Probabilidad y Estadística: Laboratorio 01

Felipe Ossa y Mauricio Toro

Segundo Semestre 2023



Equipo

Profesor	Correo	Día	Ayudantes
Felipe Ossa Mauricio Toro Felipe Ossa	foossa@uc.cl matoro4@mat.uc.cl foossa@uc.cl	Lunes (5,6) Martes (7,8) Miércoles (1,2,9)	Por definir Por definir Por definir
Mauricio Toro	matoro4@mat.uc.cl	Jueves (3,4,10)	Por definir

NOTA: Revisa tu sección en Mi Portal UC, NO EN CANVAS

Evaluaciones

- Lunes (secciones 5 y 6):
 - Evaluación 1: lunes 25 de septiembre
 - Evaluación 2: lunes 27 de noviembre
- Martes (secciones 7 y 8):
 - Evaluación 1: martes 26 de septiembre
 - Evaluación 2: martes 28 de noviembre
- Miércoles (secciones 1, 2 y 9):
 - Evaluación 1: miércoles 27 de septiembre
 - Evaluación 2: miércoles 29 de noviembre
- Jueves (secciones 3, 4 y 10):
 - Evaluación 1: jueves 28 de septiembre
 - Evaluación 2: jueves 30 de noviembre

NOTA: Revisa tu sección en Mi Portal UC, NO EN CANVAS

¿Qué es R?

R es un conjunto integrado de programas para manipulación de datos, cálculo y gráficos.



R es un software estadístico de libre acceso el cual puede ser utilizado en diferentes sistemas operativos como Windows, MacOS y Linux.

R es un lenguaje de programación en el que se introducen códigos para posteriormente ser ejecutados.

Una de las grandes ventajas de R es que es un programa de código abierto en el que miles de personas de todo el mundo colaboran en el desarrollo de nuevas metodologías, de manera que se pueden acceder a los paquetes descargándolos como también compartir los propios con otros.

Instalación

La descarga del archivo de instalación de R se realiza desde uno de los links de abajo dependiendo del sistema operativo:

- Microsoft Windows: http://cran.r-project.org/bin/windows/base/
- OSX: http://cran.r-project.org/bin/macosx/
- Linux: http://cran.r-project.org/bin/linux/

Una vez instalado R, se puede instalar RStudio desde:

https://www.rstudio.com/products/rstudio/download/

Como alternativa también existe RStudio Cloud (ahora llamado Posit Cloud):

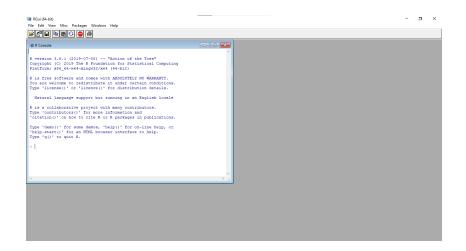
https://rstudio.cloud/

¿R? ¿RStudio? ¿RStudio Cloud? ¿Y por qué?

Al instalarse R se cuenta por defecto con una interfaz básica llamada RGui. También es llamada $R \times 86$. Tiene todas las facultades que R puede generar, pero el manejo de ventanas y organización puede ser un poco desordenado.

No obstante, RGui ocupa pocos recursos adicionales y funciona muy establemente en cualquier plataforma.

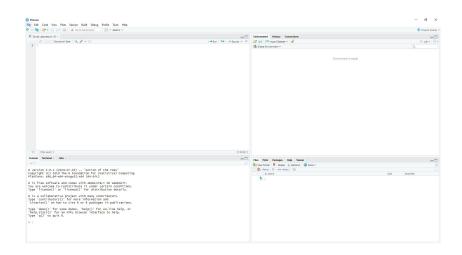
¿R? ¿RStudio? ¿RStudio Cloud? ¿Y por qué?



¿R? ¿RStudio? ¿RStudio Cloud? ¿Y por qué?

RStudio, en cambio es una interfaz programada de modo de utilizar R en una plataforma mucho más comprensiva e interactiva.

- Los gráficos se muestran en una pestaña especial
- Se puede monitorear las variables y recursos utilizados y cargados en todo momento.
- Autocompletar incluido
- Uso de pestañas y paneles en lugar de ventanas.
- Compatibilidad con otros lenguajes.



¿R? ¿RStudio? ¿RStudio Cloud? ¿Y por qué?

RStudio creció en vías de compatibilidad con otros software de motor además de R, con lo que hoy se conoce como Posit.

El equipo de RStudio también creó una versión que se accede por internet y se procesa en la nube. Puedes crear una cuenta gratis (sin spam) y puedes guardar proyectos y utilizarlos de manera análoga.

- Su gran ventaja es la portabilidad cuando utilizas diferentes computadores, y no requiere de mayor instalación.
- Como todo ambiente tipo Cloud, hay que realizar mayor tráfico de archivos y datos desde y hacia nuestros computadores de forma manual.
- Y por supuesto, utiliza internet. Los servidores son robustos pero una conexión débil puede ocasionar cortes en la sesión.

En la consola de R, se pueden escribir directamente comandos, y pulsar **enter** para ver el resultado, salida o retorno. Sin embargo, esta no es la manera más eficiente de trabajar en R.

Si se quiere guardar el trabajo, corregirlo, repetirlo, etc., es más conveniente usar el editor de R. Se debe seleccionar archivo, nuevo Script (documento en blanco del editor) en el cual se puede escribir los programas y guardar.

La ejecución del código desde el script se hace desde cualquier posición del cursor en la línea o iluminando parte de ella o más líneas, y luego presionar:

Windows: Tecla F5 o Control + Enter, MacOS: Cmd + Enter.

Se puede incluir comentarios que R no leerá si utilizamos el símbolo # al comienzo de la línea.

Operaciones y comandos

En R es posible llevar a cabo distintas operaciones matemáticas y aritméticas usando operadores básicos tales como +, -, /, *,**.

Calcule <u>en la consola</u> de R las siguientes operaciones y presione ENTER. Observe el resultado.

```
1+2+3

## [1] 6

100+200

## [1] 300

3.14+2.17
```

[1] 5.31

```
2-1
## [1] 1
3/4
## [1] 0.75
1/3
## [1] 0.3333333
2*33
## [1] 66
2**3
## [1] 8
2*5+200/2**3
## [1] 35
```

Funciones usadas en R

Los resultados obtenidos de cualquier operación, o de aplicar una función, van apareciendo antecedidos por el símbolo [n], mientras que cualquier código o sentencia que escribamos aparecerá se destacará con >.

A continuación se presentan distintos comandos de utilidad usados comúnmente en R.

Funciones matemáticas:

Nombre de la función	Descripción
sqrt	Raíz cuadrada
log, log2, log10	Logaritmos
exp	Función exponencial
abs	Valor absoluto
sign	Signo
cos, sin, tan	Funciones trigonométricas
acos, asin, atan	Funciones trigonométricas inversas
%%	Resto de una división
factorial, lfactorial	Factorial y su logaritmo

Algunos ejemplos:

```
sqrt(3)
## [1] 1.732051
log(10); log2(10); log10(10)
## [1] 2.302585
## [1] 3.321928
## [1] 1
exp(2)
## [1] 7.389056
abs(-3.5)
## [1] 3.5
```

```
sign(-7)
## [1] -1
sign(7)
## [1] 1
cos(2*pi); sin(pi); tan(pi)
## [1] 1
## [1] 1.224606e-16
## [1] -1.224647e-16
acos(0); asin(1); atan(-1)
## [1] 1.570796
## [1] 1.570796
```

[1] -0.7853982

```
10%%3

## [1] 1

factorial(4)

## [1] 24

lfactorial(5)

## [1] 4.787492
```

Definición de objetos

R es un software que permite la creación de objetos de varios tipos: alfanuméricos, escalares, vectores, matrices, etc. Los valores que se asignen a los objetos quedan guardados en la memoria de R mientras dure la sesión de trabajo. Los objetos pueden definirse de la siguiente forma:

donde objeto es el nombre que se le asigna al objeto, y expresión puede ser una fórmula, un vector, una palabra, etc.

En R podemos definir distintos tipos de variables, los que conoceremos primero son los siguientes:

 Variables numéricas: se definen los objetos como el número u operación numérica a definir.

```
a <- 3*6+9/7

a

## [1] 19.28571

b <- sqrt(9)/log(10)

b
```

 Variables booleanas: en R los valores booleanos se definen como TRUE o T y FALSE o F.

```
d <- T
d

## [1] TRUE
e <- FALSE
e</pre>
```

[1] FALSE

• Variables de texto: los strings o char se escriben siempre entre comillas " ".

```
f <- "Laboratorio EYP1113"
f

## [1] "Laboratorio EYP1113"
g <- "Primer Semestre 2022"
g</pre>
```

[1] "Primer Semestre 2022"

Para crear vectores debemos utilizar el comando c().

```
numeros.ejemplo <- c(1,2,3,4,5)
textos_ej <- c("a","b","c","d","e")
booleanosEJEMPLO <- c(T,F,TRUE,FALSE)</pre>
```

Para nombrar ciertos elementos de un vector, se utiliza el comando names.

```
notas <- c(4.5,5.1,5.5,4.7,5.5,6.7)
nombres <- c("I1","I2","I3","I4","Lab 1","Lab 2")
names(notas) <- nombres
notas
```

```
## I1 I2 I3 I4 Lab 1 Lab 2
## 4.5 5.1 5.5 4.7 5.5 6.7
```

Operaciones con vectores

En R podemos realizar operaciones con vectores, por ejemplo:

```
v1 <- c(1,1,1,3)
v2 <- c(2,0,2,3)
v1+v2
```

```
v1/v2

## [1] 0.5 Inf 0.5 1.0

v1*2

## [1] 2 2 2 6

v1/2

## [1] 0.5 0.5 0.5 1.5
```

[1] 1.5

También podremos crear funciones, pero R, viene con funciones o comandos ya creados para operar con vectores o para crearlos tales como:

```
sum(v1)
## [1] 6
prod(v1)
## [1] 3
mean(v1)
```

```
sd(v1)
## [1] 1
min(v1)
## [1] 1
max(v1)
## [1] 3
```

Pueden encontrar una lista más completa de funciones de R en: https://cran.r-project.org/doc/contrib/Short-refcard.pdf

Expresiones lógicas

Podemos realizar comparaciones lógicas, por ejemplo:

```
1>2
## [1] FALSE
1<2
## [1] TRUE
1>=2
## [1] FALSE
1<=2
## [1] TRUE
1==2
## [1] FALSE
```

```
Comparaciones con los vectores creados anteriormente:
```

```
v1<2
## [1]
      TRUE TRUE TRUE FALSE
v1 == 1
## [1]
       TRUE TRUE TRUE FALSE
v1<v2
## [1]
      TRUE FALSE TRUE FALSE
v1>v2
## [1] FALSE TRUE FALSE FALSE
```

Para unir condiciones lógicas el "y" (and) se representa con carácter & y el "o" (or) con el carácter "I".

```
v2<3 & v2>0
```

[1] TRUE FALSE TRUE FALSE

v2<3 | v2>0

[1] TRUE TRUE TRUE TRUE

Vectores: funciones which e %in%

Dos funciones lógicas muy útiles en R son which() y el operador %in%.

La función which() sirve para obtener los índices de las filas de una base de datos que cumplan alguna condición dada.

```
## [1] 1 2 3
which(v2==1)
## integer(0)
c(2,4,6) %in% v1
```

which(v1==1)

El operador %in% indica si un valor o los componentes de un vector se encuentran dentro de los valores de otro vector. Esto nos retorna un valor booleano.

```
1 %in% v1
```

```
## [1] TRUE
```

1 %in% v2

```
## [1] FALSE
```

```
Trabajaremos con los vectores numeros y textos.

Para conocer el largo de un vector está el comando length().
```

```
length(nombres)

## [1] 6
length(textos_ej)
```

```
## [1] 5
```

Para poder acceder al i-ésimo componente del vector v debemos ejecutar v[i].

```
nombres[1]
## [1] "I1"
notas[2]
## I2
```

5.1

Para acceder a más de un índice, entonces debemos entregar un vector dentro de los corchetes de la forma v[c(i,j,k,...)]

```
nombres[c(1,2,5)]

## [1] "I1" "I2" "Lab 1"

notas[c(2,3,6)]
```

```
## I2 I3 Lab 2
## 5.1 5.5 6.7
```

5678

9 10

Un modo de crear una secuencia desde un índice i hasta un índice j es con el comando i:j.

```
1:10
## [1] 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10
5:10
```

[1]

Con lo visto anteriormente podemos acceder a varios términos continuos dentro de un vector de mayor longitud. Utilizaremos el vector letters para dar un ejemplo.

```
letters
```

```
## [1] "a" "b" "c" "d" "e" "f" "g" "h" "i" "j" "k" "l" "m" "n" "o" ## [20] "t" "u" "v" "w" "x" "y" "z" letters[4:14]
```

```
## [1] "d" "e" "f" "g" "h" "i" "j" "k" "l" "m" "n"
```

Retomando el uso de names () y la manipulación de vectores podemos utilizar:

```
notas[2]
## I2
## 5.1
notas["Lab 2"]
## Lab 2
## 6.7
notas[c("Lab 3","Lab 1","Lab 2")]
##
   <NA> Lab 1 Lab 2
```

NA 5.5 6.7

##

```
notas[notas>5]
     T2.
            T3 Lab 1 Lab 2
##
##
     5.1 5.5 5.5
                       6.7
Podemos guardar distintos filtros lógicos en variables auxiliares tales como:
notas>5
      Ι1
            12
               13
                        I4 Lab 1 Lab 2
##
## FALSE
          TRUE TRUE FALSE TRUE
                                   TRUE
notas<6
            T2
                  T3
##
      T1
                        T4 Lab 1 Lab 2
    TRUE
          TRUE TRUE
                      TRUE TRUE FALSE
##
```

```
notas==max(notas)
##
     T1
           T2
                 T3 T4 Lab 1 Lab 2
## FALSE FALSE FALSE FALSE
notas==min(notas)
##
     T1
           T2
                 I3 I4 Lab 1 Lab 2
   TRUE FALSE FALSE FALSE FALSE
##
notas>=mean(notas)
##
     T1
           T2
              13
                      I4 Lab 1 Lab 2
## FALSE FALSE TRUE FALSE TRUE
                                 TRUE
notas<=mean(notas)</pre>
     T1
                 Т3
                       T4 Lab 1 Lab 2
##
           T2
```

TRUE FALSE

TRUE.

##

Para manipular vectores con variables categóricas es conveniente convertir nuestra variable a factor. En el caso de ser nominal, no importa el orden.

```
textos2 <- factor(textos_ej)</pre>
```

En el caso en que nuestra variable sea ordinal, con el comando factor() podemos indicar el orden de los niveles de la variable con el argumento levels=.

```
## [1] "Malo" "Neutro" "Bueno"
```

Ayuda

En R podemos buscar ayuda para funciones con los help o ?

help(class)
?class

Siempre se puede buscar ayuda en Google para problemas que tengan con sus códigos. Stack Overflow es un sitio recomendable para realizar consultas.

En R podemos definir una matriz con el comando matrix(). Si al comando matrix le entregamos la secuencia guardada en v3.

```
v3 <- 1:15
m <- matrix(v3)
```

Por defecto, nos crea una matriz de tamaño 15×1 . Nosotros podemos entregarle la cantidad de filas y/o columnas que queremos que tenga la matriz con los argumentos nrow= y ncol=. También podemos indicarle si queremos o no que la matriz se rellene por filas, con el argumento byrow= que puede tomar los valores TRUE o FALSE. Podemos ver un ejemplo creando la matriz de 3 filas y 5 columnas. Rellenando la matriz por filas.

```
m1 <- matrix(v3, nrow=3, ncol=5, byrow=TRUE)
m1

## [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]
## [1,] 1 2 3 4 5
```

[2,] 6 7 8 9 10 ## [3,] 11 12 13 14 15

Podemos llamar a un elemento o a un conjunto de datos mediante de una matriz m llamando a m[i,j], donde i y j puede ser un elemento o un vector de posiciones de fila o columna. Si se deja el espacio de i o j en blanco, R entiende que se está llamando a todas las filas o columnas. Podemos ver ejemplos ejecutando lo siguiente:

```
m1[1,]

## [1] 1 2 3 4 5

m1[,1]

## [1] 1 6 11

m1[1,1]
```

[1] 1

 $m1 \lceil -1 \rceil$

```
m1[c(1,2),c(3,4)]

## [,1] [,2]

## [1,] 3 4
```

También podemos seleccionar la matriz sin las filas o columnas indicadas anteponiendo un signo "-" al número o vector indicado:

```
## [,1] [,2] [,3] [,4] [,5]
## [1,] 6 7 8 9 10
## [2,] 11 12 13 14 15
```

[2,] 8 9

```
m1[,-1]
## [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,] 2 3 4 5
## [2,] 7 8 9 10
## [3,] 12 13 14 15
m1[-1,-1]
      [,1] [,2] [,3] [,4]
##
## [1,] 7 8 9
                   10
## [2,] 12 13 14 15
m1[-c(1,2),-c(3,4)]
  [1] 11 12 15
```

Tal como en los vectores podemos asignar nombres a las filas y columnas, esta vez con los comandos rownames() y colnames().

```
nombresfilas <- c("f1","f2","f3")
nombrescolumnas <- c("c1","c2","c3","c4","c5")
rownames(m1) <- nombresfilas
colnames(m1) <- nombrescolumnas
m1</pre>
```

```
## c1 c2 c3 c4 c5
## f1 1 2 3 4 5
## f2 6 7 8 9 10
## f3 11 12 13 14 15
```

m1*3

Operaciones con matrices

Para realizar operaciones simples con matrices tales como:

```
## c1 c2 c3 c4 c5

## f1 3 6 9 12 15

## f2 18 21 24 27 30

## f3 33 36 39 42 45

m1/3
```

f1

f2

```
m1 + 3
##
     c1 c2 c3 c4 c5
      4 5 6
## f1
## f2
       9 10 11 12 13
## f3 14 15 16 17 18
m1**3
##
       с1
          c2 c3 c4
                          c5
             8
                 27
```

125

64

729 1000

216

343

f3 1331 1728 2197 2744 3375

512

m1+m1

```
##
   c1 c2 c3 c4 c5
## f1 2 4 6 8 10
## f2 12 14 16 18 20
## f3 22 24 26 28 30
m1-2*m1
##
      c1 c2 c3 c4 c5
## f1 -1 -2 -3 -4 -5
## f2 -6 -7 -8 -9 -10
## f3 -11 -12 -13 -14 -15
```

Comparaciones lógicas

```
m1 > 5
##
        c1
            c2 c3 c4
                             с5
## f1 FALSE FALSE FALSE FALSE
## f2
      TRUE
            TRUE
                  TRUE
                       TRUE
                             TRUE
## f3
      TRUE.
            TRUE
                 TRUE
                       TRUE
                             TRUE
m1 < =5
              c2 c3
##
        c1
                      с4
                              c5
      TRUE.
            TRUF.
                 TRUF.
                       TRUE.
## f1
                             TRUE
## f2 FALSE FALSE FALSE FALSE
## f3 FALSE FALSE FALSE FALSE
```

```
m1>5 & m1<12
##
        c1
             c2
                 c3
                       c4
                              с5
## f1 FALSE FALSE FALSE FALSE
## f2
      TRUE
            TRUE
                  TRUE
                        TRUE
                             TRUE
## f3
      TRUE FALSE FALSE FALSE
m1>12 | m1<5
##
        c1
              c2
                  c3
                         c4
                              c5
      TRUE
            TRUE
                  TRUE
                        TRUE FALSE
## f1
  f2 FALSE FALSE FALSE FALSE
## f3 FALSE FALSE
                  TRUE.
                        TRUF.
                             TRUF.
```

```
Con esto podemos filtrar la matriz:
m1[m1>5]
##
    [1] 6 11 7 12 8 13 9 14 10 15
m1[m1 <= 5]
## [1] 1 2 3 4 5
m1[m1>5 & m1<12]
## [1] 6 11 7 8 9 10
m1[m1>12 | m1<5]
## [1] 1 2 3 13 4 14 15
```

Funciones asociadas a matrices

Algunas funciones asociadas a matrices en R:

Función	Descripción
diag()	Diagonal
*	Producto elemento a elemento
% * %	Producto matricial
<pre>dim()</pre>	Dimensiones
<pre>ncol()</pre>	Número de columnas
nrow()	Número de filas
t()	Transpuesta
det()	Determinante
solve()	Inversa
rowSums()	Suma de filas
colSums()	Suma de columnas
rowMeans()	Promedio simple de filas
colMeans()	Promedio simple de columnas

Podemos unir filas o columnas a una matriz con los comandos rbind() y cbind()

```
nuevafila <- c(5,10,15,20,25)
m2 <- rbind(m1,nuevafila)
m2</pre>
```

```
## c1 c2 c3 c4 c5
## f1 1 2 3 4 5
## f2 6 7 8 9 10
## f3 11 12 13 14 15
## nuevafila 5 10 15 20 25
```

```
nuevacolumna <- c(3,6,9,12)
m3 <- cbind(m2,nuevacolumna)
m3

## c1 c2 c3 c4 c5 nuevacolumna</pre>
```

head(mtcars)

En R se pueden abrir distintos tipos de bases de datos. También hay varias bases que vienen integradas como mtcars. Pueden revisar un listado más completo con data(). Antes de aprender a abrir una base de datos vamos a aprender algunas funciones utiles. Las funciones head() y tail() nos permiten ver las primeras y últimas 6 observaciones de una base respectivamente.

tail(mtcars)

```
##
                 mpg cyl disp hp drat wt qsec vs am gear carb
## Porsche 914-2
                26.0
                               91 4.43 2.140 16.7
## Lotus Europa
                30.4
                         95.1 113 3.77 1.513 16.9 1
## Ford Pantera I, 15.8
                      8 351.0 264 4.22 3.170 14.5 0 1
## Ferrari Dino 19.7
                      6 145.0 175 3.62 2.770 15.5 0 1
## Maserati Bora 15.0
                      8 301.0 335 3.54 3.570 14.6 0 1
## Volvo 142E
                21.4
                      4 121.0 109 4.11 2.780 18.6 1
                                                             2
```

El comando str() nos entrega una breve descripción de la base de datos y el tipo de variables que contiene.

```
str(mtcars)
   'data frame': 32 obs. of 11 variables:
   $ mpg : num 21 21 22.8 21.4 18.7 18.1 14.3 24.4 22.8 19.2 ...
   $ cyl : num 6 6 4 6 8 6 8 4 4 6 ...
   $ disp: num 160 160 108 258 360 ...
##
   $ hp : num 110 110 93 110 175 105 245 62 95 123 ...
##
   $ drat: num 3.9 3.9 3.85 3.08 3.15 2.76 3.21 3.69 3.92 3.92 ...
##
   $ wt. : nim 2.62 2.88 2.32 3.21 3.44 ...
##
   $ qsec: num 16.5 17 18.6 19.4 17 ...
##
   $ vs : num 0 0 1 1 0 1 0 1 1 1 ...
##
   $ am : num 1 1 1 0 0 0 0 0 0 0 ...
   $ gear: num 4 4 4 3 3 3 3 4 4 4 ...
##
##
    $ carb: num 4 4 1 1 2 1 4 2 2 4 ...
```

La función summary() nos entrega estadísticas descriptivas de las variables de la base. En el caso de las variables numéricas nos entrega: mínimo, primer cuartil, mediana, media, tercer cuartil y máximo. En el caso de variables categóricas realiza un conteo de éstas.

summary(mtcars)

```
##
       mpg
                    cyl
                                   disp
                                                 hp
##
   Min. :10.40
                 Min. :4.000
                               Min. : 71.1
                                            Min. : 52.0
   1st Qu.:15.43
                 1st Qu.:4.000
                               1st Qu.:120.8
                                            1st Qu.: 96.5
##
##
   Median :19.20
                 Median :6.000
                              Median :196.3
                                            Median :123.0
##
   Mean :20.09 Mean :6.188
                              Mean :230.7
                                            Mean :146.7
   3rd Qu.:22.80
                 3rd Qu.:8.000
                               3rd Qu.:326.0
                                            3rd Qu.:180.0
##
##
   Max. :33.90
                 Max. :8.000
                               Max. :472.0
                                            Max. :335.0
##
       drat.
                      wt.
                                   qsec
                                                 VS
##
   Min. :2.760
                Min.
                       :1.513
                               Min. :14.50
                                            Min.
                                                   :0.0000
##
   1st Qu.:3.080 1st Qu.:2.581
                               1st Qu.:16.89
                                            1st Qu.:0.0000
##
   Median:3.695
                 Median :3.325
                               Median :17.71
                                            Median :0.0000
                              Mean :17.85
##
   Mean :3.597 Mean :3.217
                                            Mean
                                                  :0.4375
##
   3rd Qu.:3.920 3rd Qu.:3.610
                              3rd Qu.:18.90
                                            3rd Qu.:1.0000
   Max. :4.930
                Max. :5.424
                              Max. :22.90
##
                                            Max. :1.0000
##
        am
                      gear
                              carb
   Min. :0.0000
                  Min.
                        :3.000
                               Min.
                                      :1.000
```

Para crear nuestra propia base de datos podemos utilizar la función data.frame(). Con el ejemplo anterior de las notas vamos a crear una nueva base.

```
Tipo <- c("I1","I2","I3","I4","L1","L2")
Nota <- c(4.5,5.3,3.9,6.0,6.5,7.0)
Azul <- c(T,T,F,T,T,T)
Libreta <- data.frame(Tipo,Nota,Azul)
Libreta</pre>
```

```
## Tipo Nota Azul
## 1 I1 4.5 TRUE
## 2 I2 5.3 TRUE
## 3 I3 3.9 FALSE
## 4 I4 6.0 TRUE
## 5 L1 6.5 TRUE
## 6 L2 7.0 TRUE
```

```
## 'data.frame': 6 obs. of 3 variables:
## $ Tipo: Factor w/ 6 levels "I1","I2","I3",..: 1 2 3 4 5 6
## $ Nota: num 4.5 5.3 3.9 6 6.5 7
## $ Azul: logi TRUE TRUE FALSE TRUE TRUE TRUE
summary(Libreta)
```

```
## Tipo Nota Azul

## I1:1 Min. :3.900 Mode :logical

## I2:1 1st Qu.:4.700 FALSE:1

## I3:1 Median :5.650 TRUE :5

## I4:1 Mean :5.533

## L1:1 3rd Qu.:6.375

## L2:1 Max. :7.000
```

Esta función reconoce inmediatamente los nombres de los vectores como nombres de las columnas y las filas las indexa con el número de la observación. Los nombres de las columnas también se pueden definir al momento de crear la base de datos de la siguiente forma:

```
Libreta2 <- data.frame(Tipo2=Tipo,Nota2=Nota,Azul2=Azul)
Libreta2
```

Podemos acceder a los subconjuntos de esta base de datos tal como se hacía con la matrices. También podemos llamar a la columna que requiramos por su nombre.

```
Libreta[c(2,4),c("Azul","Nota")]
```

```
## Azul Nota
## 2 TRUE 5.3
## 4 TRUE 6.0
```

Si requerimos acceder a la columna v1 de una base de datos df, también se pueden usar las siguientes notaciones:

```
df$v1
df["v1"]
```

Un ejemplo en este caso sería:

```
Libreta$Nota
Libreta["Nota"]
```

Para acceder a un subconjunto de datos con alguna restricción en específico existe la función subset() a la cual entregamos la base de datos como primer argumento y luego como segundo argumento subset= se entregan las condiciones requeridas.

```
subset(Libreta, subset= Azul==TRUE)
```

```
subset(Libreta.subset= Nota>6)
     Tipo Nota Azul
       T.1
           6.5 TRUE
## 6
     L2 7.0 TRUE
Otra forma de filtrar que es frecuentemente usada es mediante los corchetes,
indicando condiciones para filas y también seleccionando columnas de interés.
Libreta[Libreta$Azul==TRUE.]
     Tipo Nota Azul
       T1
           4.5 TRUE
##
      T2 5.3 TRUE
      I4 6.0 TRUE
## 4
## 5
     I.1 6.5 TRUE
      I.2 7.0 TRUE
## 6
Libreta [Libreta $Azul == TRUE & Libreta $Nota > 6,]
     Tipo Nota Azul
```

6.5 TRUE I.2 7.0 TRUE

L1

```
Libreta [Libreta $Azul == TRUE & Libreta $Nota > 6,]
```

```
## Tipo Nota Azul
## 5 L1 6.5 TRUE
## 6 L2 7.0 TRUE
```

Como se puede ver, la diferencia radica en que con la función subset se llama directamente a las variables por su nombre, porque se entrega la base completa en la función, en cambio al realizar el filtro "manual" se debe llamar a la base y con el signo \$ indicar recién el nombre de la variable.

Para ordenar una base de datos en función de una variable existe la función order(). Por ejemplo para ordenar la base de datos en orden creciente de Nota. Si se antepone el signo "-" entonces se ordena de manera decreciente.

Libreta[order(Libreta\$Nota),]

Libreta[order(-Libreta\$Nota),]

```
## Tipo Nota Azul
## 6 L2 7.0 TRUE
## 5 L1 6.5 TRUE
## 4 I4 6.0 TRUE
## 2 I2 5.3 TRUE
## 1 I1 4.5 TRUE
## 3 I3 3.9 FALSE
```

Para agregar una nueva fila a una base de datos del tipo data.frame se puede utilizar el comando rbind() conocido anteriormente, siempre preocupándonos que la o las nuevas filas tengan los mismos nombres de columnas de la base de datos.

```
nuevafila <- data.frame(Tipo="I5", Nota=4.5, Azul=TRUE)
nuevaLibreta <- rbind(Libreta, nuevafila)
nuevaLibreta</pre>
```

```
##
    Tipo Nota Azul
      T1 4.5 TRUE
## 1
   T2 5.3 TRUE
## 2
## 3
   T3 3.9 FALSE
   I4 6.0
            TRUE
## 4
## 5
    L1 6.5 TRUE
    L2 7.0 TRUE
## 7
      I5 4.5 TRUE
```

Para agregar una nueva columna se puede escribir dentro de la misma base.

nuevaLibreta\$nuevacolumna <- nuevaLibreta\$Nota+1
nuevaLibreta</pre>

```
Tipo Nota Azul nuevacolumna
##
## 1
      I1 4.5 TRUE
                             5.5
      12 5.3 TRUE
                             6.3
## 2
      T3 3.9 FALSE
                             4.9
## 3
## 4
      I4 6.0
               TRUE
                             7.0
    L1 6.5 TRUE
                             7.5
## 5
    L2 7.0 TRUE
                             8.0
## 6
      T5 4.5 TRUE
                             5.5
## 7
```

Los nombres de filas y columnas se pueden renombrar con los comandos rownames() y colnames(). También se puede renombrar una o más filas o columnas en específico indicando la posición de la fila o columna dentro de los corchetes que hemos ocupado anteriormente.

```
colnames(nuevaLibreta) <- c("Tipo2", "Nota2", "Azul2", "Col2")
nuevaLibreta</pre>
```

```
##
    Tipo2 Nota2 Azul2 Col2
      T1
           4.5 TRUE 5.5
## 1
    I2 5.3 TRUE 6.3
## 2
    I3 3.9 FALSE 4.9
    I4 6.0 TRUE 7.0
## 4
## 5
    L1 6.5 TRUE 7.5
      L2 7.0 TRUE 8.0
## 6
           4.5 TRUE 5.5
## 7
      I5
```

```
colnames(nuevaLibreta)[4] <- "NuevaColumna2"
nuevaLibreta</pre>
```

```
##
    Tipo2 Nota2 Azul2 NuevaColumna2
## 1
       I1 4.5 TRUE
                             5.5
    I2 5.3 TRUE
                             6.3
## 3
    I3 3.9 FALSE
                             4.9
                             7.0
## 4
    I4 6.0 TRUE
    L1 6.5 TRUE
                             7.5
## 5
## 6
      L2 7.0 TRUE
                             8.0
       T5 4.5 TRUE
                             5.5
## 7
```

Listas

Hasta ahora ya hemos visto que podemos crear vectores, matrices y bases de datos (data.frame). Para juntar todos estos tipos de variables y guardarlos en un objeto existen las listas. con el comando list() se pueden crear listas con distintos tipos de objetos en su interior. Sólo le debemos entregar los objetos que se quieren almacenar en ella.

lista <- list(opiniones,m1,Libreta)</pre>

Listas

lista

```
## [[1]]
## [1] Bueno Malo Neutro Bueno Malo
## Levels: Malo Neutro Bueno
##
## [[2]]
     c1 c2 c3 c4 c5
## f1 1 2 3 4 5
## f2 6 7 8 9 10
## f3 11 12 13 14 15
##
## [[3]]
##
    Tipo Nota Azul
## 1
      I1 4.5
               TRUE
## 2
      I2 5.3
              TRUE
## 3
     13
          3.9 FALSE
## 4
      14
          6.0 TRUE
## 5
      L1 6.5 TRUE
## 6
      L2 7.0 TRUE
```

Listas

Tal como en los data.frame, podemos asignarle nombre a los componentes de la lista.

```
lista2 <- list(v=opiniones, m=m1, bd=Libreta)</pre>
```

Luego podemos acceder a estos objetos llamándolos por su nombre establecido o por su coordenada dentro de la lista:

```
lista[1]
## [[1]]
## [1] Bueno Malo Neutro Bueno Malo
## Levels: Malo Neutro Bueno
lista2$v
```

[1] Bueno Malo Neutro Bueno Malo
Levels: Malo Neutro Bueno