Estructuras de Datos

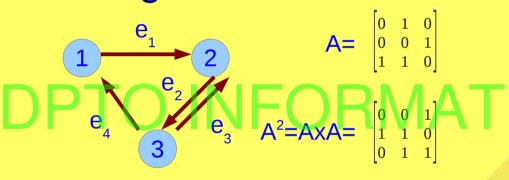
DPTO INFORMGrāfos A - U. CORDOBA (caminos y recorridos)

Contenidos

- Introducción.
- Especificación.
- Implementaciones.
- DP Búsqueda de Caminos.CA U. CORDOBA
 - Recorridos.

Buscando caminos

- Usando la matriz de adyacencia.
 - ¿Están dos nodos conectados? (fuerza bruta)



 a^r_{ij} = número de caminos de longitud r que conectan el nodo i con el nodo j.

- Bⁿ=A+A²+A³+...Aⁿ = número de caminos de longitud <=N que conectan dos nodos.
- P, con p_{ij}=1 si bⁿ_{ij} >0, matriz de conectividad o matriz de caminos.
- Complejidad para obtener P en un grafo de N nodos: A^rxA= O(N³) x N → O(N⁴)

$$A^{3}=A^{2}XA=\begin{bmatrix} 1 & 1 & 0 \\ 0 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 1 \end{bmatrix}$$

$$B^{3} = \begin{bmatrix} 1 & 2 & 1 \\ 1 & 2 & 2 \\ 2 & 3 & 2 \end{bmatrix}$$

Buscando caminos

- Usando la matriz de adyacencia.
 - ¿Están dos nodos conectados? Alg. de Warshall.



- Generar $A=P^0 \rightarrow P^1 \rightarrow ... P^n=P$
- p^k_{ii}=1 si existe camino directo entre i,j o un camino con nodos intermedios en el conjunto $\{V_1, V_2, ..., V_{\nu}\}$
- $p_{ii}^1 = 1 \text{ si } a_{ii} = 1 \text{ o } a_{i1} = 1 \text{ y } a_{ii} = 1$
- P¹ se calcula aplicando la regla:

```
Si p_{ij}^0 = 1 entonces
Sino
   p_{ij}^1 = p_{i1}^0 \cdot p_{ij}^0
Fin-Si.
```

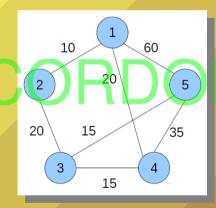
```
Warshall(A, N): //Time Analysis O(N³)
Begin
P ← A
For k \leftarrow 1 to N Do
  For i ← 1 to N Do
    For j ← 1 to N Do
      If P[i,j]=0 Then
        P[i,j]←P[i,k]*P[k,j]
      Fnd-Tf
    End-For
  End-For
End-For
End.
```

Alg. de Dijkstra.

Claves:

- Busca el camino mínimo desde un nodo al resto.
- Los pesos deben ser >=0.
- Es un algoritmo voraz: en cada iteración busca la mejor solución local.
- Usa tres vectores:
 - S: que indica los nodos visitados.
 - D: distancia mínima al nodo origen.
 - P: predecesor en el camino al nodo origen.
- Inicialmente S sólo marca el nodo inicial.
- En cada iteración:
 - Es seleccionado el nodo j no visitado (S[i]=0) cuya distancia D[j] al origen sea la menor.
 - Actualizar las distancias D y predecesores P en función del nuevo nodo j introducido en S.
- Terminar cuando todos los nodos estén en S.
- Complejidad: O(N²)

Ejemplo: Todos los caminos de desde el nodo 1.



Inic.	Iter1	Iter2	Iter3	Iter4
SDP	S D P	SDP	SDP	S D P
1 1 0 0	1 0 0	1 0 0	1 0 0	1 0 0
2 0 10 1	1 10 1	1 10 1	1 10 1	1 10 1
3 0 ∞ 0	0 30 2	0 30 2	1 30 2	1 30 2
4 0 20 1	0 20 1	1 20 1	1 20 1	1 20 1
5 0 60 1	0 60 1	0 55 4	0 45 3	1 45 3

¿Cómo obtengo el camino del nodo 1 al 5? $P[5]=3 \rightarrow P[3]=2 \rightarrow P[2] \rightarrow 1$

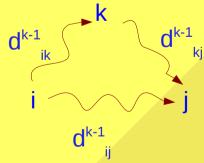
Alg. de Dijkstra (algoritmo)

```
Dijkstra(IN: W[N,N], start; OUT: D[N],P[N])
LOCAL: S[N], i, j, x, minD
Begin:
   S[start] <- 1
   For i From 1 To N Do
                                                        Inicializar distancias
      Dijl = W[start,i]
                                                        y predecesores.
                      RMATICA-
      Pijl = start
   End-For.
   For i From 1 To N-1 Do
      minD <- inf
      For j From 1 To N Do
                                                        Buscar siguiente
         If S[j]=0 And D[J]<=minD Then</pre>
                                                        nodo a visitar.
            minD <- D[j]
            x < -j
         End-If
      End-For
      S[x] <- 1
                                                         Actualizar
      For j From 1 To N Do
                                                         distancias y
         If S[j]=0 And D[j] > D[x]+W[x,j] Then
                                                         predecesores.
            D[j]=D[x]+W[x,j]
            P[i]=x
         End-If
      End-For
   End-For
End.
```

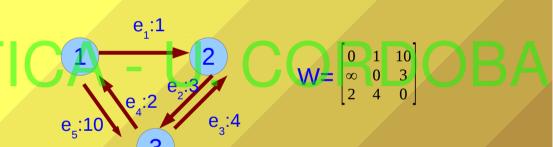
Alg. de Floyd.

Claves:

- Camino mímino para cualquier par de nodos.
- Generar W=D⁰ → D¹ → ...Dⁿ= D matriz distancia mínimas.
- d^k_{ij}=long. Camino más corto entre i,j con nodos
 - intermedios sólo en el conjunto $\{v_1, v_2, ..., v_k\}$
- D¹ se calcula a partir de D⁰ aplicando la regla: $d_{ij}^1 \leftarrow \min\{d_{ij}^0, d_{i1}^0 + d_{ij}^0\}$
- Complejidad: O(N³)



¿Cómo obtengo el camino entre dos nodos?



$$\begin{bmatrix} 0 & 1 & 10 \\ \infty & 0 & 3 \\ 2 & 4 & 0 \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \end{bmatrix}$$

$$\begin{bmatrix} 0 & 1 & 4 \\ \infty & 0 & 3 \\ 2 & 3 & 0 \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 0 & 0 & 2 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 \end{bmatrix}$$

$$D^{2}$$

$$\begin{bmatrix} 0 & 1 & 10 \\ \infty & 0 & 3 \\ 2 & 4 & 0 \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \end{bmatrix} \qquad \begin{bmatrix} 0 & 1 & 10 \\ \infty & 0 & 3 \\ 2 & 3 & 0 \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 \end{bmatrix}$$

$$D^{0} \qquad D^{1} \qquad D^{1}$$

$$\begin{bmatrix} 0 & 1 & 4 \\ \infty & 0 & 3 \\ 2 & 3 & 0 \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 0 & 0 & 2 \\ 0 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 \end{bmatrix} \qquad \begin{bmatrix} 0 & 1 & 4 \\ 5 & 0 & 3 \\ 2 & 3 & 0 \end{bmatrix} \begin{bmatrix} 0 & 0 & 2 \\ 3 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 \end{bmatrix}$$

$$D^{2} \qquad I^{2} \qquad D^{3} \qquad I^{3}$$

Alg. de Floyd.

```
Floyd(IN: W; OUT: D,I)
          Begin
DPTO RIMATICA - U. CORDOBA
           For i From 1 To N Do
              For j From 1 To N Do
               If D[i,k]+D[k,j]<D[i,j] Then</pre>
                 D[i,j] \leftarrow D[i,k]+D[k,j]
                 I[i,j] \leftarrow K
               End-If
             End-For
           End-For
          End-For
          End.
```

Recorrido en profundidad.

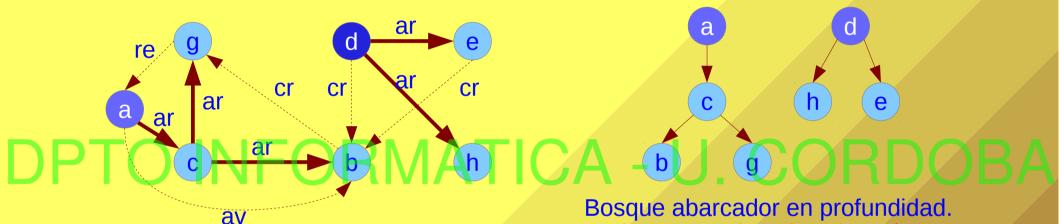
- Los nodos tienen un campo "visitado".
- Partimos de un nodo s.
- Recorremos de forma recursiva cada nodo conectado a s no visitado.
- En el recorrido forma un árbol abarcador.
- Podemos tener más de un árbol=bosque.

```
G::scan(v, F) //Versión recursiva
Begin
  mark v as visited.
  F(v)
  For each node u adjacent to v Do
        If not u is visited then
        scan(u, F)
        End-If
        End-For
End.
```

```
DepthFirst(G,F)
Begin
  G.resetNodes()
  For each node v not visited Do
    G.scan(v, F)
  End-For
End.
```

```
G::scan(v, F) //Versión iterativa
Begin
  Stack S
  S.insert(v)
  While not S.empty() Do
    v \leftarrow S.top()
    If v.isVisited() Then
      S.remove()
    Else
      v.setVisited()
      F(v)
      For each node u adjacent to v Do
        If not u is visited then
         S.insert(u)
        End-If
      End-For
    End-If
  End-While
End.
```

Recorrido en profundidad.



Orden de recorrido: 1:a 2:c 3:g 4:b 5:d 6:h 7:e

Los nodos n descendientes de n1 cumplen:

o(n1) < o(n) < = o(n1) + d(n1)

Tipos de lados para grafos dirigidos:

- Del árbol abarcador.
- (n1,n2) es de avance si: o(n1)<o(n2)<=o(n1)+d(n1)
- (n2,n1) es de retroceso si: o(n1)<o(n2)<=o(n1)+d(n1)

Nota importante: en el caso de que haya más de una

elección posible, **no** hay un orden predefinido

(n1,n2) es cruzado si: o(n1)>o(n2)+d(n2).

Tipos de lados para grafos no dirigidos:

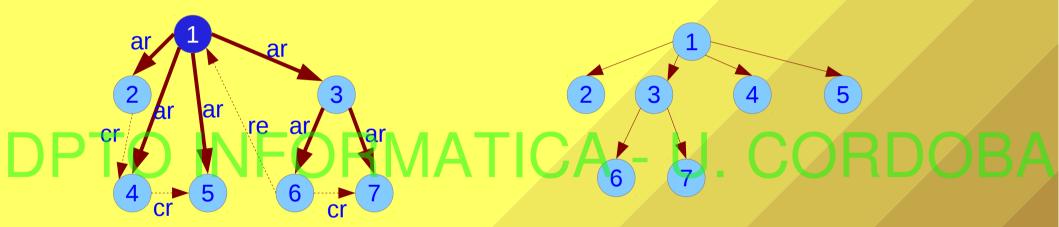
- Del árbol.
- De avance/retroceso.

Recorrido en amplitud.

- Partimos de un nodo s.
- Recorremos el grafo aumentando en cada iteración en 1 la distancia de los nuevos nodos visitados.
- Se utiliza una cola FIFO para guiar el recorrido.
- El recorrido forma un árbol abarcador.
- Podemos tener más de un árbol=bosque.

```
BreadthFirst(G,F)
Begin
  G.resetNodes()
  s <- G.firstNode()</pre>
 手(s)
  s.setVisited()
  Queue.insert(s)
  While not Queue.isEmpty() Do
    s <- queue.front()</pre>
    queue.removeFront()
    For each n adjacent to s Do
      If not n.isVisited() Then
        F(n)
        n.setVisited()
        queue.insert(n)
      End-If
    End-For
  End-While
End.
```

Recorrido en amplitud.



Orden de recorrido: 1 2 3 4 5 6 7

Árbol abarcador en amplitud.

Tipos de lados para grafos dirigidos:

- Del árbol abarcador.
- (n2,n1) es de retroceso si: o(n1)<o(n2)<=o(n1)+d(n1)
- (n1,n2) es cruzado si: o(n1)>o(n2)+d(n2).

Tipos de lados para grafos no dirigidos:

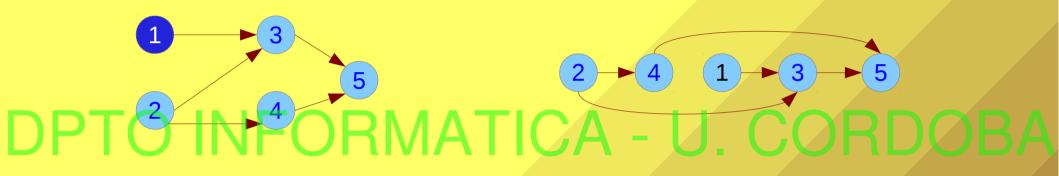
- Del árbol.
- Cruzados.

Ordenación topológica.

- Se aplica a GDA.
- Ejemplo: grafo de proyecto (PERT):
 - Cada nodo es una tarea.
 - Un lado (n1,n2) indica que la tarea n1 es un prerrequisito para la tarea n2.
- La ordenación topológica es un recorrido en orden de los nodos respetando los prerrequisitos.
- Se implementa con una modificación del recorrido en profundidad, procesando el nodo después de la llamada recursiva.
- Complejidad O(N²)

```
TopologicalSorting(G, S, F)
Begin
  G.resetNodes()
  For each node s not visited Do
    G.scan(s, F)
  End-For
End.
G::Scan(s, F)CORDOB
Begin
  mark s as visited.
  For each node w adjacent to s Do
    If not w.isVisited() then
      Scan(w, F)
    Fnd-Tf
  End-For
  F(s)
End.
Functor::operator (n)
Begin
   list.insertFront(n)
End.
```

Ordenación topológica.



Orden de procesamiento:

53142

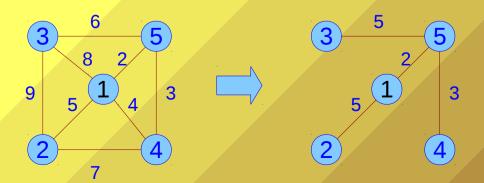
Ordenación topológica:

24135

Árbol abarcador mínimo

Conceptos:

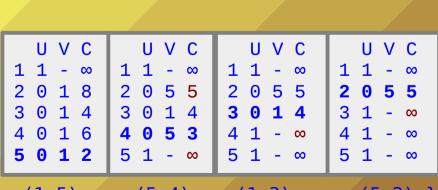
- Se aplica a grafos conexos no dirigidos.
- Problema: encontrar el subgrafo conexo que enlaza todos los nodos concoste mínimo.
- Propiedad explotada: Si un grafo G se puede dividir en en dos subgrafos U y G-U, el lado de coste mínimo que une estos subgrafos pertenece al AAM.
 - Un AAM con N nodos tendrá N-1 lados (no tiene ciclos).
 - Puede existir más de una solución.



Árbol abarcador mínimo

Algoritmo de Prim:

- Inicializa los conjuntos U:{1} y N-U: {2,...,N}
- Repetir N-1 veces:
 - ◆ Aplicar propiedad AAM: buscar lado
 - (i,j) con $i \in U$, $j \in N$ -U con menor coste.
 - Introduce nodo j en U.
- Para reducir la complejidad de la búsqueda del lado se usan dos vectores:
 - V[i]=j: nodo j∈U más cercano al nodo i∈N-U.
 - → C[i]: coste del lado (i,V[i]).
- Complejidad: O(N²)



 $L:\{ (1,5), (5,4), (1,3), (5,2) \}$

Árbol abarcador mínimo

Algoritmo de Kruskal:

- Inicial: cada nodo representa una subgrafo.
- Crear lista ordenada de todos los lados de menor a mayor coste.
- Selecciona el lado de menor coste que une dos subgrafos distintos siguiendo el orden creciente de la lista.
- Ahora estos dos subgrafos forman un único subgrafo.
- Repetir hasta que quede un sólo subgrafo.
- Complejidad: O(mLog₂m)
- Más eficiente que Prim para grafos poco densos.



L:{(1,5), (4,5), (1,4), **(1,3)**, L:{(1 (2,5), (3,4), (1,2), (2,3)} **(2,5)**

3

L:{(1,5), (4,5), (1,4), (1,3), (2,5), (3,4), (1,2), (2,3)}

Referencias

- Lecturas recomendadas:
 - Apuntes de la asignatura (moodle).
 - Caps. 14, 15 y 16 de "Estructuras de Datos", A.
 - Carmona y otros. U. de Córdoba. 1999.