google Drive

Werdegang.

Umschulung zum Fachinformatiker der Anwendungsentwicklung

Bochum, Deutschland Mar. 2025 - Jan. 2027

· Studienschwerpunkte: Python, C#, Django, Angular, SQL

• Eigeninitiative: Vertiefung in das Java Spring Framework, insbesondere mit WebSockets, sowie Erlernen der Programmiersprache Go

Selbststudium und Weiterbildung - Angestrebter Quereinstieg in die IT

Bochum, Deutschland Nijmegen, Niederlande

PRIVAT 2023 - 2024

Intensive Auseinandersetzung mit Java, Spring, Javascript, React

- Entwicklung eines Workout Managers, siehe Software
- Abschluss mehrerer Udemy-Kurse zu Java Spring Boot, React und moderner Webentwicklung

Logistik Beuningen, Niederlande

QUANTORE B.V.

• Mitarbeit in der Kommissionierung und Kommissionierkontrolle

M.S. in medizinischer Epigenomik Biologie

Nimwegen, Niederlande

2015 - Studienabbruch

• Erlernen von Omics Methoden - Methoden mit denen man den Zustand ganzer Molekülgruppen in einer Zelle betrachtet.

- Selbstständige Aneignung bioinformatischer Kenntnisse, insbesondere mit R/biomaRt zur analyse von Omics Datensätzen.

• Erlernen von Techniken aus dem Bereich des Maschinellen Lernens und Data Science.

Nimwegen, Niederlande

RADBOUD UNIVERSTTÄT 2011 - 2015

- · Weckte Interesse an Bioinformatik und Datenanalyse
- Eigeninitiative: Umgang mit und Administration von Linux-Servern
- Erste Erfahrungen in der Entwicklung dynamischer Webseiten mit Python, Django, nginx und SQL

Online Kurse_

B.S. in medizinischer Biologie

RADBOUD UNIVERSTTÄT

- TypeScript Design Patterns And SOLID Principles, Udemy, Online 2024
- 2024 Become an expert at SQL!, Udemy, Online
- 2023 Testing Spring Boot App with JUnit, Mockito & Testcontainers, Udemy, Online
- 2023 Master Spring Boot 3 & Spring Framework 6 with Java, Udemy, Online
- 2023 Java 17 Masterclass: Start Coding in 2023, Udemy, Online
- 2023 Node.js, Express, MongoDB & More, Udemy, Online
- 2023 The Complete JavaScript Course 2023: From Zero to Expert!, Udemy, Online

APRIL 28, 2025 JONAS FALCK · CURRICULUM VITAE

2018-2023