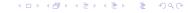
Étude du modèle SEAIR dans le cadre d'une épidémie à plusieurs vagues et à plusieurs variants.

Joris ROUSERE 15890

- 1 Présentation
 - Objectifs
 - Modèle
- 2 Résolution
 - Méthode de résolution
 - Conditions initiales
 - Modélisation de la situation actuelle
 - Variables
- 3 Résultats
 - Courbe d'infection
 - Courbe de décès
- 4 Nouvelle résolution avec de nouvelles constantes
 - Nouvelles hypothèses
 - Nouveaux résultats
 - Vague Omicron
- 5 Conclusion
 - Validité du modèle



Objectifs

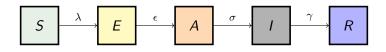
Appliquer le modèle SEAIR

- Comparer le modèle aux résultats expérimentaux sur :
 - 1 La présence des différentes vagues
 - 2 Les instants des différents pics épidémiologiques
 - 3 L'amplitude de ces pics

Présentation

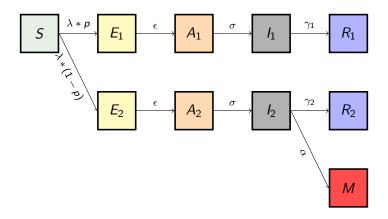
<u>└</u> Modèle

Présentation du modèle



Présentation
Modèle

Présentation du modèle



Hypothèses

- Restriction à 7000 Personnes (Petite ville)
- Population uniforme
- Aucune naissance / Aucun décès hors COVID-19

Équations différentielles

Système d'équations différentielles

$$\begin{array}{ll} \frac{dS}{dt} = -\lambda S + r(R_1 + R_2) & \frac{dM}{dt} = \alpha I_2 \\ \frac{dE_1}{dt} = p\lambda S - \epsilon E_1 & \frac{dE_2}{dt} = (1 - p)\lambda S - \epsilon E_2 \\ \frac{dA_1}{dt} = \epsilon E_1 - \sigma A_1 & \frac{dA_2}{dt} = \epsilon E_2 - \sigma A_2 \\ \frac{dI_1}{dt} = \sigma A_1 - \gamma_1 I_1 & \frac{dI_2}{dt} = \sigma A_2 - (\gamma_2 + \alpha) I_2 \\ \frac{dR_1}{dt} = \gamma_1 I_1 - rR_1 & \frac{dR_2}{dt} = \gamma_2 I_2 - rR_2 \end{array}$$

Système non linéaire :

$$\lambda = \lambda(A_1, I_1, A_2, I_2)$$

```
Résolution
```

Méthode de résolution

Méthode d'Euler

```
def day(t, epsilon, sigma, gamma1, gamma2, alpha,
       S, E1, A1, I1, R1, M, E2, A2, I2, R2, b, retour =1/180, S0=S0base ):
   cstes = constante(t, A1, I1, A2, I2, gamma1, sigma, alpha, gamma2)
   l=cstes[1]
   p=cstes[2]
   R1 += I1*gamma1
   I1 -= I1*gamma1
   I1 += sigma*A1
   A1 -= A1*sigma
   A1 += E1*epsilon
   E1 -= E1*epsilon
   E1 += S*1*p
   M += I2*alpha
   R2 += I2*gamma2
   I2 -= I2*alpha
   I2 -= I2*gamma2
   I2 += sigma*A2
   A2 -= A2*sigma
   A2 += E2*epsilon
   E2 -= E2*epsilon
   E2 += S*1*(1-p)
   S -= S*1
   S+=R1*retour
   S+=R2*retour
   R1-=R1*retour
   R2-=R2*retour
   return(S,E1,A1,I1,R1,M,E2,A2,I2,R2)
```

Conditions initiales

$$S = 6999$$

$$E_1 = 0$$

$$A_1 = 0$$

$$I_1 = 1$$

$$R_1 = 0$$

$$M = 0$$

■
$$E_2 = 0$$

■
$$A_2 = 0$$

$$I_2 = 0$$

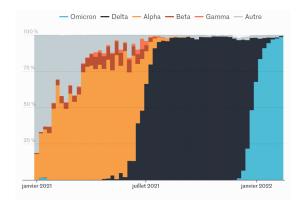
$$R_2 = 0$$

Étude du modèle SEAIR dans le cadre d'une épidémie à plusieurs vagues et à plusieurs variants.

Résolution

└ Modélisation de la situation actuelle

Variants



Année 2020 : Variant initial

Janvier 2021 - Mai 2021 : Variant Alpha

Juin 2021 - Novembre 2021 : Variant Delta

A partir de Décembre 2021 : Variant Omicron

source : lemonde.fr

Résolution

└ Modélisation de la situation actuelle

Variants

Quatre variants : quatre R_0

- Février 2020 Décembre 2020: $R_0 = 2.8$ (journaldesfemmes.fr)
- Janvier 2021 Mai 2021 : $R_0 = 4.5$ (journaldesfemmes.fr)
- Juin 2021 Novembre 2021 : $R_0 = 6.6$ (journaldesfemmes.fr)
- A partir de Décembre 2022 : $R_0 = 12$ (theconversation.com)

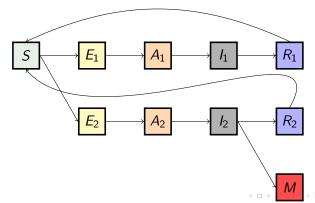
Résolution

Modélisation de la situation actuelle

Boucle de retour

Boucle de retour

 \bullet On définit $r = 180^{-1}$





Politique de contrôle

Des confinements et couvres feux



Confinements:

c=0.84 (20minutes.fr)

Couvres feux :

c=0.35 (radiofrance.fr)

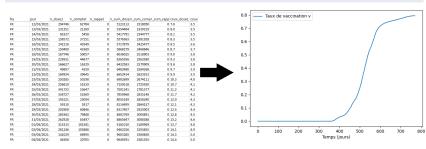
Résolution

└ Modélisation de la situation actuelle

Vaccination

Hypothèses

- On ne tient pas compte des différents rappels
- La vaccination ne change pas la probabilité d'infection mais immunise des formes graves



Liste des variables

Définies expérimentalement

- $\epsilon = 0.25$ (quebec.ca)
- $ightharpoonup \gamma_1 = 0.1$ (futura-sciences.com)
- $\sigma = 0.5$ (qare.fr)
- a = 0.18125: rapport décès/guérison des cas sévères (medrxiv.org)

- $\alpha = \gamma_1 * a = 0.018125$
- $\gamma_2 = \gamma_1 * (1 a) = 0.081875$

Calcul: Préambule

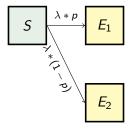
On a modélisé

- \blacksquare R_0
- L'impact de la politique de contrôle : c
- Le taux de vaccination : v

On cherche

- lacksquare β : taux de transmission
- lacksquare λ : taux d'infection
- *p* : taux de formes graves

Détermination : p



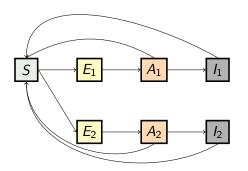
Taux de formes graves sans vaccination : 3.2 % (medrxiv.org)

Rappel: v: taux de vaccination

On obtient : p = 1 - 0.032 * (1 - v)

Détermination : β

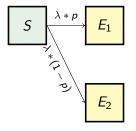
On pose b = 0.2: diminution contagiosité en milieu hospitalier



$$\beta = \frac{\gamma_1 * \sigma * R_0 * (\alpha + \gamma_2)}{S_0 * (\gamma_1 + p * \sigma) * (\alpha + \gamma_2) + b * \gamma_1 * \sigma * (1 - p))}$$

∟ Variables

Détermination : λ



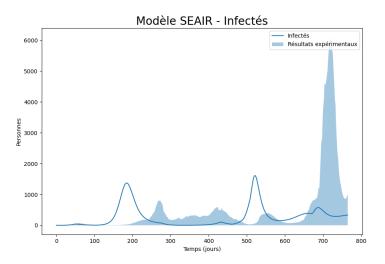
On déduit du graphe précèdent :

$$\lambda = (\beta * (A_1 + I_1 + A_2) + \beta * b * I_2) * (1 - c)$$

Résultats

Courbe d'infection

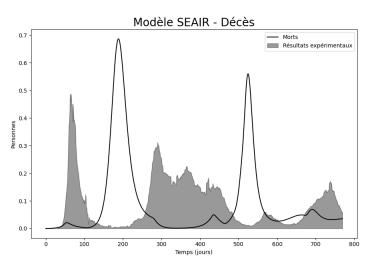
Courbe d'infection



Résultats

Courbe de décès

Courbe de décès



Nouvelles hypothèses

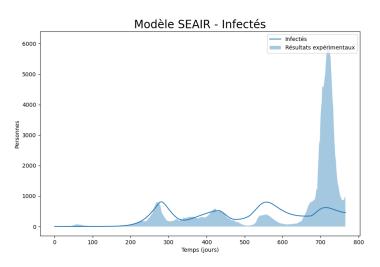
Nouvelles constantes

Nouvelles constantes

Variable	Ancienne valeur	Nouvelle valeur
ϵ	0.25	1/14
σ	0.5	0.2
γ_1	0.1	1/15
γ_2	0.081875	0.055

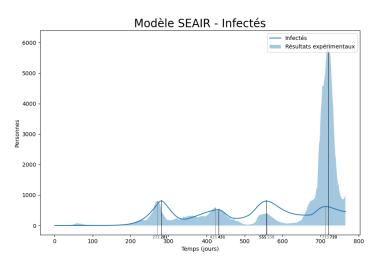
└ Nouveaux résultats

Courbe d'infection



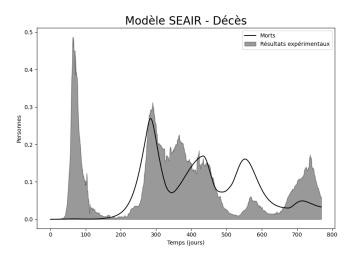
└ Nouveaux résultats

Courbe d'infection



Nouveaux résultats

Courbe de décès



└Vague Omicron

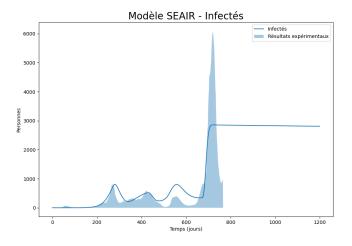
Changement pour modéliser la dernière vague

On fait varier r au cours du temps

- Avant la vague Omicron (décembre 2021) : $r = 180^{-1}$
- Après décembre 2021 : r = 1

└─Vague Omicron

Validité du modèle



└Validité du modèle

Validité du modèle

- En modifiant les constantes : Meilleurs résultats
- Vagues bien retranscrites sauf première et dernière
- Valable uniquement pour certaines tailles de population

Merci de votre attention.

Étude du modèle SEAIR dans le cadre d'une épidémie à plusieurs vagues et à plusieurs variants.

```
__author__ = "Joris ROUSERE"
__title__ = "TIPE"
### TNFORMATTONS ###
import matplotlib.pyplot as plt
import csv
S0hase = 7000
coef = 60
coef2 = 2000
def realite():
    #On ouvre Le fichier et on met son contenu dans data
    test pos =[]
    with open('synthese-fra.csv', newline='') as f:
        reader = csv.reader(f)
        data = list(reader)
    for i in range(2,73):
        nouveau = int(data[i][1]) - int(data[i-1][1])
        test pos.append(nouveau)
    with open('sp-pos-quot-fra-2022-03-14-19h00.csv', newline='') as f:
        reader = csv.reader(f)
        data = list(reader)
    for i in range(1,len(data)-1):
        a = data[i][0].split(';')
        if a[8] == '0':
            test pos.append(int(a[4]))
```

```
movenne = []
   for i in range(len(test_pos)):
       if i <7:
           movenne.append(test pos[i]/coef)
       else :
           moyenne.append((test_pos[i]+test_pos[i-1]+test_pos[i-2]+test_pos[i-3]+test_pos[i-4]+test_pos[i-5]+test_pos[i-6])/7/coef)
   return moyenne
def realitemorts():
   #On ouvre Le fichier et on met son contenu dans data
   #morts hopitaux + ephad
   morts =[]
   with open('synthese-fra.csv', newline='') as f:
       last = 0
       reader = csv.reader(f)
       data = list(reader)
   for i in range(2,744):
       a = last
       b = last
       if data[i][3] != "NaN":
           a=int(data[i][3])
           last = int(data[i][3])
       if data[i-1][3] != "NaN":
           b=int(data[i-1][3])
       nouveau = int(data[i][2]) - int(data[i-1][2]) + int(a) - int(b)
       morts.append(nouveau)
   movenne = []
   t = []
   for i in range(len(morts)):
       t.append(i)
```

```
if i <7:
           movenne.append(morts[i]/coef2)
       else :
           moyenne.append((morts[i]+morts[i-1]+morts[i-2]+morts[i-3]+morts[i-4]+morts[i-5]+morts[i-6])/7/coef2)
   return moyenne
   # return movenne
def realitevaccin():
   #On ouvre Le fichier et on met son contenu dans data
   #on renvoit Le % de vaccinés
   #On connsidere que les Vaccines completement sans dernier rappel
   vax =[]
   with open('vacsi-fra-2022-04-04-19h00.csv', newline='') as f:
       reader = csv.reader(f)
       data = list(reader)
   for i in range(1,443):
       a = data[i][0].split(";")
       vax.append(float(a[9]))
#Ceci permet d'avoir des valeurs nulles pour les instants où la vaccination n'a pas commencé
#et de dupliquer la dernière valeur connue pour ne pas avoir de problèmes de manaue de données
   v = [0 for i in range(330)]
   v2 = [vax[-1] for i in range(330)]
   vax = v + vax + 2*v2
   return vax
```

```
#Calcul de RO(t)
def calculR0(t):
   #On compte à partir du 1er février 2020
   #en 2020: covid classique
   #mai 2020 -... : variant delta
   if t<335: return 2.8
   if t<486: return 4.5
   if t<669 : return 6.6
   elserreturn 15
#Calcul de V(t) : taux de vaccination
def calculV(t):
   return realitevaccin()[t]/100
#Calcul de C(t) : politique de contrôle
def calculC(t):
   #On compte à partir du 1er février 2020
   #confinements : 17 mars-11mai puis 30oct-15dec puis 3avr2021-2mai2021
   #Couvre feu: 16dec - 2avr2021 puis 3 mai - 20juin 2021
   if (t>=45 and t<100) or (t>=272 and t<=318) or (t>=427 and t<=456):
       return 0.84
   elif (t>=319 and t<=426) or (t>=457 and t<=505):
       return 0.35
   else:
       return 0
   return 0
```

#Calcul de P(t) : proportion cas benin/sévères

```
def calculP(t):
   tauxvax = calculV(t)
   p0 = 0.968
   p=1-(1-p0) * (1-tauxvax)
   return p
#Fonction qui renvoie L'ensemble des constantes nécessaires à la résolution
def constante(t, A1, I1, A2, I2, gamma1, sigma, alpha, gamma2,50 = S0base, b =0.2):
   R0 = calculR0(t)
   c = calculC(t)
   p= calculP(t)
   B = (R0/S0)*gamma1*sigma*((alpha+gamma2)/((gamma1+p*sigma)*(alpha + gamma2) + b*gamma1*sigma*(1-p)))
   lambd = (B*(A1+I1+A2) + B*b*I2)*(1-c)
   return B, lambd, p
#Fonction aui calcule les valeurs au jour suivant
def day(t, epsilon, sigma, gamma1, gamma2, alpha,
       5, E1, A1, I1, R1, M, E2, A2, I2, R2, b, retour =1/180, S0=S0base ):
   cstes = constante(t, A1, I1, A2, I2, gamma1, sigma, alpha, gamma2)
   l=cstes[1]
   p=cstes[2]
   #Si t>= 670 on change Le retour
   if t>=670:
       retour = 1
   R1 += I1*gamma1
   I1 -= I1*gamma1
   I1 += sigma*A1
   A1 -= A1*sigma
```

```
A1 += E1*epsilon
   E1 -= E1*epsilon
   E1 += S*1*p
   M += I2*alpha
   R2 += I2*gamma2
   I2 -= I2*alpha
   I2 -= I2*gamma2
   I2 += sigma*A2
   A2 -= A2*sigma
   A2 += E2*epsilon
   E2 -= E2*epsilon
   E2 += S*1*(1-p)
   S -= S*1
   S+=R1*retour
   S+=R2*retour
   R1-=R1*retour
   R2-=R2*retour
   return(S,E1,A1,I1,R1,M,E2,A2,I2,R2)
#Fonction de résoltuion
def resolution(time):
   #On récupère Les valeurs expérimentales
   real = [0 for i in range(29)]
   real = real + realite()
   real morts = [0 for i in range(29)]
   real morts = real morts + realitemorts()
   gam1 = 1/15
   a = 0.18125
   gam2 = gam1*(1-a)
   al = gam1*a
   e = 1/14
   s = 1/5
```

```
b1 = 0.2
#Listes comprenant Les valeurs des compartiments
1S = [S0base]
1E1 = [0]
1A1 = [0]
111 = [1]
1R1 = [0]
1M = [0]
1E2 = [0]
1A2 = [0]
112 = [0]
1R2 = [0]
t=[0]
for i in range(time):
    a = day(f-1], e, s, gam1, gam2, al, lS[-1], lE1[-1], lA1[-1], lT1[-1], lR1[-1], lM[-1], lE2[-1], lA2[-1], lT2[-1], lR2[-1], b1)
    15.append(a[0])
    lE1.append(a[1])
    lA1.append(a[2])
    lI1.append(a[3])
    lR1.append(a[4])
    1M.append(a[5])
    1E2.append(a[6])
    1A2.append(a[7])
    1I2.append(a[8])
   1R2.append(a[9])
    t.append(i)
1R=[]
11 = []
1Hosp = []
1NonMalades =[]
for i in range(len(1R2)):
    1R.append((1R1[i]+1R2[i]))
    lI.append((lI1[i]+lI2[i]))
```

7

```
lHosp.append(((1A2)[i]+lI2[i]))
       1NonMalades.append((1R1[i]+1R2[i]+1S[i]))
   #On calcul Les décès : Pour connaître Leur nombre chaque jour et effectuer une moyenne sur les 7 derniers jours
   deces = [0]
   for i in range(1,len(1M)):
       if i <7:
           deces.append((lM[i] - lM[i-1]))
       else :
           deces.append(((1M[i] - 1M[i-6])/7))
   #On calcule les valeurs de C et RO pour les tracer (pour vérifier leurs valeurs)
   1C=[]
   1R0=[]
   lvax=[]
   for i in t:
       1C.append(calculC(i)*S0base)
       lR0.append(calculR0(i)*100)
       lvax.append(calculP(i))
   while len(real)!= len(t):
       real.append(0)
   while len(lvax)!= len(t):
       lvax.append(0)
   while len(real morts) < len(t):
       real morts.append(0)
### TRACAGE DES COURBES ###
#Certaines d'entre elles servent à des fins de compréhension du modèle.
```

```
#plt.plot(t, deces, Label = 'Morts', color = "black")
   #plt.plot(t. LR. Label = 'Rescapés')
   #plt.plot(t, LNonMalades, Label = 'Non malades')
   #plt.plot(t, LS, Label = 'Saints')
   #plt.plot(t, LHosp, Label = 'Hospitalisés')
   #plt.plot(t, LI, Label = 'Infectés')
   #plt.plot(t, LC, '--',color = 'grey', Label='c(politique de contrôle)')
   #plt.plot(t, LR0, '--',color = 'black', Label='R0')
   #plt.fill between(t, real morts, label = 'Résultats expérimentaux', color = "black", alpha = 0.4)
   plt.xlabel('Temps (jours)')
   plt.ylabel('Personnes')
   plt.legend()
   #Titre de La courbe
   plt.title('Modèle SEAIR', fontsize = '20')
   plt.show()
#Fonction de test de constantes
def testcstes():
   v=[]
   tt=[]
   c=[]
   for t in range(770):
       v.append(calculV(t))
       tt.append(t)
       c.append(calculC(t))
   plt.plot(tt,v, label = "Taux de vaccination v")
   plt.xlabel('Temps (jours)')
   plt.vlabel('')
   plt.legend()
   plt.show()
```

#On commence l'étude au 1er Février 2020

#Numero inscription : 15890