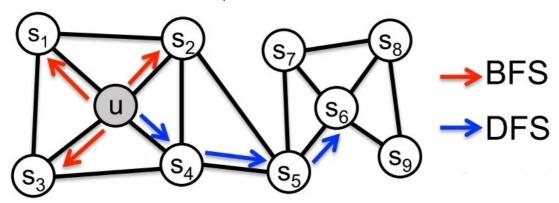
# 【Graph Embedding】node2vec-算法原理,实现和应用

沈伟臣 浅梦的学习笔记 2019-11-19

之前介绍过基于DFS邻域的DeepWalk和基于BFS邻域的LINE。



DeepWalk: 算法原理, 实现和应用

LINE: 算法原理, 实现和应用

node2vec是一种综合考虑DFS邻域和BFS邻域的graph embedding方法。简单来说,可以看作是deepwalk的一种扩展,是结合了DFS和BFS随机游走的deepwalk。

### nodo2vec 算法原理

### 优化目标

设 f(u)是将顶点 u 映射为embedding向量的映射函数,对于图中每个顶点 u ,定义  $N_S(u)$ 为通过采样策略 S采样出的顶点 u 的近邻顶点集合。

node2vec优化的目标是给定每个顶点条件下,令其近邻顶点(**如何定义近邻顶点很重要**)出现的概率最大。

$$max_f \sum_{u \in V} \log Pr(N_S(U)|f(u))$$

为了将上述最优化问题可解,文章提出两个假设:

• 条件独立性假设

假设给定源顶点下,其近邻顶点出现的概率与近邻集合中其余顶点无关。

$$Pr(N_s(u)|f(u)) = \prod_{n_i \in N_s(u)} Pr(n_i|f(u))$$

• 特征空间对称性假设

这里是说一个顶点作为源顶点和作为近邻顶点的时候**共享同一套embedding向量**。(对比LINE中的 2阶相似度,一个顶点作为源点和近邻点的时候是拥有不同的embedding向量的)在这个假设下,上述条件概率公式可表示为:

$$Pr(n_i|f(u)) = rac{\exp f(n_i) \cdot f(u)}{\sum_{v \in V} \exp f(v) \cdot f(u)}$$

根据以上两个假设条件,最终的目标函数表示为:

$$max_f {\displaystyle \sum_{u \in V}} [-\log Z_u + \sum_{n_i \in N_s(u)} f(n_i) \cdot f(u)]$$

由于归一化因子:

$$Z_u = \sum_{n_i \in N_s(u)} \exp(f(n_i) \cdot f(u))$$
 的计算代价高,所以采用负采样技术优化。

# 顶点序列采样策略

node2vec依然采用随机游走的方式获取顶点的近邻序列,不同的是node2vec采用的是一种有偏的随机游走。

给定当前顶点 v, 访问下一个顶点 x的概率为:

$$P(c_i = x | c_{i-1} = v) = egin{cases} rac{\pi_{vx}}{Z} & ext{if } (v, x) \in E \\ 0 & ext{otherwise} \end{cases}$$

 $\pi_{vx}$ 是顶点 v和顶点x之间的未归一化转移概率,z是归一化常数。

node2vec引入两个超参数 p和q来控制随机游走的策略,假设当前随机游走经过边 (t,v)到达顶点 v设  $\pi_{vx}=lpha_{pq}(t,x)\cdot w_{vx}$  ,  $w_{vx}$ 是顶点 v和x之间的边权,

$$lpha_{pq}(t,x) = egin{cases} rac{1}{p} = & ext{if } d_{tx} = 0 \ 1 = & ext{if } d_{tx} = 1 \ rac{1}{q} = & ext{if } d_{tx} = 2 \end{cases}$$

 $d_{tx}$  为顶点 t 和顶点 x 之间的最短路径距离。

下面讨论超参数p和 q对游走策略的影响

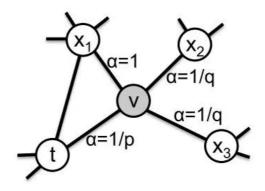
Return parameter,p

参数p控制重复访问刚刚访问过的顶点的概率。注意到p仅作用于  $d_{tx}=0$ 的情况,而  $d_{tx}=0$ 表示顶点x就是访问当前顶点 v之前刚刚访问过的顶点。那么若 p较高,则访问刚刚访问过的顶点的概率会变低,反之变高。

In-out papameter,q

q控制着游走是向外还是向内,若q>1,随机游走倾向于访问和t接近的顶点(偏向BFS)。若 q<1,倾向于访问远离t的顶点(偏向DFS)。

下面的图描述的是当从t访问到v时,决定下一个访问顶点时每个顶点对应的 $\alpha$ 。



### 学习算法

采样完顶点序列后,剩下的步骤就和deepwalk一样了,用word2vec去学习顶点的embedding向量。值得注意的是node2vecWalk中不再是随机抽取邻接点,而是按概率抽取,node2vec采用了Alias算法进行顶点采样。

Alias Method:时间复杂度O(1)的离散采样方法 https://zhuanlan.zhihu.com/p/54867139

# node2vec核心代码

# Algorithm 1 The node2vec algorithm.

```
LearnFeatures (Graph G = (V, E, W), Dimensions d, Walks per
   node r, Walk length l, Context size k, Return p, In-out q)
   \pi = \text{PreprocessModifiedWeights}(G, p, q)
   G' = (V, E, \pi)
   Initialize walks to Empty
   for iter = 1 to r do
     for all nodes u \in V do
        walk = node2vecWalk(G', u, l)
        Append walk to walks
   f = StochasticGradientDescent(k, d, walks)
   return f
node2vecWalk (Graph G' = (V, E, \pi), Start node u, Length l)
   Initialize walk to [u]
   for walk iter = 1 to l do
     curr = walk[-1]
     V_{curr} = \text{GetNeighbors}(curr, G')
     s = \text{AliasSample}(V_{curr}, \pi)
     Append s to walk
   return walk
```

#### node2vecWalk

通过上面的伪代码可以看到,node2vec和deepwalk非常类似,主要区别在于顶点序列的采样策略不同,所以这里我们主要关注**node2vecWalk**的实现。

由于采样时需要考虑前面2步访问过的顶点,所以当访问序列中只有1个顶点时,直接使用当前顶点和邻居顶点之间的边权作为采样依据。当序列多余2个顶点时,使用文章提到的有偏采样。

构造采样表

preprocess\_transition\_probs 分别生成 alias\_nodes 和 alias\_edges , alias\_nodes 存储着在每个顶点时决定下一次访问其邻接点时需要的alias表(**不考虑当前顶点之前访问的顶点**)。 alias\_edges 存储着在前一个访问顶点为t,当前顶点为 v 时决定下一次访问哪个邻接点时需要的alias表。

get\_alias\_edge 方法返回的是在上一次访问顶点  ${f t}$ ,当前访问顶点为 ${f v}$ 时到下一个顶点 ${f x}$ 的未归一化转移概率:

```
\pi_{vx} = lpha_{pq}(t,x) \cdot w_{vx}
```

```
def get_alias_edge(self, t, v):
   G = self.G
    p = self.p
    q = self.q
    unnormalized_probs = []
    for x in G.neighbors(v):
        weight = G[v][x].get('weight', 1.0)# w vx
        if x == t:# d_tx == 0
            unnormalized probs.append(weight/p)
        elif G.has edge(x, t):# d tx == 1
            unnormalized_probs.append(weight)
        else:# d tx == 2
            unnormalized_probs.append(weight/q)
    norm const = sum(unnormalized probs)
    normalized_probs = [float(u_prob)/norm_const for u_prob in unnormalize
    return create_alias_table(normalized_probs)def preprocess_transition_p
    G = self.G
    alias nodes = {}
    for node in G.nodes():
        unnormalized_probs = [G[node][nbr].get('weight', 1.0) for nbr in G
        norm const = sum(unnormalized probs)
        normalized_probs = [float(u_prob)/norm_const for u_prob in unnorma
        alias_nodes[node] = create_alias_table(normalized_probs)
    alias edges = {}
```

```
for edge in G.edges():
    alias_edges[edge] = self.get_alias_edge(edge[0], edge[1])
self.alias_nodes = alias_nodes
self.alias_edges = alias_edges
return
```

# node2vec应用

使用node2vec在wiki数据集上进行节点分类任务和可视化任务。wiki数据集包含 2,405 个网页和 17,981条网页之间的链接关系,以及每个网页的所属类别。通过简单的超参搜索,这里使用 p=0.25,q=4的设置。

本例中的训练,评测和可视化的完整代码在下面的git仓库中:

shenweichen/GraphEmbedding

https://github.com/shenweichen/GraphEmbedding

```
G = nx.read_edgelist('../data/wiki/Wiki_edgelist.txt',create_using=nx.DiGr
model = Node2Vec(G,walk_length=10,num_walks=80,p=0.25,q=4,workers=1)
model.train(window_size=5,iter=3)
embeddings = model.get_embeddings()
evaluate_embeddings(embeddings)
plot_embeddings(embeddings)
```

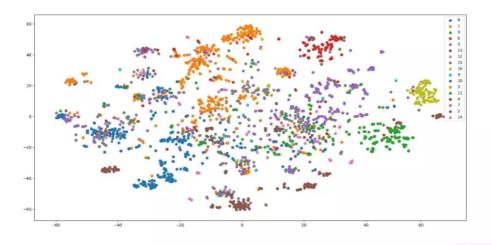
# 分类任务

micro-F1: 0.6757 macro-F1: 0.5917

这个结果相比于DeepWalk和LINE是有提升的。

### 可视化

这个结果相比于DeepWalk和LINE可以看到不同类别的分布更加分散了。



# 参考资料

 Grover A, Leskovec J. node2vec: Scalable Feature Learning for Networks[C]// Acm Sigkdd International Conference on Knowledge Discovery & Data Mining. 2016. https://www.kdd.org/kdd2016/papers/files/rfp0218-groverA.pdf

想了解更多关于GraphEmbedding的内容,欢迎关注公众号**浅梦的学习笔记**,回复"加群"可以一起参与讨论交流!