



VILNIAUS UNIVERSITETAS

MATEMATIKOS IR INFORMATIKOS FAKULTETAS

PROGRAMŲ SISTEMŲ BAKALAURO STUDIJŲ PROGRAMA

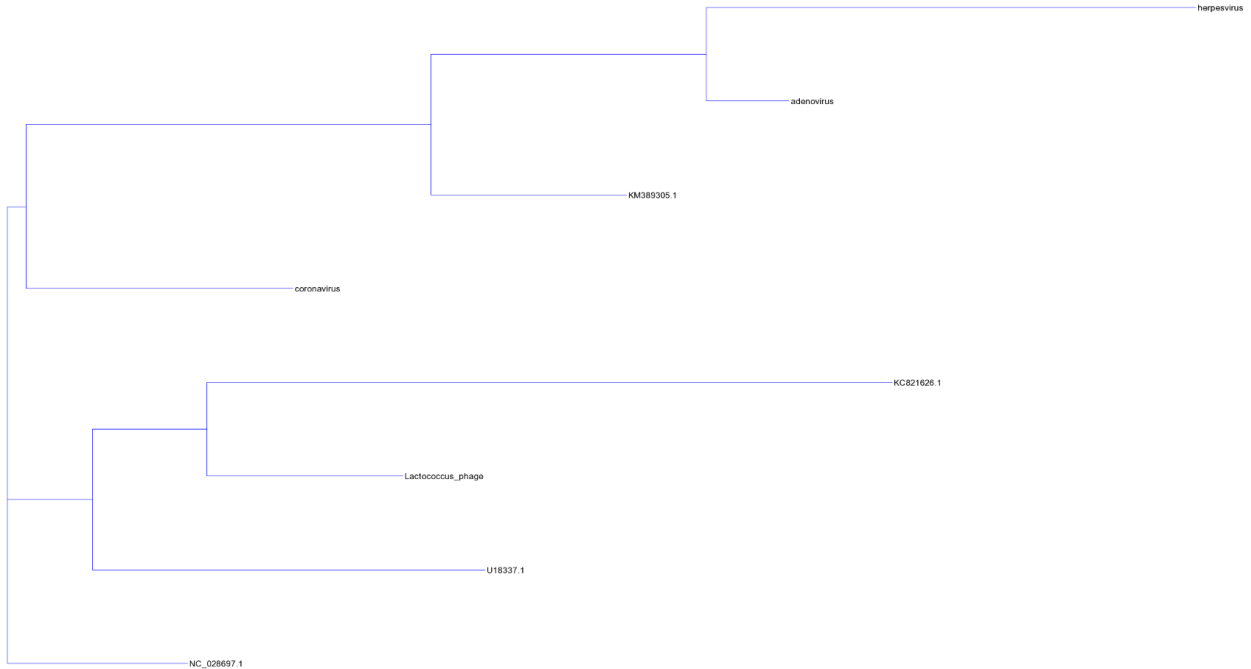
Bioinformatika

1 laboratorinis darbas

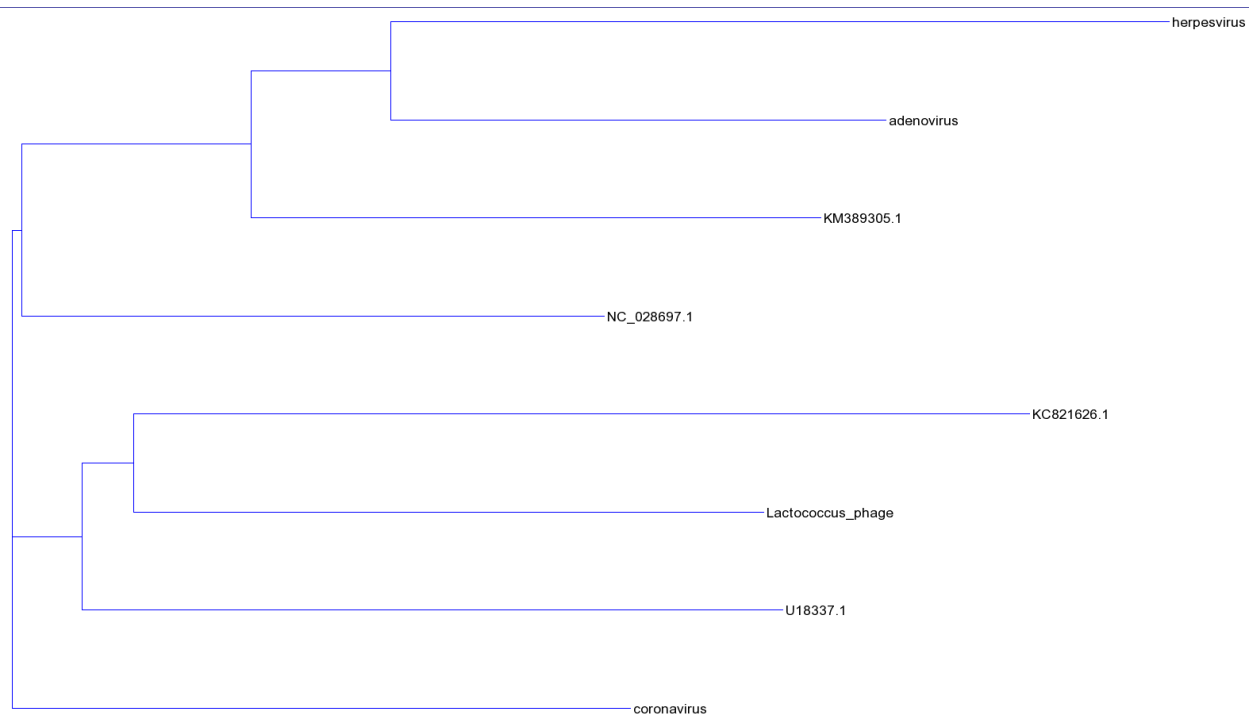
Atliko: 4 kurso 3 grupės studentas
Jokūbas Jurkys

Atstumų matricos buvo apskaičiuojama iš vienos sekos kiekvieno kodono/dikodono dažnio atėmus kitos sekos kodono/dikodono dažnį, ir paimamas rezultato modulis, kuris yra pridodamas prie bendro taškų skaičiaus.

Kodonų klasterizavimo medis:



Dikodonų klasterizavimo medis:



Išvados: gan stipriai išsiskiria *herpesvirus*, jis labiausiai skiriasi ir nuo žinduolių, ir nuo bakterijų virusų. Tai pat pastebėjau, kad kodonų medyje, **žinduolių virusas** U18337.1 yra grupuojamas prie bakterijų, o tuo tarpu **bakterijos virusas** KM389305.1 yra grupuojamas prie žinduolių.