

Procesamiento de Señales II

Ciencia de Datos II

Clustering

Dr. José Ramón Iglesias

DSP-ASIC BUILDER GROUP
Director Semillero TRIAC
Ingeniería Electronica
Universidad Popular del Cesar

Clustering Conglomerados

**“Clasificación” NO
supervisada**

Mapa de Ruta

1. Intuición general de clustering
2. Conocimiento de los Datos e Información Relevante al problema
3. Importancia del conocimiento de dominio
4. Similaridad y/o Distancia entre datos
5. Algoritmos de agrupamiento
6. Evaluación de resultados: Visualización, Medidas y relevancia: utilidad o impacto

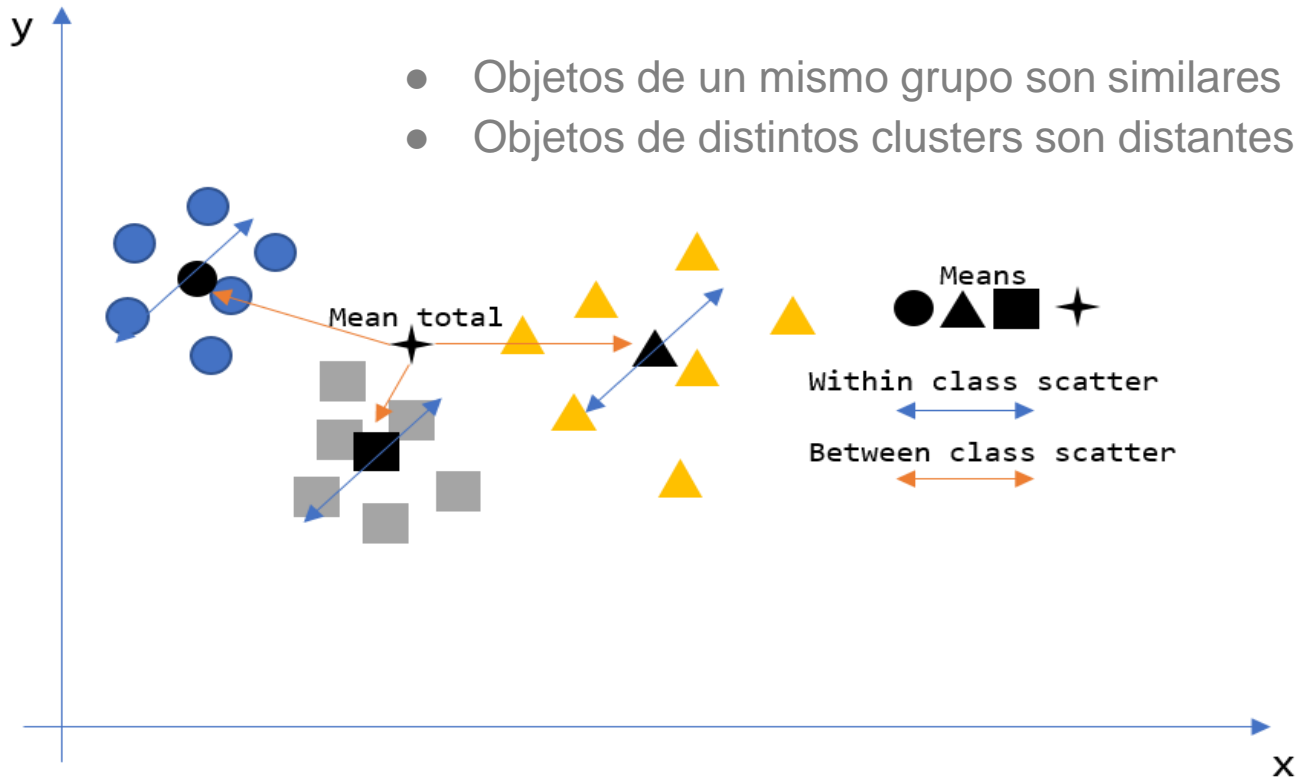
Clustering o agrupamiento

Agrupar objetos semejantes, parecidos

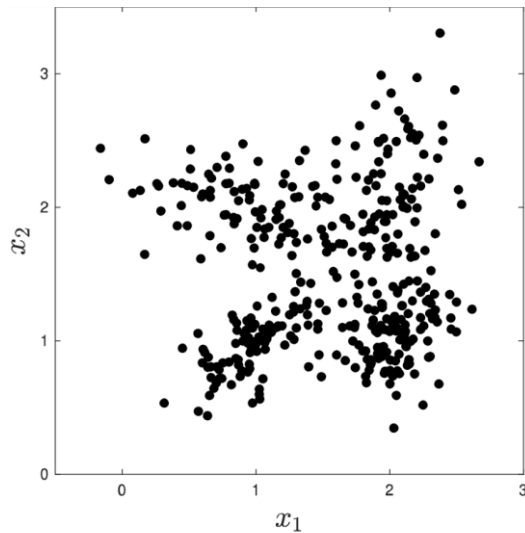
- Entrada: n objetos o individuos en un espacio m -dimensional:
 X en $\mathbb{R}^{n \times m}$, cada fila representa un objeto (vector con m valores)
- Salida: una **solución** con conglomerados (**clusters**) de objetos semejantes (semejantes \rightarrow cercanos en el espacio o similares)
 - Se minimiza la distancia entre los objetos de un mismo conglomerado
 - Se maximiza la distancia entre los objetos de distintos conglomerados

Cómo funciona clustering

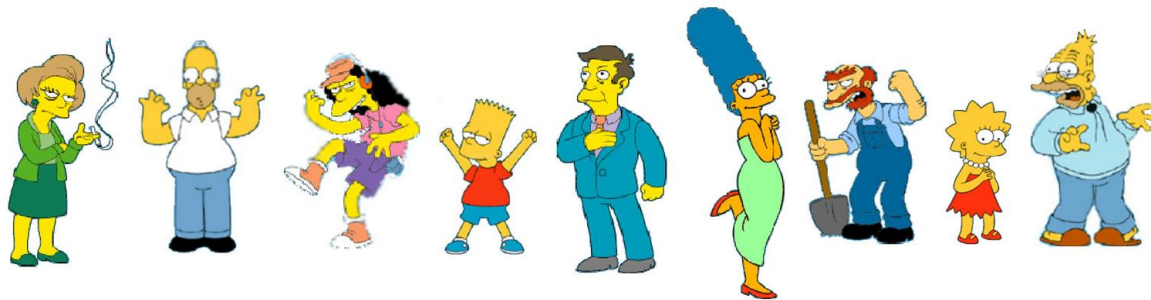
- Objetos de un mismo grupo son similares
- Objetos de distintos clusters son distantes o distintos



Mis Datos...



(a)



- ❖ ¿Cómo es el espacio? ¿Cómo represento mis problemas?
- ❖ ¿Cómo se calcula la distancia (semejanza) en este espacio?

Pre-procesamiento

Para atributos continuos:

- Para evitar que unas variables dominen sobre otras los valores de los atributos se escalan o estandarizan a priori
- `sklearn.preprocessing`: Preprocessing and Normalization
 - **StandardScaler** (z-score), c/variable o columna de media 0 y varianza 1
 - **MinMaxScaler**, por variable
- En algunas aplicaciones conviene normalizar por fila
 - **normalize** (por defecto por fila, c/vector de norma 1, unitario)

Notar que estamos haciendo una transformación de los datos-> Embedding ! Eh??!!

Pre-procesamiento

- ❖ Atributos categoricos
 - encoding mediante transformaciones
 - <https://scikit-learn.org/stable/modules/preprocessing.html#preprocessing-categorical-features>

Transformación de los datos-> Embedding

Distancias: datos continuos

- ❖ Euclídea
- ❖ Distancia de Manhattan
- ❖ Distancia de mahalanobis
- ❖ “distancia” del Coseno → primero normalizado por longitud de cada vector/fila,
- ❖ Similitud del coseno: considera el producto punto entre vectores, es alta cuando están alineados

Distancia Euclídea

$$\underline{x}=(x_1,x_2,\dots,x_m)$$

$$\underline{y}=(y_1,y_2,\dots,y_m)$$

$$\begin{aligned}d(\underline{x},\underline{y})&=[(\underline{x}-\underline{y})'(\underline{x}-\underline{y})]^{(\frac{1}{2})}\\&=[(x_1-y_1)^2+(x_2-y_2)^2+\dots+(x_m-y_m)^2]^{(\frac{1}{2})}\end{aligned}$$

$$\underline{x}=(2,2,1)$$

$$\underline{y}=(1,2,1)$$

$$\underline{w}=(8,8,4)$$

$$d(\underline{x},\underline{y})=1=[(2-1)^2+(2-2)^2+(1-1)^2]^{(\frac{1}{2})}$$

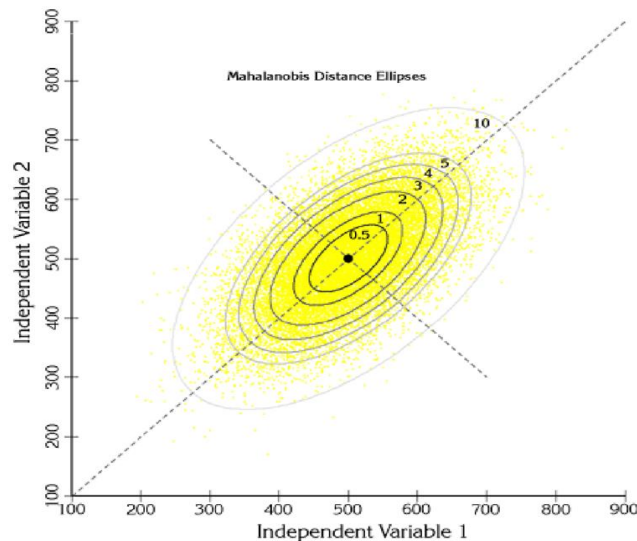
$$d(\underline{x},\underline{w})=9=[(8-2)^2+(8-2)^2+(4-1)^2]^{(\frac{1}{2})}$$

Distancias: datos continuos

Distancia de Mahalanobis

$$d(\vec{x}, \vec{y}) = \sqrt{(\vec{x} - \vec{y})^T \Sigma^{-1} (\vec{x} - \vec{y})}.$$

- Considera las correlaciones entre variables.
- No depende de la escala de medida.



Distancias: datos continuos

Distancia de Minkowski

$$d_r(x, y) = \left(\sum_{j=1}^J |x_j - y_j|^r \right)^{\frac{1}{r}}, \quad r \geq 1$$

- Distancia de Manhattan (r=1) / city block / taxicab

$$d_1(x, y) = \sum_{j=1}^J |x_j - y_j|$$

- Distancia euclídea (r=2):

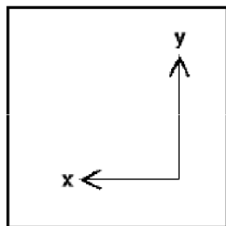
$$d_2(x, y) = \sqrt{\sum_{j=1}^J (x_j - y_j)^2}$$

- Distancia de Chebyshev (r→∞) / dominio / chessboard

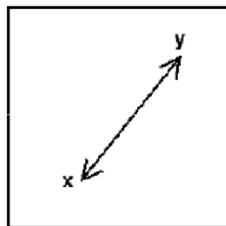
$$d_\infty(x, y) = \max_{j=1..J} |x_j - y_j|$$

Distancias: datos continuos

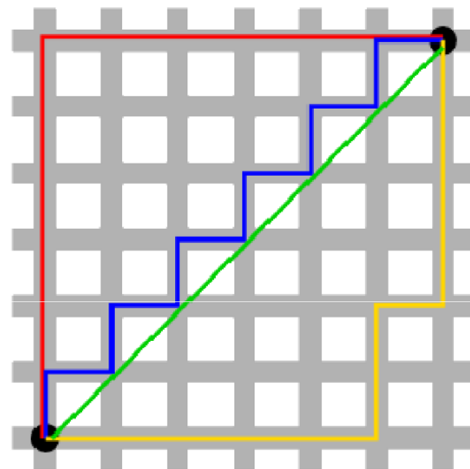
Distancia de Minkowski



Manhattan



Euclidean



- Distancia de Manhattan = 12
- Distancia euclídea ≈ 8.5
- Distancia de Chebyshev = 6

(roja, azul o amarilla)

(verde - continua)


(verde - discreta)

Distancias: datos continuos

Distancia de Chebyshev

$$d_{\infty}(x, y) = \max_{j=1..J} |x_j - y_j|$$

También conocida como distancia de tablero de ajedrez (chessboard distance):
Número de movimientos que el rey ha de hacer para llegar de una casilla a otra en un tablero de ajedrez.

	a	b	c	d	e	f	g	h
8	5	4	3	2	2	2	2	2
7	5	4	3	2	1	1	1	2
6	5	4	3	2	1		1	2
5	5	4	3	2	1	1	1	2
4	5	4	3	2	2	2	2	2
3	5	4	3	3	3	3	3	3
2	5	4	4	4	4	4	4	4
1	5	5	5	5	5	5	5	5
	a	b	c	d	e	f	g	h

Distancias: datos discretos

Distancia de edición = Distancia de Levenshtein

Número de operaciones necesario
para transformar una cadena en otra.

$d(\text{"data mining"}, \text{"data minino"}) = 1$

$d(\text{"efecto"}, \text{"defecto"}) = 1$

$d(\text{"poda"}, \text{"boda"}) = 1$

$d(\text{"night"}, \text{"natch"}) = d(\text{"natch"}, \text{"noche"}) = 1$

Aplicaciones: Correctores ortográficos, reconocimiento de voz,
detección de plagios, análisis de ADN...

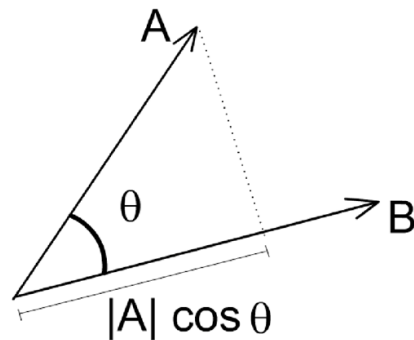
Para datos binarios: Distancia de Hamming

Similaridades

Medidas de correlación

- Producto escalar

$$S.(x, y) = x \cdot y = \sum_{j=1}^J x_j y_j$$



- "Cosine similarity"

$$\cos(\vec{x}, \vec{y}) = \sum_i \frac{x_i \cdot y_i}{\sqrt{\sum_i x_i^2} \cdot \sqrt{\sum_i y_i^2}}$$

- Coeficiente de Tanimoto

$$s(\vec{X}, \vec{Y}) = \frac{\vec{X}^t \cdot \vec{Y}}{\vec{X}^t \cdot \vec{X} + \vec{Y}^t \cdot \vec{Y} - \vec{X}^t \cdot \vec{Y}},$$

Similaridad vs Distancia

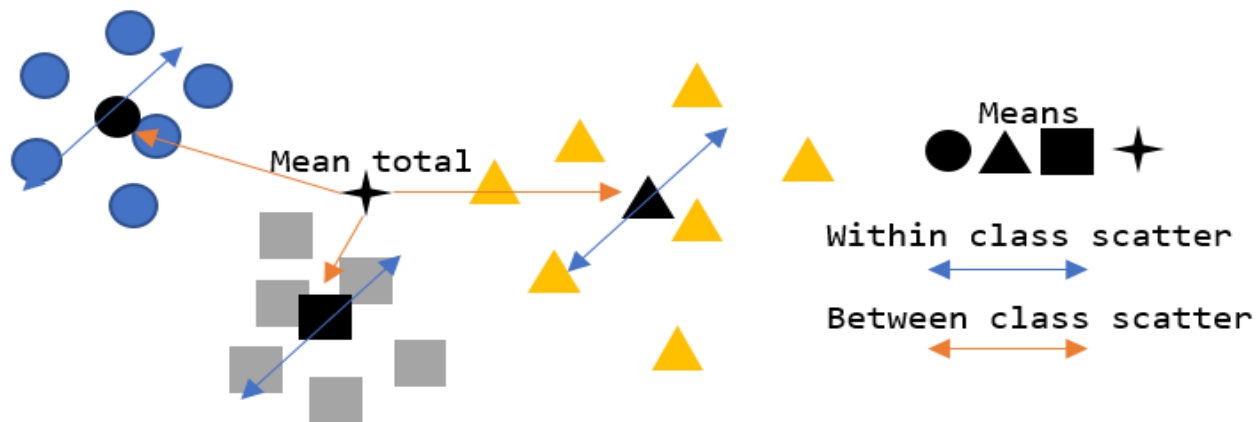
❖ ¿Cuál es la diferencia?

Algoritmos de clustering

- ❖ k-Medias, PAM/CLARA/CLARANS
- ❖ Mezcla de gaussianas (GMM) , MeanShift
- ❖ DBSCAN, Optics, DenClue
- ❖ Clustering jerárquico
 - Ward, Diana/Agnes, BIRCH, CURE, Chameleon, ROCK

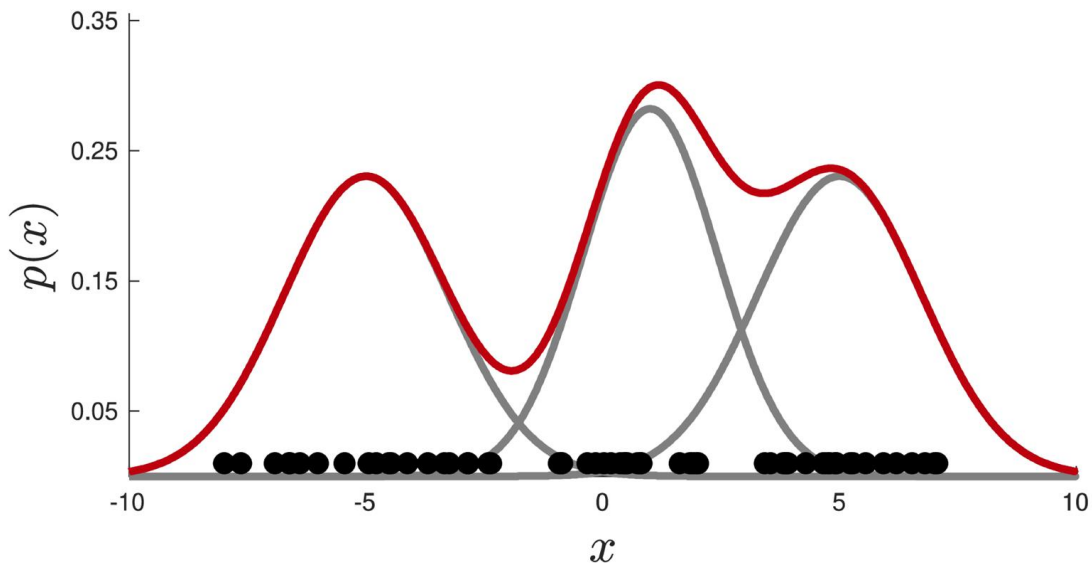
K-means

- Particiona usando distancia a k centroides (k-medias)

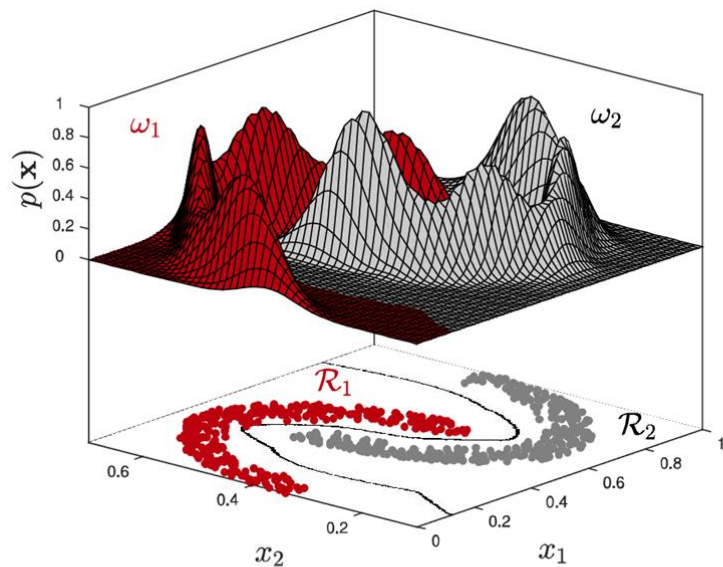


Mezcla de Gaussianas (GMM)

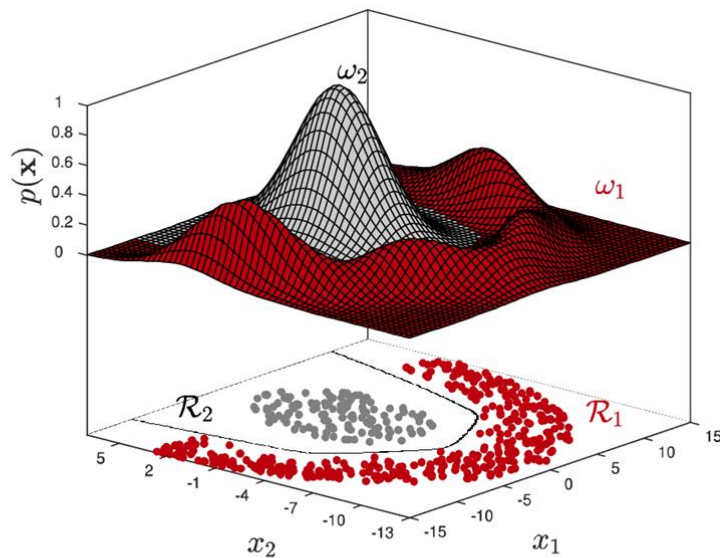
- ❖ Supongamos tener alguna información
 - Datos numéricos (reales),
 - producidos por una densidad mezcla de Gaussianas,



Mezcla de Gaussianas



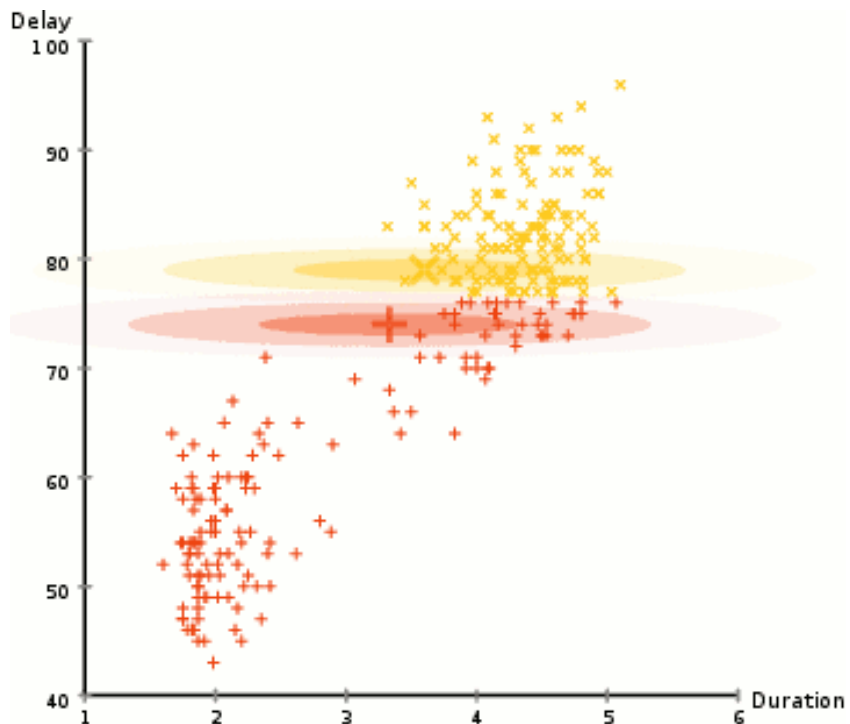
(a)



(b)

Como funciona el GMM?

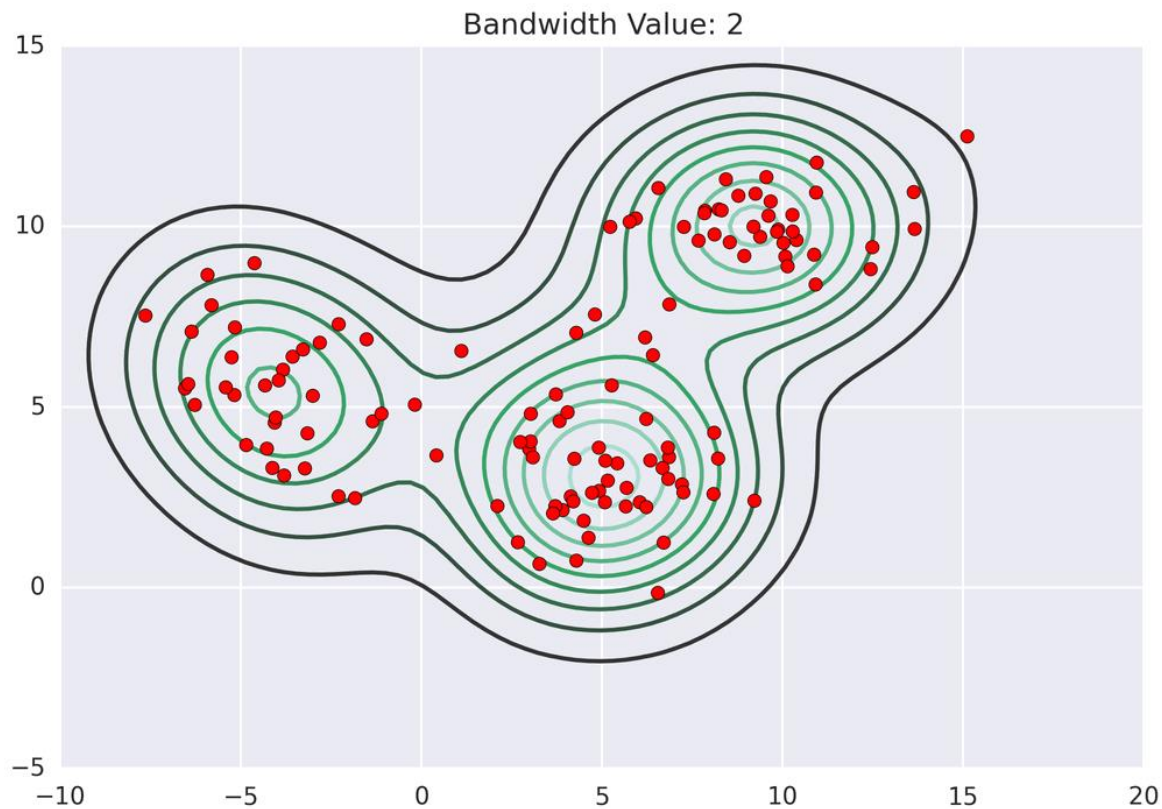
- ❖ Comenzamos con una partición aleatoria de la cual se sacan los parámetros de inicio y desde allí se itera



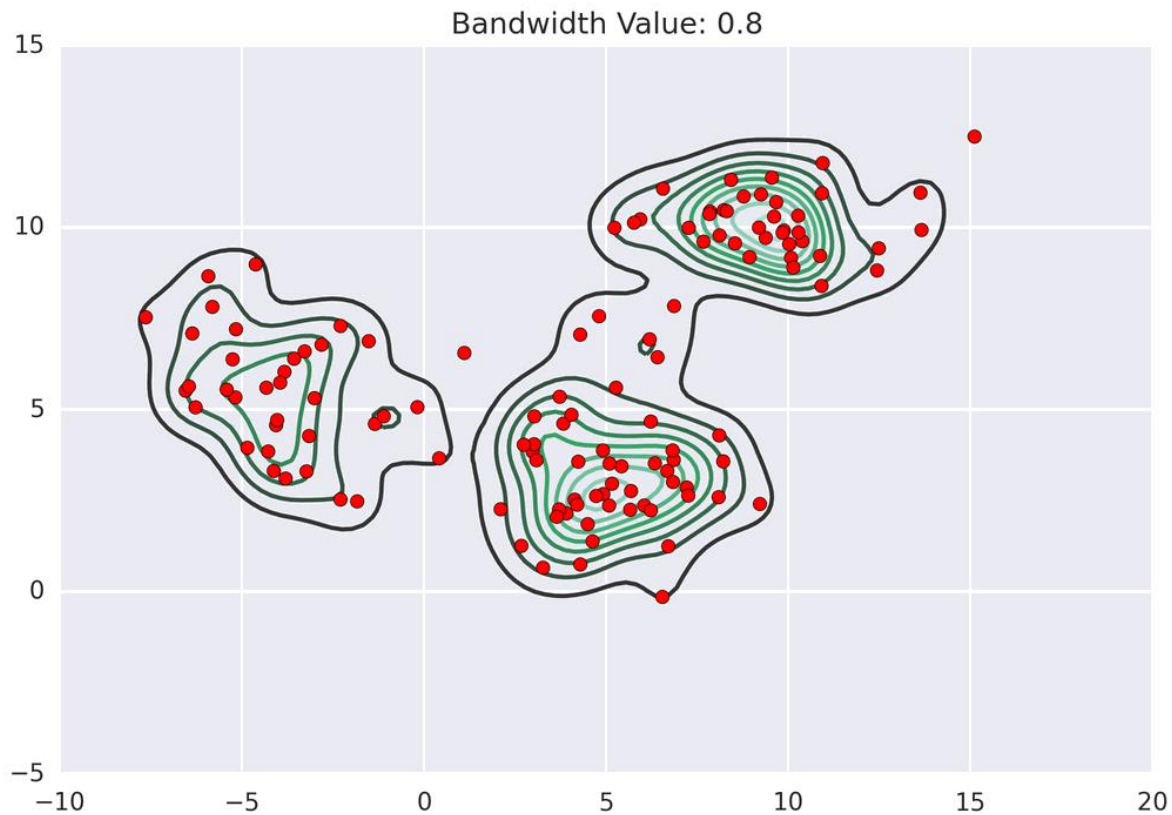
Mean Shift Algorithm

- ❖ Parámetro **bandwidth** debe ser fijado a priori, le define un entorno de influencia o cercanía a cada dato y media móvil.
 - el algoritmo se define inicializado con cada dato, considera el entorno de cercanía de este y calcula la media de los datos de ese entorno, el dato se cambia por esa media y se repite el algoritmo de forma iterativa hasta converger.
- ❖ El parámetro h también se utiliza para definir un kernel de densidad
 - Intuitivamente se suman esas densidades y se encuentran los centros o regiones más densos y la cantidad de estas.

Mean Shift Algorithm



Mean Shift Algorithm



Mean Shift Algorithm

- ❖ Parámetro bandwidth fijado a priori.
- ❖ Puede ser estimado utilizando la teoría no paramétrica, dependiendo de que kernel se use.
- ❖ Note_fig4.ipynb tiene un ejemplo de Mean Shift automático
- ❖ (No tiene sentido usar medidas de bondad de ajuste BIC o AIC pues no se está fijando un modelo paramétrico)

Notebook

Demo CIED04_clustering_2_fifa2019.ipynb

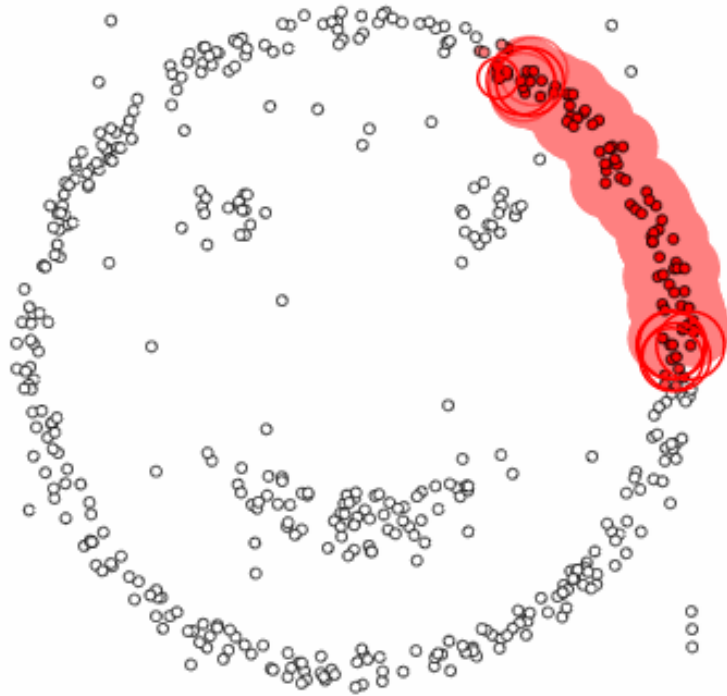
Dbscan

- ❖ Hay dos parámetros en este algoritmo: **min_samples** y **eps**, donde min_samples son los datos mínimos requeridos en un entorno de radio eps, los cuales definen la noción de zona densa.
- ❖ Un cluster es un conjunto de puntos de núcleo cercanos unos con otros, junto a un conjunto de puntos no núcleo que están cercanos a algún punto de núcleo.

Dbscan

- ❖ El algoritmo empieza con una muestra aleatoria y encuentra todos los puntos en el entorno de radio ϵ .
- ❖ Si el número de puntos es mayor a min_number se etiqueta ese punto como un punto de núcleo, si no es un punto outlier.

DbSCAN



epsilon = 1.00
minPoints = 4

Restart

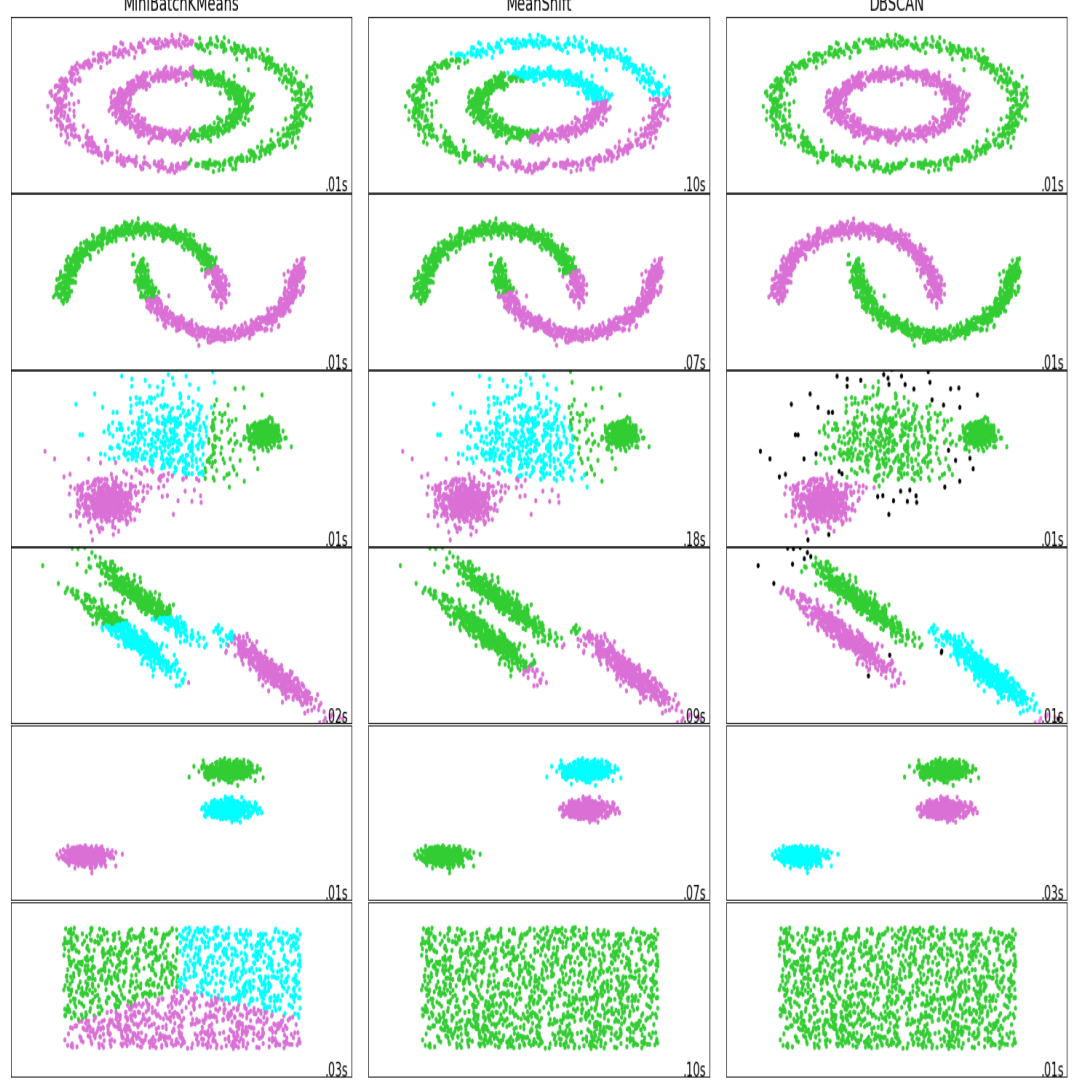


Pause

Dbscan

- ❖ Todos los puntos del entorno se etiquetan como puntos no núcleo de cluster. Se realiza el mismo procedimiento para cada uno de ellos, cambiando a punto con su etiqueta y agregando nuevos puntos, o marcando outliers.
- ❖ Si no hay más puntos en un entorno ϵ de cada punto del cluster, se salta a otro punto aleatoriamente y se continúa hasta que todo punto es bien un punto de cluster o un outlier.

note_fig8.ipynb



Clustering jerárquico

Si no queremos especificar k...

Algoritmos jerárquicos que generan una

taxonomía jerárquica de clusters (dendrograma)

- Interpretación más rica
- Más difícil de interpretar
- El corte del árbol tiene que ser ortogonal

