# "Introducción a la Estadística, Probabilidad e Inferencia"

Maestría en Estadística Aplicada
Facultad de Ciencias Económicas y Estadística
UNR

#### Introducción a R

- ¿Qué es R? ¿Dónde se consigue?
- ¿Cómo se trabaja en R? Primeros pasos. Ayuda y Paquetes.
- Objetos. Tipo, modo y atributos. Estructuras.
- Manipulación, lectura y grabación de datos.

### ¿Qué es R?

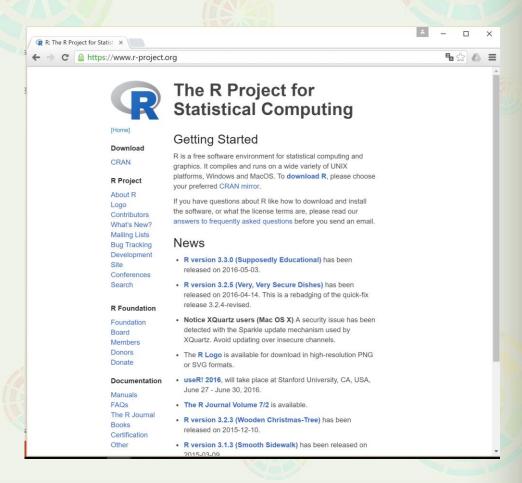
- R es un entorno de programación, análisis estadístico y software gráfico derivado del lenguaje de programación S (Becker, Chambers y Wilks, 1988; Chambers, 1998; Chambers y Hastie, 1992; Venables y Ripley, 2000).
- R es un software libre que se alimenta y crece con los trabajos de investigadores provenientes de prácticamente todas las ramas del conocimiento.
- Este software se difundió rápidamente y su expansión es irrefrenable.

### ¿Qué es R?

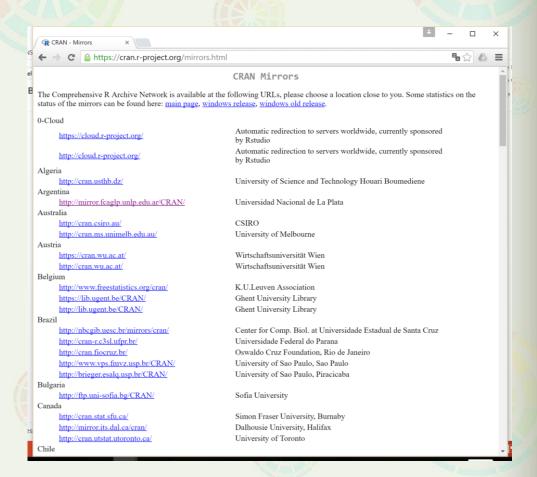
R integra una multitud de paquetes cuya continua incorporación al entorno incrementan su capacidad y versatilidad.

- R dispone de funciones básicas relacionadas con los análisis descriptivos de datos y de los modelos más complejos y actuales concernientes con los últimos avances en el campo de la estadística, la econometría o el análisis de datos en áreas como psicología, economía, sociología, biología, medicina, informática, etc.
- Aparte de las capacidades de análisis estadístico, R es un potentísimo generador de gráficos.

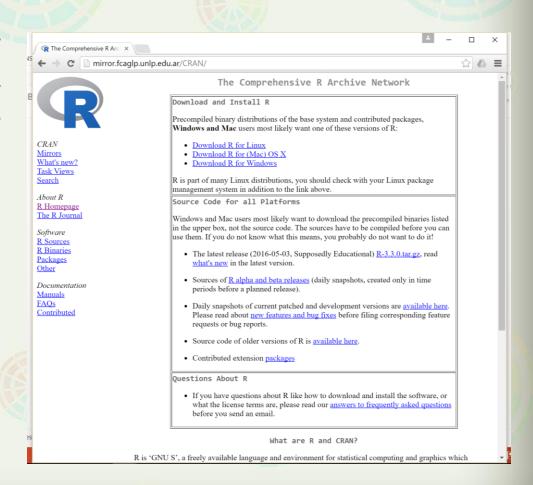
El archivo de instalación se encuentra en la página <a href="http://www.r-project.org">http://www.r-project.org</a>



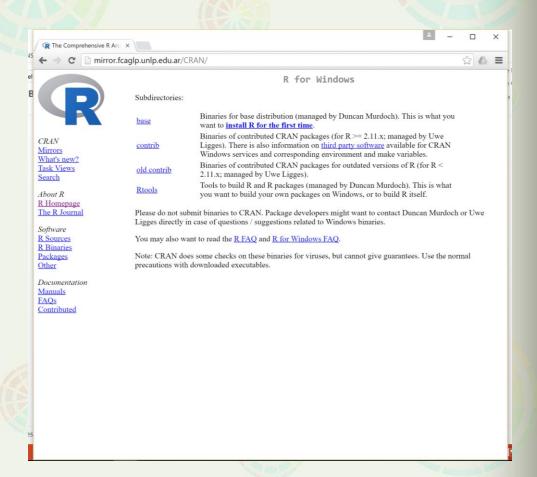
Al hacer click en download, la página redirecciona a otra en donde se listan todos los URL donde se puede descargar R.



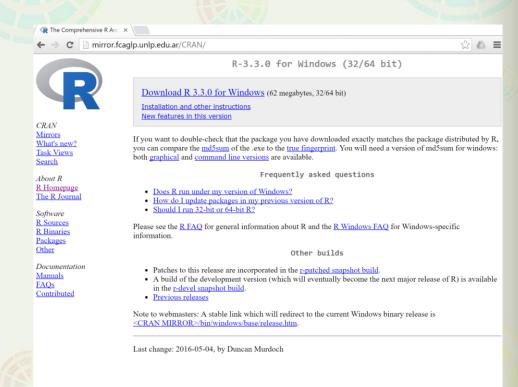
En la siguiente página se debe elegir la plataforma adecuada (Linux, MacOS X, Windows).



Se accede a la siguiente pantalla en la que debe seleccionarse la opción base.

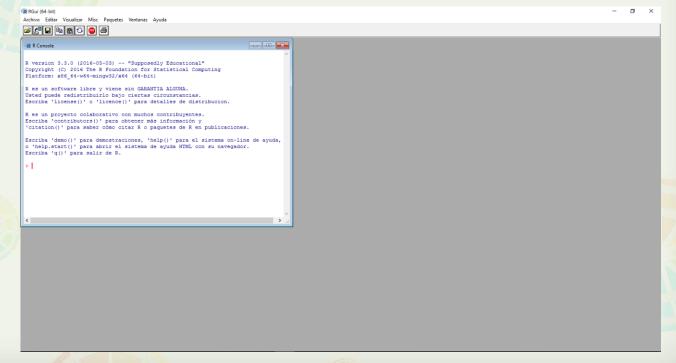


Finalmente se accede a la pagina desde la que se descarga la versión base de R.



Al ejecutar R, aparece una pantalla llamada consola de R. En la misma puede comprobarse la versión instalada. Además muestra el símbolo del sistema o prompt en color que indica que R está listo para recibir

comandos.



- La interfaz de R provee escasas opciones. R no dispone de menús desplegables para el análisis de datos o para la generación de gráficos. A través a la barra de menús se accede a funciones rudimentarias.
- El entorno R está configurado en principio sobre una interfaz de comandos donde el usuario escribe las instrucciones y comandos que desea ejecutar.
- Sin dudas que las interfaces gráficas compuestas por sistemas de ventanas y menús desplegables son útiles y convenientes. Sin embargo, las posibilidades que ofrecen las interfaces de comandos son mayores y no están limitadas más que por la habilidad del programador.

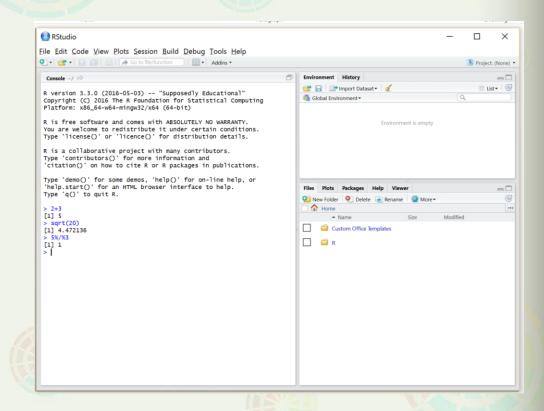
- El uso de comandos exige mayor esfuerzo para el aprendizaje que el requerido por las interfaces gráficas pero las ganancias en términos de independencia, control y creatividad no son comparables.
- Escribir un código supone una comprensión más profunda de aquello que se desea aplicar.
- La redacción de códigos se puede realizar de varias maneras:

- Trabajar directamente sobre la consola de R tecleando los comandos en la línea de «símbolo de sistema».
  - Aquí sólo puede ejecutarse una línea por vez por lo tanto sólo resulta útil para ejecutar acciones simples.
  - La flecha hacia arriba permite acceder a comandos previos y la flecha hacia abajo a comandos posteriores al actual.
  - Las flechas hacia la izquierda y hacia la derecha mueven el cursor en la respectiva dirección.
  - Los comandos pueden copiarse y pegarse como en cualquier editor de textos con las funciones Ctrl+c y Ctrl+v.

- Trabajar en una ventana de escritura (Script) a la que se accede mediante *Archivo>>Nuevo Script*. Esta opción permite crear códigos más complejos.
  - Los códigos se teclean directamente en esta ventana o puede ser copiados de un archivo existente en formato ASCII.
  - Los códigos se ejecutan por línea o por bloques para lo que debe seleccionarse y pulsar Ctrl+r o el ícono de ejecución.
  - Las salidas se muestran en la consola.

- Trabajar a través de otra interfaz. Existen programas específicos para la creación/edición de códigos. Entre los más utilizados:
  - Tinn-R
  - Rstudio
  - WinEdit
- La construcción de códigos permite al usuario diseñar y programar sus propias funciones. La programación significa controlar el ordenador por medio de instrucciones que indican que operaciones llevar a cabo sobre los datos, que imprimir, que guardar, que resolver y como diseñar los gráficos.

• El modo más simple o primitivo de trabajar con R sería utilizarlo como una potente calculadora. En este sentido, R evalúa y devuelve los resultados de cualquier expresión introducida en la línea de comandos.



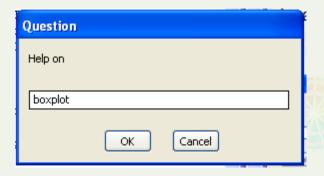
Algunas funciones algebraicas

Función	Operación		
+, -, *, /	Suma, Resta, Multiplicación, División		
sin, cos, tan	Funciones trigonométricas		
asin, acos, atan	Funciones trigonométricas inversas		
exp, log	Exponencial y logaritmo natural		
sqrt(), ^	Raíz cuadrada, potencia		
abs	Valor absoluto		
round	Redondeo		
%/%	División entera		
%%	Resto de la división		

- Algunas observaciones:
  - Si en lugar del símbolo >, la consola de R muestra el símbolo +, indica que la instrucción dada a R está incompleta y no se puede ejecutar sin antes finalizar correctamente la secuencia de comandos.
  - Ante la presencia del símbolo +, si se pulsa la tecla Esc permite volver al símbolo del sistema.
  - Es posible escribir más de una función en la misma línea de comandos utilizando el carácter «;» para delimitarlas.
  - El símbolo «#» permite añadir a los códigos comentarios no ejecutables.

- Para abandonar R tras una sesión de trabajo se puede:
  - Teclear en la consola q()
  - Desde la barra de menús Archivo >> Salir
  - Pulsando el icono de salida.

- R dispone de varias fuentes de ayuda sobre procedimientos, comandos, paquetes o sobre la aplicación de modelos formales.
- Ayuda sobre funciones
  - Ayuda >> funciones R (texto) Abre una ventana donde se tipea la función acerca de la que se busca información.

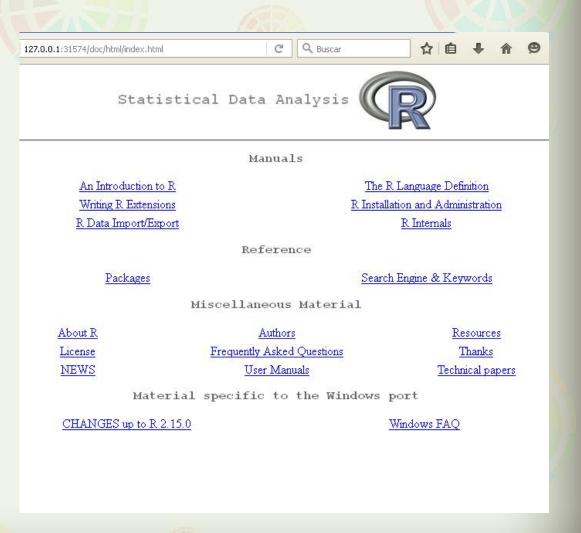


 Este modo de obtener información es equivalente a tipear «help(boxplot)» o «?boxplot» en la consola

- Ayuda >> Html help

Abre el explorador definido
por defecto y muestra una
pantalla a través de la cual
se accede a la información
almacenada en la memoria.

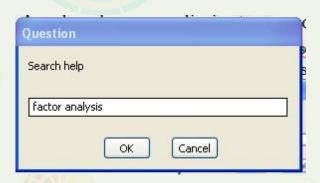
Se puede acceder a la misma página a través del comando «help.start()»

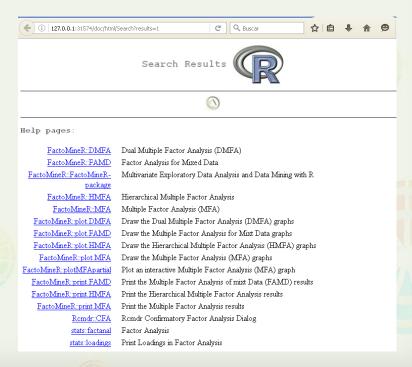


Ayuda sobre procedimiento o modelos

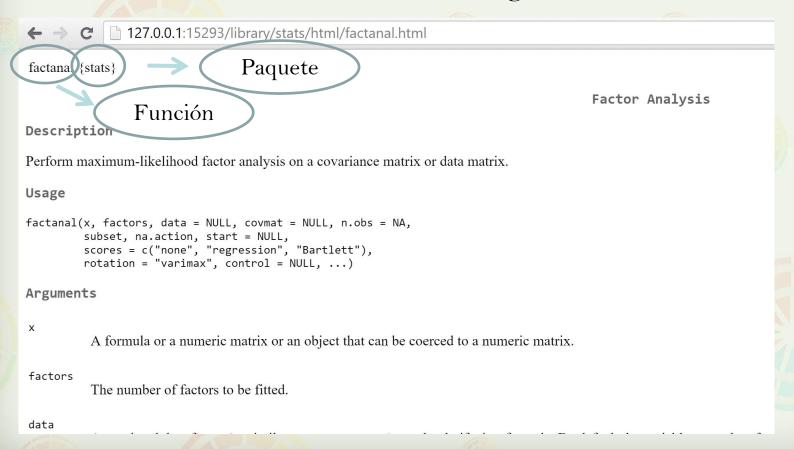
- Help>>Search help o tipear «help.search()» en la consola: ofrece una lista de todas las funciones cuyas páginas de ayuda contienen la

palabra buscada.





- Si se hace click sobre el nombre de alguna de dichas funciones



- Los comandos anteriores ofrecen información sobre funciones que están incluidas en los paquetes que tengamos instalados. Sin embargo, en muchas ocasiones el interés es saber si R dispone de funciones para ejecutar determinado tipo de análisis.
- La base de la exploración puede ser ampliada a una búsqueda en la red. Para ello hay que utilizar la opción *Ayuda>>search.r.project.org* o tipear «Rsite-Search()» en la consola.

- R es un sistema integrado al que se añaden complementos que reciben el nombre de paquetes. Un paquete es un conjunto de funciones que mantienen algún tipo de relación entre ellas y que usualmente vienen acompañadas de archivos de ayuda y de ficheros de datos.
- La pluralidad de paquetes va pareja a la pluralidad de áreas de conocimiento, aplicaciones y modelos estadísticos.
- Algunos de los paquetes están incluidos en la instalación básica de R. Al resto de los paquetes se accede a través de repositorios públicos.

- La instalación de paquetes puede realizarse:
  - desde la barra de menús: Paquetes>>Instalar paquetes
  - o desde la consola tipeando: 'install.packages('nombre del paquete')'
- Ambas opciones dan paso a una ventana que ofrece un listado de sitios imagen. Una vez seleccionado uno de ellos, se mostraran en pantalla todos los paquetes disponibles ordenados alfabéticamente. Al pulsar sobre el paquete y presionar OK, R descargará e instalará el paquete.

- Para utilizar las funciones incluidas en un paquete es necesario instalarlo y cargarlo. Un paquete se instala una sola vez pero es necesario cargarlo en cada sesión de trabajo en el que se desee utilizar.
- Para cargar un paquete:
  - desde la barra de menús: Paquetes>>Cargar paquete
  - o desde la consola tipeando: 'library('nombre del paquete')'
- Si se intenta utilizar una función incluida en un paquete que no ha sido cargado, R devuelve un mensaje de error.

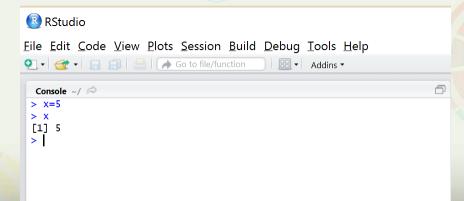
- Algunos comandos para el manejo de paquetes:
  - installed.packages(): lista todos los paquetes instalados (excepto los incluidos en la instalación por defecto)
  - get()option: lista todos los paquetes instalados por defecto
  - (.packages()): lista los paquetes cargados
- El rápido incremento en el número de paquetes disponibles para R ha hecho necesario crear un sistema de clasificación que facilite orientarse entre ellos. Los paquetes han sido catalogados en varios grupos a los que se puede acceder a través de la página CRAN (<a href="http://www.cran.r-Project.org/web/views">http://www.cran.r-Project.org/web/views</a>)

- La estructura de la información ha sido reducida a categorías:
  - Bayesian
  - ChemPhys
  - ClinicalTrials
  - Cluster
  - Distributions
  - Econometrics
  - Environmetrics
  - ExperimentalDesign
  - Finance
  - Genetics
  - Etc.

### **Objetos**

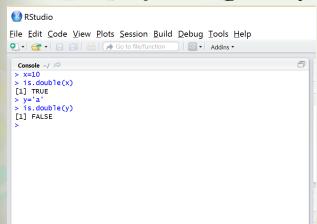
- En R prácticamente todo es definido como un objeto: un dato numérico, un vector, una matriz o una función. Es decir, un objeto es la forma en la que R almacena la información.
- R opera sobre objetos y distingue entre los distintos tipos.
- Cada objeto tiene un nombre, es de un determinado tipo y tiene ciertos atributos.
- · Para almacenar un objeto es necesario utilizar la función de

asignación: -< o =



### **Objetos**

- Los nombres de objetos pueden contener letras, números, guiones, punto pero no pueden comenzar con un número.
- R distingue entre mayúsculas y minúsculas.
- Un objeto puede ser almacenado bajo diferentes formas. Los tipos de almacenamiento más comunes son dobles, enteros, complejos, lógicos y carácter.



 Dobles: valores numéricos continuo. Es el tipo almacenamiento utilizado por defecto por R para representar números.

Para verificar si un determinado dato es de tipo doble utilizar la instrucción: is.double().

#### Tipos de Objetos

File Edit Code View Plots Session Build Debug Tools Help

💽 🗸 🚰 🔻 🔒 📄 🎒 Go to file/function

- Enteros: valores numéricos no continuo.

RStudio

Console ~/ *←* > x=10

[1] FALSE
> x=as.integer(x)

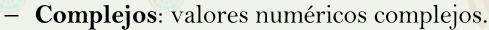
[1] TRUE

> is.integer(x)

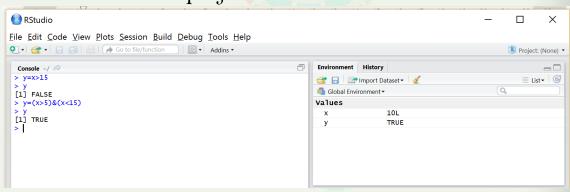
> is.integer(x)

Para definir un valor numérico como entero se puede utilizar la instrucción:

as.integer().



- **Lógicos**: valores 'verdadero' o 'falso' (son generados por R tras evaluar expresiones lógicas).



☐ Import Dataset ▼

Global Environment •

**Values** 

Project: (None)

List ▼ | G

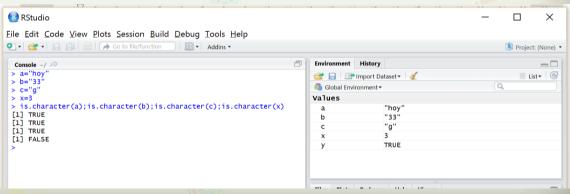
### Tipos de Objetos

- Algunos operadores lógicos para construir expresiones son:

Expresiones lógicas		Operadores lógicos	
<, <=	Menor que, Menor o igual que	&	"y"
>,>=	Mayor que, Mayor o igual que		"o"
==	Igual a	!	"no"
!=	No igual a		

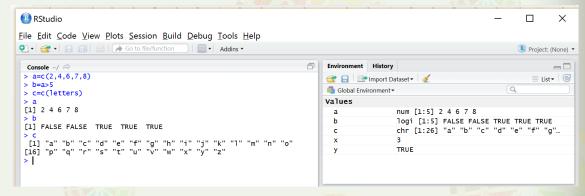
Carácter: valores no numéricos

Se escriben y representan entre comillas.



#### Estructura de Objetos: Vectores

- Las estructuras sobre las que trabaja R son: vectores; factores; matrices; arrays; marcos de Datos; listas; funciones.
- Un vector es un objeto unidimensional constituido por elementos del mismo tipo. Los elementos de un vector o modo pueden ser de tipo numérico, lógico o carácter.



Los atributos del vector son su modo y longitud

```
> is.vector(a)
[1] TRUE
> mode(a);length(a)
[1] "numeric"
[1] 5
> |
```

#### Estructura de Objetos: Vectores

La generación de vectores puede realizarse utilizando la

función concatenar: c().

```
RStudio

File Edit Code View Plots Session Build Debug Tools Help

Console ~/ 

> x=c(10,5,4,9)

> x

[1] 10 5 4 9

> cc.ss=c("sociología", "psicología", "economía")

> cc.ss

[1] "sociología" "psicología" "economía"

> logico=c(TRUE, TRUE, FALSE, FALSE, TRUE)

> logico

[1] TRUE TRUE FALSE FALSE TRUE

> y=c(x,0.78,x,x)

> y

[1] 10.00 5.00 4.00 9.00 0.78 10.00 5.00 4.00 9.00 10.00

[11] 5.00 4.00 9.00

> |
```

• Se puede generar secuencias numéricas que se almacenarán como vectores utilizando el operador :

#### Estructura de Objetos: Vectores

• La función seq() genera secuencias de un modo más general.

Los argumentos de esta función son el valor inicial, el valor final y el incremento.

Console ~/ ~ > a=seq(-5,5,1.5) > a [1] -5.0 -3.5 -2.0 -0.5 1.0 2.5 4.0 > b=seq(10,3,-2) > b [1] 10 8 6 4 > |

• La función *rep()* repite un vector dado. Los argumentos de esta función son el vector y el número de veces a repetirse el mismo.

• Los cálculos ejecutados sobre vectores se llevan a cabo sobre cada uno de sus elementos.

• Si los vectores involucrados en una misma expresión no son de la misma longitud, el vector de menor longitud se repetirá hasta que alcance la

longitud del mayor.

Console ~/ @

 Observar que R genera un mensaje de aviso. En estos casos, es aconsejable revisar el procedimiento que lo ha originado y el resultado final.

• Existen varias funciones específicas que trabajan sobre vectores algunas de las cuales se presentan a continuación.

Función	Salida
length()	Longitud del vector
sum()	Suma de los elementos del vector
prod()	Producto de los elementos del vector
max(), min()	Máximo valor del vector, Mínimo valor del vector
cumsum()	Vector de suma acumulada de los elementos del vector
cumprod()	Producto acumulado de los elementos
diff()	Vector de diferencias entre elementos
unique()	Vector de valores únicos
duplicated()	Vector lógico que indica si los elementos están duplicados

• Algunas funciones estadísticas aplicables sobre vectores son:

Función	Salida
median()	Mediana del vector
mean()	Media de vector
quantile()	Cuantiles de los vectores
IQR()	Rango intercuartil del vector
range()	Rango del vector
sd()	Desviación estándar
var()	Variancia de los elementos
summary()	Resumen descriptivo

- La función *sort()* ordena los elementos de un vector de forma ascendente y rev(sort()) ordena de modo descendente.
- La función *order()* genera un vector cuyos elementos indican el orden que ocupa los elementos en el vector.
- El comando *outer()* realiza cálculos cruzados entre dos vectores. El resultados de esta función es una matriz de dimensiones (dim(x), dim(y)) cuyos elementos son el resultado de aplicar una determinada función sobre x e y.

- Las variables categóricas se almacenan en factores.
- La función *factor()* permite convertir un vector con variantes categóricas en un factor. Y la función *levels()* permite visualizar los niveles de un factor.

 Los niveles de un factor pueden ser combinados.

Otra forma es asignarle la misma etiqueta a las categorías a combinar.

```
Console ~/ @
> edad=c(rep('niño', 30), rep('adolescente', 20),rep('adulto', 2), re
> edad=factor(edad)
> levels(edad)
[1] "adolescente" "adulto"
                              "mayor"
> levels(edad)=list(niño='niño',adolescente='adolescente',adulto=c('a
dulto', 'mayor'))
> levels(edad)
                 "adolescente" "adulto"
[1] "niño"
> edad
               niño
[1] niño
                           niño
                                                  niño
               niño
                           niño
                                                  niño
               niño
                           niño
                                      niño
                                                  niño
               niño
                           niño
                                      niño
                                                  niño
               niño
                                      niño
                                                  niño
                                      niño
    adolescente adolescente adolescente adolescente
    adolescente adolescente adolescente adolescente
    adolescente adolescente adolescente adolescente
    adolescente adolescente adolescente adolescente
Levels: niño adolescente adulto
```

• Se pueden generar factores a través de la categorización de un factor continuo mediante las funciones *cut()* y *breaks()*.

• Una de las operaciones más comunes con factores es la generación de tablas de frecuencias. Las funciones *table()*, *xtabs()* y *ftable()* crean tablas. La primera es la más básica.

- El objeto que se genera se puede almacenar bajo un nombre. Las funciones *rownames()* y *colnames()* permiten asignar nombres a las filas y columnas respectivamente de cualquier tabla.
- La función t() permite transponer una tabla.
- Algunas de las funciones específicas para el manejo de tablas son *margin.table()* y *prop.table()*. Uno de los argumentos es un valor igual a 1 o 2 si se quiere frecuencias (o proporciones) por filas o por columnas respectivamente.

Unidad 3

- Los objetos bidimensionales constituidos por filas y columnas de elementos del mismo tipo se almacenan en matrices. Los elementos de una matriz pueden ser numéricos, lógicos o caracteres.
- La función *dim()* aplicada sobre un vector da como resultado una matriz con un numero de filas y de columnas especificado.

La función *matrix()* genera matrices a partir de un vector

```
Console -/ C

> x=matrix(1:8,2,4,byrow=F)
> x

        [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,] 1 3 5 7
[2,] 2 4 6 8

> x=matrix(1:8,2,4,byrow=T)
> x

        [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,] 1 2 3 4
[2,] 5 6 7 8

> a=1:8
> x=matrix(a,2,4)
> x

        [,1] [,2] [,3] [,4]
[1,] 1 3 5 7
[2,] 2 4 6 8
>
```

 Otra forma de crear matrices es concatenando varios vectores o matrices. La función cbind() lo hace por columnas y la función rbind() por filas.

• Las funciones aplicables sobre vectores son también válidas para matrices.

[,1] [,2] [,3]

- El producto x\*x da como resultado el cuadrado de cada uno de los elementos de la matriz.
- La función %\*% es la que realiza el producto matricial.
- Otras funciones específicas para matrices son

Función	Salida
det()	Determinante de la matriz
solve()	Inversa de la matriz
diag()	Elementos diagonals de la matriz
ncol()	Número de columnas de la matriz
nrow()	Número de columnas de la matriz
<i>t()</i>	Transpuesta de la matriz

• Además de las operaciones relacionadas directamente con el cálculo matricial, se pueden aplicar funciones sobre las filas o columnas de una matriz. Entre ellas:

Función	Salida
colnames()	Nombre de las columnas de la matriz
rownames()	Nombre de las filas de la matriz
colSums()	Suma los elementos de las columnas
rowSums()	Suma los elementos de las filas
dim()	Dimensiones de la matriz
length()	Número de elementos de la matriz

# Estructura de Objetos: Arrays

- Los arrays son generalizaciones de las matrices, es decir pueden estar compuestos por 3 o más dimesiones. Los elementos de los arrays pueden ser numéricos, lógicos o caracteres.
- La generación de arrays es similar a la generación de matrices.
- Las funciones u operaciones que pueden aplicarse sobre las matrices también pueden aplicarse sobre los arrays.

# Estructura de Objetos: Data frames

- El data frame es el tipo de estructura más común en R para el análisis de datos.
- A diferencia de vectores, matrices y arrays, en los que todos los elementos son del mismo tipo, los data frame pueden contener datos de distinto tipo.
- Los data frame incorporan nombres para cada una de las columnas y pueden incorporar nombres para cada una de las filas.

#### Estructura de Objetos: Data frames

• La generación de data frame puede ser realizada concatenando vectores, matrices o arrays.

• La función *as.data.frame()* transforma cualquier objeto en un data frame.

# Estructura de Objetos: Data frames

- Las funciones *names()* y *rownames()* asignan o modifican los nombres de las columnas.
- La adición de columnas a un data frame se puede realizar mediante la función cbind() y la de filas mediante la función rbind()
- La función *head()* permite visualizar las primeras filas de un data frame y la función *summary()* permite obtener un resumen de las variables que lo integran.
- La función *merge()* permite fusionar data frames de acuerdo a algún criterio de emparejamiento, que habitualmente es un conjunto de columnas que tienen el mismo nombre.

# Estructura de Objetos: Listas

- Una lista es una colección ordenada de elementos de distinto tipo.
- En general, la lista es la estructura que utiliza R para almacenar las salidas de las funciones estadísticas.

```
> z=list(secuencia=x, nombres=y)
> z
$secuencia
[1] 1 2 3 4 5 6 7

$nombres
[1] "ana" "marcos" "juan" "pedro" "ramon"
> |
```

- La función *names()* permite extraer los nombres de los componentes o cambiar sus etiquetas.
- Y [[]] o el símbolo \$ permiten añadir elementos a la lista.

# Manipulación de Datos

- Una vez creada una estructura de datos, R permite manipularlos muy fácilmente. Cada uno de los datos puede ser seleccionado para operar sobre el.
- En el caso de vectores, la extracción o selección de un elemento puede realizarse especificando entre corchetes el lugar que ocupa el elemento dentro del vector
- En el caso de matrices, habrá que identificar tanto el subíndice de la fila como el de la columna.

# Manipulación de Datos

#### Ejercicio 1.

- Generar un vector x con los números naturales de 1 a 9 y otro vector con los primeros 3 elementos de x.
- Generar un vector lógico de la misma longitud que x que indique si los elementos de x son mayores a 6 y otro vector que contenga solo los elementos de x que cumplen la condición descripta.

#### Ejercicio 2.

- Generar una matriz x con 6 filas que contenga los números naturales de 1 a 36. Seleccionar el elemento en la fila 5 y columna 5. Seleccionar todos los elementos de la columna 5. Seleccionar todos los elementos de las columnas 3, 4 y 5 de la fila 4.
- Generar una matriz lógica de la misma dimensión que la matriz original.

# Manipulación de Datos

- En el caso de data frame, la extracción de elementos se puede realizar mediante los mismos procedimientos que para las matrices. Pero además se puede utilizar otro procedimiento.
- Supongamos que nuestro data frame se llama Datos. Luego la sentencia Datos\$Edad extraerá la columna Edad del data frame Datos.
- La selección de un subconjunto de elementos que cumplan una determinada condición se puede realizar mediante la función *subset()*.

- R utiliza por defecto un directorio de trabajo en el que se guardan las sesiones de trabajo o los objetos que se desee almacenar. La función *getwd()* permite comprobar cual es ese directorio y la función *setwd()* permite modificarlo.
- Tener en cuenta que en R los path se definen a través del símbolo '/' o '\\'
- Si el conjunto de datos con los que se va a operar es pequeño, los datos pueden introducirse a través de la consola o del editor de R.
- Sin embargo, en la mayoría de las situaciones se dispondrá de los datos en algún archivo a partir del cual se deberán importar a R.

- La función *read.table()* lee archivos externos en los que las líneas son casos y las columnas son variables. El formato básico de esta función es:
  - read.table('path',sep='',dec=',', header=T)
- Esta función asume que los caracteres ausentes en el fichero están representados por NA. En el caso de no ser así, hay dos opciones. Una es modificar los valores antes de importar los datos. La otra es utilizar la función *na.string* para definir los valores ausentes.
- Esta función es especialmente útil para la importación de ficheros cuyos separadores han sido bien definidos.

Unidad 3 57

- La función *read.fwf()* lee ficheros de datos y los transforma en data frame. La utilización de esta función exige indicar el ancho de las columnas que contienen las variables que se realiza a través del argumento *widths()*.
- La función *scan()* permite la lectura de ficheros de datos externos que no tienen un formato fijo.
- Tanto *read.table()* y *scan()* permiten la utilización del argumento *skip()* para especificar el número de líneas del principio que no deben importarse.
- La diferencia fundamental entre *read.table()* y *scan()* es que esta última es más flexible respecto al tipo de fichero de datos a importar.

- R también contiene algunas opciones para importar datos provenientes de otro software.
- La grabación externa de un vector o una matriz de datos generados por R se realiza con el comando write():
  - write(x,file='misdatos')
- Esta función permite especificar el numero de columnas por medio del argumento *ncolumns()*.
- Si el conjunto de datos es un data frame, la función a utilizar es write.table():
  - write.table(dataframe, file=", sep=", row.names=F, col.names=T)

Unidad 3 59