Laboratório de Bioestatística - Introdução ao R

EXERCÍCIOS GUIADOS

Operações Simples

- 1. Crie um vetor ${\tt w}$ com as componentes 1,-1,2,-2.
 - > w < -c(1,-1,2,-2)
- 2. Imprima esse vetor na consola do R.
 - > print(w)
- 3. Obtenha uma descrição de w usando a função str().
 - > str(w)
- 4. Crie o vetor w+1 e imprima na consola do R.
 - > x<-w+1
 - > print(x)
- 5. Crie o vetor (0,1,5,10,15,...,75) usando as funções c() e seq().
 - > j < -seq(5,75,by=5)
 - > j < -c(0,1,j)
 - > print(j)
- 6. Crie um vetor alfanumérico com as etiquetas "Paciente", "Número de entrada"e "Doença", com separador : e com dimensão 10.
 - S<-paste("Paciente", "Número de entrada", "Doença", sep=":",1:10)
- 7. Considere as seguintes condições:
 - a) x > 23
 - > a <- x>23
 - b) $x \in [-1, 10]$
 - >b <- x>=-1& x<=10
 - c) x = 3
 - c<-x==3
 - d) $x \le 45$
 - d <- x <= 45

Indique as condições lógicas:

- (a) a) \cap b)
 - >a&b
- (b) b)∪ c)
 - >b | c
- (c) d)∩ b) >d&b

Vetores, Matrizes e Data Frames

- 8. Crie um vetor numérico, um vetor string e um vetor lógico:
 - > valor.num <- c(3,4,2,6,20)
 - > valor.char <- c("koala","kangaroo","monkey")</pre>
 - > valor.logic.1 <- c(F,F,T,T)</pre>
- 9. Crie o seguinte vetor (0, 4, 2, 1, 0, 4, 0, 3, 0, 3, 3, 3, 4, 4, 2, 2, 0) imprima-o na consola do R.

- $10.\ {\rm Quantos}$ elementos de y são inferiores a 3.
 - >length(y[y<3])
- 11. Procure valores de y menores ou iguais a 3.
 - > y[y <= 3]
- 12. Procure valores de y iguais a zero.
 - > y[y==0]
- 13. Procure valores diferentes de zero.
 - > y[y!=0]
- 14. Coloque os seguintes valores (12,14,35,7,6,12,5,22,7,17,9,11) sob a forma de uma matriz de ordem 3×4 e imprima-a na consola do R.
 - > m<-matrix(c(12,14,35,7,6,12,5,22,7,17,9,11),ncol=4)
- 15. Qual é o elemento da matriz m que está na posição "linha 2, coluna 3"? > m[2,3]
- 16. Crie uma data frame (não recorra ao editor do R) que corresponde às notas de 4 alunos, à turma a que pertencem e ao número de aluno:

n.º aluno	turma	notas
2355	tp1	0.3
3456	tp1	9.3
2334	tp2	14.2
5456	tp3	15.0

- > pauta<- data.frame(nros = c(2355, 3456, 2334, 5456),
- + turma = c("tp1", "tp1", "tp2", "tp3"),
- + notas = c(10.3, 9.3, 14.2, 15)
- > pauta
- 17. Relativamente à data frame pauta qual é o elemento que está na linha 2 e coluna 2.
 - > pauta[2, 2]
- 18. Aceda à coluna correspondente ao número dos alunos.
 - > pauta\$nros

- 19. Qual é a informação que obtém sobre a *data frame* notas quando executa os seguintes comandos:
 - > pauta[pauta\$notas > 10,]
 - > pauta[pauta\$notas > 14, "nros"]
 - > pauta[pauta\$turma == "tp1", c("nros", "notas")]
- 20. Execute o comando que permite aceder diretamente às colunas da data frame pauta > attach(pauta)
- 21. Acrescente uma nova coluna correspondente aos resultados finais: "aprovado", "oral", "aprovado", "aprovado", mas agora a partir do editor do R.
 - > pauta<-edit(pauta)
- 22. Consulte as variáveis da data frame anterior.

```
>names(pauta)
```

Entrada e Saída de Dados

23. Aceda aos dados ChickWeight da biblioteca datasets e verifique qual a informação subjacente a esta base de dados.

```
>library(datasets)
>data(ChickWeight,package='datasets')
?ChickWeight
```

Funções Gráficas

Considere a *data frame* births da biblioteca Epi. Esta base de dados diz respeito a nascimentos de bebés num hospital em Inglaterra.

24. Identifique as variáveis da data frame births:

```
>library(Epi)
>data(births)
>str(births)
```

25. Construa um histograma para a variável bweigth:

```
>hist(births$bweight)
```

26. Consulte algumas das opções da função hist() e contrua um histograma com algumas das opções disponíveis.

```
>?hist
>hist(births$bweight,col="gray",border="white")
```

27. Verifique a relação entre o peso dos bebés e a semana gestacional da *data frame* births: >attach(births)

```
>plot(gestwks,bweight)
```

- 28. Construa um gráfico com o peso dos bebés e a idade da mãe: >plot(matage, bweight)
- 29. Acrescente ao gráfico anterior as estiquetas dos eixos:

```
>plot(matage,bweight,xlab="Idade da mãe", ylab="Peso dos
+ bebés (g)")
```

- 30. Relativamente ao gráfico >plot(matage,bweight) altere a cor dos pontos para verde. >plot(matage,bweight,pch=16,col="green")
- 31. Coloque agora os pontos a preto e em forma de círculos: >points(matage, bweight, pch=19)
- 32. Considere o gráfico >plot(gestwks,bweigth) e defina cores diferentes para os bebés do sexo feminino e masculino:

```
>plot(gestwks,bweight)
>points(gestwks[sex==1],bweight[sex==1],col="blue")
>points(gestwks[sex==2],bweight[sex==2],col="red")
```

33. Acrescente uma legenda e um título ao gráfico:

```
>legend("topleft",pch=1,legend=c("rapazes","raparigas"),
+ col=c("blue","red"))
>title("Peso à nascença vs semana gestacional em 500 nascimentos
+ individuais")
```

- 34. Utilize uma função que, de forma mais rápida, adicione diferentes cores a diferentes níveis de uma variável qualitativa.
 - # Criar um vector de cores com a mesma dimensão da variável qualitativa
 >plot(gestwks,bweight,pch=16,col=c("blue","red")[sex])
- 35. Defina diferentes símbolos para as mães com idade superior ou igual a 40 anos e para as mães com idade inferior.

```
\# Em primeiro lugar tem de se especificar uma função tal que identifique as idades das mães com mais de 40 anos
```

```
>mães.mais.quarenta<-(matage>=40)+1
```

```
# Adicionamos 1 para que a função seja numérica com valores 1 e 2
>plot(gestwks,bweight,pch=c(3,18)[mães.mais.quarenta],
+col=c("blue","red")[mães.mais.quarenta]
```

#Também é possível criar funções mais complexas dentro de funções. Em vez de se ter criado a função "mães.mais.quarenta" era possível fazer: >plot(gestwks,bweight,pch=c(3,18)[(matage>=40)+1], +col=c("blue","red")[(matage>=40)+1])

36. Utilize uma função que permita identificar as coordenadas dos pontos num gráfico: >identify(gestwks,bweigth)

- 37. Guarde o gráfico correspondente ao peso dos bebés e às semanas gestacionais num ficheiro PDF. pdf(file="plot.1",heigth=3,width=4) >plot(gestwks,bweight) >dev.off()
- 38. Construa dois gráficos no mesmo device correpondentes a: (1) idades das mães vs semanas de gestação e (2) idades das mães vs peso à nascença:

```
>par(mfrow=c(1,2))
>plot(matage~(gestwks+bweight))
```

Ciclos e Funções

39. (a) Crie um ciclo, recorrendo à função for(), que dado um vetor numérico imprima um número por linha juntamente com o seu quadrado e o seu cubo.

```
> x<-c(1,3,5) # por exemplo
> n<-length(x)
> for(i in 1:n)
+ cat(x[i],' ao quadrado =',x[i]^2,'; ao cubo =',x[i]^3,"\n")
```

(b) Use a função while() para alcançar o mesmo resultado.

```
> i<-1  # inicializar o contador
> while(i<(n+1))
+ {
+ cat(x[i],' ao quadrado =',x[i]^2,'; ao cubo =',x[i]^3,"\n")
+ i<-i+1
+ }</pre>
```

40. Crie as funções F1 e F2, cujos argumentos de entrada são x (vetor $(x_1, x_2, ..., x_n)$) e n, com os output $(x_1, x_2^2, ..., x_n^n)$ no caso da função F1 e $1 + x_1 + \frac{x_2^2}{2} + ... + \frac{x_n^n}{n}$ no caso da função F2.

```
> x<-c(3,6,9) # por exemplo
> n<-length(x)
> F1 <- function(x,n)
+ x^(1:n)
> F1(x,n)

> F2 <- function(x, n)
+ 1 + sum((x^(1:n))/(1:n))
> F2(x,n)
```

41. Escreva uma função que tenha um único argumento: uma matriz. A função deve devolver uma matriz idêntica à original, mas em que cada número ímpar é duplicado. Por exemplo, a função aplicada à matriz

$$\left(\begin{array}{ccc}
1 & 1 & 3 \\
5 & 2 & 6 \\
-2 & -1 & -3
\end{array}\right)$$

resulta em

$$\left(\begin{array}{ccc}
2 & 2 & 6 \\
10 & 2 & 6 \\
-2 & -2 & -6
\end{array}\right)$$

```
> Func <- function(mat)
+ {
+ mat[mat%%2 == 1] <- 2 * mat[mat%%2 == 1]
+ mat
+ }
> mat<-matrix(c(1,5,-2,1,2,-1,3,6,-3),3,3)
> Func(mat)
```

NOTA: o operador %% devolve o resto da divisão, e.g., 5%%2 é igual a 1.

EXERCÍCIOS LIVRES

Operações Simples

- 1. Realize as seguintes operações atribuindo sempre um objecto à expressão:
 - (a) $4+5*(log_{10}(4)-e^3)$
 - (b) $\sqrt{37} + 4 + 5 * (loq_{10}(4) e^3)$
 - (c) $\sin(\pi \div 2) + \cos(\frac{2\pi}{3})$
- 2. Verifique os objectos que criou na sessão de trabalho.
- 3. Crie uma sequência de valores por ordem decrescente entre 17 e 26.
- 4. Quantos elementos tem a sucessão de valores anterior?
- 5. Crie uma sucessão de valores entre -15 e 89, cujo espaçamento é de 0.5.
- 6. Crie uma sucessão de 30 valores a partir de 15 com um espaçamento de 2.3.
- 7. Crie um vetor alfanumérico com as etiquetas "Paciente" e "Centro de Saúde" com separador nulo e com dimensão 20.
- 8. Considere as seguintes condições:
 - (a) x > 13
 - (b) $x < 13 \land x = 23$
 - (c) $x \in [0, +\infty[$

Qual a condição lógica das seguintes expressões:

- \bullet $(a) \cap (c)$
- $(b) \cup (c)$

•
$$\sim$$
 $(b) \cap (c)$

Vetores, Matrizes e Data Frames

9. Crie dois vetores para as variáveis:

peso	62	70	52	98	90	70
altura	1.70	1.82	1.75	1.94	1.84	1.61

- 10. Quantos elementos têm mais de 90kg e quantos têm menos de 1.70m.
- 11. Para o vetor peso altere o elemento que está na posição 4 para 1.70.
- 12. Calcule o Índice de Massa Corporal (IMC) utilizando os vetores anteriores e guarde os resultados num objecto. Que tipo de objecto é que é o IMC e qual é a sua dimensão.
- 13. Para o vetor IMC acrescente o valor 23.
- 14. Para o vetor IMC atribua um nome para cada elemento de acordo com a seguinte tabela:

Valor IMC	C Estado
20-24	Peso normal
25-29	Excesso de peso
30-35	Obesidade
¿35	Super obesidade

- 15. Crie o vetor x de modo que contenha os seguintes valores: -2,-1,5,6,7,...,15.
- 16. Crie o vetor tipo.sangue com os seguintes elementos:

Α	Α	AB	AB	О	В	В
Α	В	О	О	О	AB	AB
Α	В	О	О	О	Α	A

Identifique o tipo e a dimensão.

- 17. É possível concatenar os vetores tipo.sangue e peso? Em caso afirmativo realize a operação.
- 18. Tranforme o vetor tipo.sangue num fator. Quantos níveis tem este fator. Se quiser obter um fator do tipo ordinal, que função terá de utilizar?
- 19. Verifique para que servem as seguintes funções: solve(A,B) e colSum().
- 20. Considere as seguintes matrizes:

$$A = \begin{pmatrix} 5 & 8 & 0 \\ -2 & 7 & 0.5 \\ 4 & 3 & 3 \end{pmatrix}, B = \begin{pmatrix} 3 & 2 \\ 0 & -2 \\ 7 & 3 \end{pmatrix}, C = \begin{pmatrix} -3 & 4 \\ 0.3 & 5 \\ 7 & 12 \end{pmatrix}$$

Realize as seguintes operações matriciais:

- (a) $A \times B$
- (b) $(B+C)\times 2C$
- (c) B^{-1}

- (d) det(A)
- (e) $(det(A \times B^T))$
- (f) Obtenha a matriz adjunta de A (Â). (Nota: $A^{-1} = \frac{\hat{A}}{\det(A)}$)
- (g) Calcule a média das linhas de A.
- (h) Identifique os elementos a_{21}, b_{13}, c_{12} .
- (i) Selecione a coluna 3 da matriz A.
- (j) Selecione a linha 2 da matriz C.
- (k) Selecione as colunas 2 e 3 da matriz B.
- (l) Atribua os seguintes nomes às colunas de A: Coluna1, Coluna2, Coluna3 e os seguintes nomes às linhas de B: Linha1, Linha2 e Linha3.
- 21. Construa uma lista com a seguinte informação:

Uma experiência conduzida pelo laboratório "ExperiênciasMil", consistiu na análise de três tipos de fármacos para o tratamento da diabetes. A um voluntário do sexo feminino, com 43 anos, foi administrado os três medicamentos, considerando períodos de lavagem de 3 semanas entre cada administração. Após cada toma foi avaliada a glicémia e para cada fármaco obtiveram-se os seguintes resultados: 167, 245,165. Foi ainda avaliada a glicémia antes dos tratamentos: 345.

- 22. Realize as seguintes operações:
 - > data(iris)
 - > plantas<-iris
 - > plantas
 - (a) A partir do editor do R altere o nome das variáveis para português.
 - (b) Qual a dimensão da data frame?
 - (c) Aceda só aos primeiros 15 registos.
 - (d) Liste só a variável correspodente às espécies.
 - (e) Identifique as espécies que têm um comprimento da pétala superior a 6.
 - (f) Proceda à operação attach() para aceder diretamente às variáveis. Para a espécie "setosa", quantas plantas desta espécie têm a largura da sépala inferior a 3?
 - (g) Proceda à operação detach(), realize as seguintes operações e verifique o que elas fazem:
 - > by(data=plantas\$tamanhopétala,INDICES=plantas\$espécie,
 - +FUN=summary)
 - > boxplot(plantas\$tamanhopétala~plantas\$espécie, xlab="Espécie", +ylab="Tamanho da Pétala, main="Tamanho da pétala por espécie")
 - (h) Guarde a data frame plantas usando a função write.table().

Entrada e Saída de Dados

23. Aceda à data frame Orange da biblioteca datasets.

- 24. Construa uma tabela de contingência para as variáveis "year" e "sex" da *data frame* Melanoma, que se encontra na biblioteca MASS.
- 25. Leia os ficheiros que se encontram nos seguintes endereços da Internet:

 "http://personality-project.org/r/datasets/maps.mixx.epi.bfi.data"

 "http://socserv.socsci.mcmaster.ca/jfox/Courses/UCLA/Duncan.txt"

 e guarde-os.

Funções Gráficas

- 26. Considere ainda a *data frame* births e crie um factor tal que identifique a idade das mães entre 30 e 40 anos.
- 27. Use a função anterior para construir um gráfico para as semanas gestacionais e onde se identifiquem as mães com idades entre os 30 e 40 anos.
- 28. Quais são os valores mínimo e máximo para as semanas gestacionais?
- 29. Considere a *data frame* Animals da biblioteca MASS. Construa um gráfico com legendas nos eixos para o peso do cérebro vs o peso do corpo.
- 30. Repita o passo anterior mas agora considere os logaritmos neperianos das variáveis. Utilize as etiquetas das linhas para identificar os pontos com maior peso do corpo.
- 31. Altere a cor de fundo do gráfico anterior.
- 32. Repita os gráficos anteriores mas agora lado a lado na mesma página e guarde-os num ficheiro JPEG.
- 33. Considere a data frame Rabbit da biblioteca MASS. Esta base de dados diz respeito ao estudo de 5 coelhos observados em duas ocasiões: depois do tratamento com um placebo e depois de um tratamento com $5\text{-}HT_3$. Após cada tratamento, uma dose de phenylbiguanide foi injetada em intervalos de 10 minutos (em valores ascendentes) sendo resgistada a pressão sanguínea.
 - (a) Construa um gráfico que corresponda à pressão sanguínea dos coelhos vs a dose.
 - (b) Para o gráfico anterior acrescente título e etiquetas dos eixos.
 - (c) Adicione ao gráfico anterior um título, altere a cor dos pontos para os coelhos que levaram uma dose de 200mg, acrescente na margem de baixo do gráfico: "Consideraram-se os coelhos com os dois tratamentos".

Ciclos e Funções

34. A sequinte função calcula a média e o desvio padrão de um vetor numérico.

```
> media.dp <- function(x){
+ m <- mean(x)
+ dp <- sd(x)
+ c(média=m, desvio_padrão = dp) }
>
> x<-c(2,4,6,8,10,12) # por exemplo
> media.dp(x)
```

Modifique a função de forma que:

- (a) seja aplicada automaticamente a um vetor de 20 números gerados com base na distribuição normal padrão, rnorm(), e calcule apenas o desvio padrão;
- (b) se houver valores omissos, NA, a média e o desvio padrão são calculados a partir dos restantes valores.