Análisis de las llamadas de A. pertinax (variable T1 dur)

José R. Ferrer Paris

Leemos el archivo de datos de Aratinga pertinax, versión de 2019, y reclassificamos la variable Region para facilitar interpretación:

```
dts <- read.csv(sprintf("%s/data/mdf_JR_15viii19.csv",script.dir))</pre>
str(dts)
## 'data.frame':
                    1351 obs. of 9 variables:
## $ IndivGroup: Factor w/ 97 levels "AUA01", "AUA02",..: 1 1 1 1 1 1 1 2 2 ...
## $ soundfile : Factor w/ 1351 levels "0211327a", "0211344a",...: 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10 ...
## $ S1_dur
               : num 0.156 0.133 0.14 0.136 0.149 ...
## $ Tcall_dur : num 0.154 0.137 0.144 0.137 0.144 ...
## $ RecSite : Factor w/ 37 levels "A6", "A7", "B1", ...: 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
              : num 12.5 12.5 12.5 12.5 12.5 ...
           : num -69.9 -69.9 -69.9 -69.9 -69.9 ...
## $ Long
## $ LocCode : Factor w/ 14 levels "AUA", "BON", "CUR", ..: 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
## $ Region : Factor w/ 2 levels "isl", "main": 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 ...
dts$Region <- factor(dts$Region,levels=c("main","isl"))</pre>
```

Vamos a comparar ocho modelos para la variable S1_dur

MODELO	efecto fijo	efecto aleatorio	heterocedasticidad
f000	isla	constante	sin
f010	isla	isla	\sin
f001	isla	constante	isla
f011	isla	isla	isla
f100	isla+long	constante	\sin
f110	isla+long	isla	\sin
f101	isla+long	constante	isla
f111	isla+long	isla	isla

El modelo nulo con efecto fijo de la isla

```
f000 <- lme(S1_dur~Region,dts,random=~1|LocCode/IndivGroup, method="ML")
Nulo + efecto aleatorio de isla/continente
f010 <- lme(S1_dur~Region,dts,
    random=list(LocCode=pdDiag(~Region),IndivGroup=pdDiag(~Region)), method="ML")
Nulo + heterocedasticidad</pre>
```

```
Nulo + efecto aleatorio de isla/continente + heterocedasticidad

f011 <-
lme(S1_dur~Region,dts,
    random=list(LocCode=pdDiag(~Region),IndivGroup=pdDiag(~Region)),
    weights=varIdent(form=~1 | Region), method="ML")</pre>
```

f001 <- lme(S1_dur~Region,dts,random=~1|LocCode/IndivGroup,weights=varIdent(form=~1|Region), method="ML

Modelo alternativo con efecto fijo de la isla y longitud

Alternativo + efecto aleatorio de isla/continente + heterocedasticidad

Resultados

Comparamos el AIC de los modelos ajustados

```
anova(f000,f010,f001,f011,
  f100,f110,f101,f111)
```

```
##
       Model df
                      AIC
                                BIC
                                      logLik
                                               Test L.Ratio p-value
## f000
           1 5 -6171.918 -6145.875 3090.959
## f010
           2 7 -6192.394 -6155.934 3103.197 1 vs 2 24.47592 <.0001
## f001
           3 6 -6170.306 -6139.055 3091.153 2 vs 3 24.08761
                                                              <.0001
           4 8 -6190.912 -6149.243 3103.456 3 vs 4 24.60566 <.0001
## f011
           5 6 -6171.541 -6140.289 3091.771 4 vs 5 23.37118 <.0001
## f100
## f110
           6 8 -6190.970 -6149.301 3103.485 5 vs 6 23.42902 <.0001
## f101
           7 7 -6169.927 -6133.467 3091.963 6 vs 7 23.04318 <.0001
## f111
           8 9 -6189.484 -6142.606 3103.742 7 vs 8 23.55687 <.0001
```

Reordenamos los modelos según el AIC

```
mis.aics <- AIC(f000,f010,f001,f011,
  f100,f110,f101,f111)
aic.tab <- cbind(mis.aics,delta.AIC=mis.aics[,2]-min(mis.aics[,2]))
aic.tab[order(aic.tab$AIC),]</pre>
```

```
## df AIC delta.AIC

## f010 7 -6192.394 0.000000

## f110 8 -6190.970 1.424114

## f011 8 -6190.912 1.481951

## f111 9 -6189.484 2.910423

## f000 5 -6171.918 20.475921

## f100 6 -6171.541 20.853132

## f001 6 -6170.306 22.087613

## f101 7 -6169.927 22.467296
```

El Mejor modelo incluye efectos fijos y aleatorios de Isla, sin heterocedasticidad. Los modelos con longitud en el efecto fijo o heterocedasticidad son casi equivalentes (delta AIC < 2).

Los detalles del modelo a continuación:

summary(f010)

```
## Linear mixed-effects model fit by maximum likelihood
   Data: dts
           AIC
                     BIC
                           logLik
##
     -6192.394 -6155.934 3103.197
##
## Random effects:
   Formula: ~Region | LocCode
   Structure: Diagonal
##
           (Intercept) Regionisl
## StdDev: 0.01225435 0.03564883
##
   Formula: ~Region | IndivGroup %in% LocCode
##
   Structure: Diagonal
           (Intercept) Regionisl
                                    Residual
## StdDev: 0.01327499 0.02540958 0.02224762
## Fixed effects: S1_dur ~ Region
                    Value Std.Error
                                        DF
                                             t-value p-value
## (Intercept) 0.10394313 0.005326244 1254 19.515277 0.0000
## Regionisl
              0.03296707 0.018461414
                                       12 1.785728 0.0994
## Correlation:
             (Intr)
## Regionisl -0.289
## Standardized Within-Group Residuals:
           Min
                        Q1
                                   Med
                                                Q3
                                                           Max
## -3.61500493 -0.55541019 -0.09427347 0.39473922 5.64541492
##
## Number of Observations: 1351
## Number of Groups:
##
                   LocCode IndivGroup %in% LocCode
##
                        14
intervals(f010)
## Approximate 95% confidence intervals
##
##
   Fixed effects:
##
                     lower
                                 est.
                                           upper
## (Intercept) 0.09350154 0.10394313 0.11438473
## Regionisl -0.00722711 0.03296707 0.07316125
## attr(,"label")
## [1] "Fixed effects:"
##
##
  Random Effects:
##
    Level: LocCode
##
                         lower
                                     est.
## sd((Intercept)) 0.006287521 0.01225435 0.02388365
## sd(Regionisl)
                  0.016887557 0.03564883 0.07525297
    Level: IndivGroup
##
##
                        lower
## sd((Intercept)) 0.01020716 0.01327499 0.01726489
```

```
## sd(Regionisl) 0.01870911 0.02540958 0.03450975
##
## Within-group standard error:
## lower est. upper
## 0.02139408 0.02224762 0.02313522
```

VarCorr(f010)

##		Variance	StdDev
##	LocCode =	<pre>pdDiag(Region)</pre>	
##	(Intercept)	0.0001501690	0.01225435
##	Regionisl	0.0012708389	0.03564883
##	<pre>IndivGroup =</pre>	<pre>pdDiag(Region)</pre>	
##	(Intercept)	0.0001762255	0.01327499
##	Regionisl	0.0006456467	0.02540958
##	Residual	0.0004949568	0.02224762