






# JUDIT GAGO GONZÁLEZ



- 14/07/1999
- Barcelona
- Técnica de laboratorio
- Estudiante de Genética






# Aprendiendo bioinformática

## *1º Objetivo*

¿Qué esperaba aprender/mejorar?	¿Qué he aprendido?
R Studio: Nivel medio	
Linux: Nivel medio	
RNA-seq: Nivel medio	
Aprender más tipos de gráficos	
GWAS: Nivel básico	

# Aprendiendo bioinformática






## *1º Objetivo*

¿Qué esperaba aprender/mejorar?	¿Qué he aprendido?
<b>R Studio: Nivel medio</b>	
Linux: Nivel medio	
RNA-seq: Nivel medio	
Aprender más tipos de gráficos	
GWAS: Nivel básico	

Gracias al uso de R en la mayoría de las prácticas, he podido aprender paquetes nuevos y he conseguido más soltura al programar en R.

# Aprendiendo bioinformática






## *1º Objetivo*

¿Qué esperaba aprender/mejorar?	¿Qué he aprendido?
R Studio: Nivel medio	
<b>Linux: Nivel medio</b>	
RNA-seq: Nivel medio	
Aprender más tipos de gráficos	
GWAS: Nivel básico	

En la práctica 1 nos centramos en el uso de Linux, y gracias a eso he podido aprender bien los comandos, de los que ahora tengo una lista. He aprendido cómo acceder a diferentes archivos y trabajar con ellos desde la terminal.

# Aprendiendo bioinformática






## *1º Objetivo*

¿Qué esperaba aprender/mejorar?	¿Qué he aprendido?
R Studio: Nivel medio	
Linux: Nivel medio	
<b>RNA-seq: Nivel medio</b>	
Aprender más tipos de gráficos	
GWAS: Nivel básico	

En el caso del RNA-seq no he aprendido nuevos paquetes o analizarlo de diferente manera, pero he mejorado en la fase de pre-analizar los datos y tener una idea de los datos con los que trabajamos. También he aprendido nuevos tipos de gráficos y algunas maneras de mejorar los que ya sabía crear.

# Aprendiendo bioinformática






## *1º Objetivo*

¿Qué esperaba aprender/mejorar?	¿Qué he aprendido?
R Studio: Nivel medio	
Linux: Nivel medio	
RNA-seq: Nivel medio	
<b>Aprender más tipos de gráficos</b>	
GWAS: Nivel básico	

He aprendido nuevos gráficos específicos para RNA-seq y GWAS, además de aprender a hacer cosas nuevas con el paquete ggplot2.

# Aprendiendo bioinformática

## *1º Objetivo*

¿Qué esperaba aprender/mejorar?	¿Qué he aprendido?
R Studio: Nivel medio	
Linux: Nivel medio	
RNA-seq: Nivel medio	
Aprender más tipos de gráficos	
<b>GWAS: Nivel básico</b>	

He aprendido de cero a analizar un estudio de GWAS y a representar los resultados. Con lo que he aprendido creo que podría hacer cualquier estudio básico de GWAS.

# Aprendiendo bioinformática

## *1º Objetivo*

***Algunas cosas extras que he aprendido que no me esperaba al inicio de la asignatura:***

- ✓ Machine learning: Teoría y práctica.
- ✓ Cómo escribir un artículo basado en un análisis bioinformático.
- ✓ Cómo usar github (lo más básico).
- ✓ Algunos conceptos de IA y análisis transcriptómicos.



# Aprendiendo bioinformática

## 2º Objetivo

*¿Para qué me puede servir la bioinformática y cuáles son mis posibilidades a nivel laboral en el futuro?*

### Departamentos de la industria farmacéutica

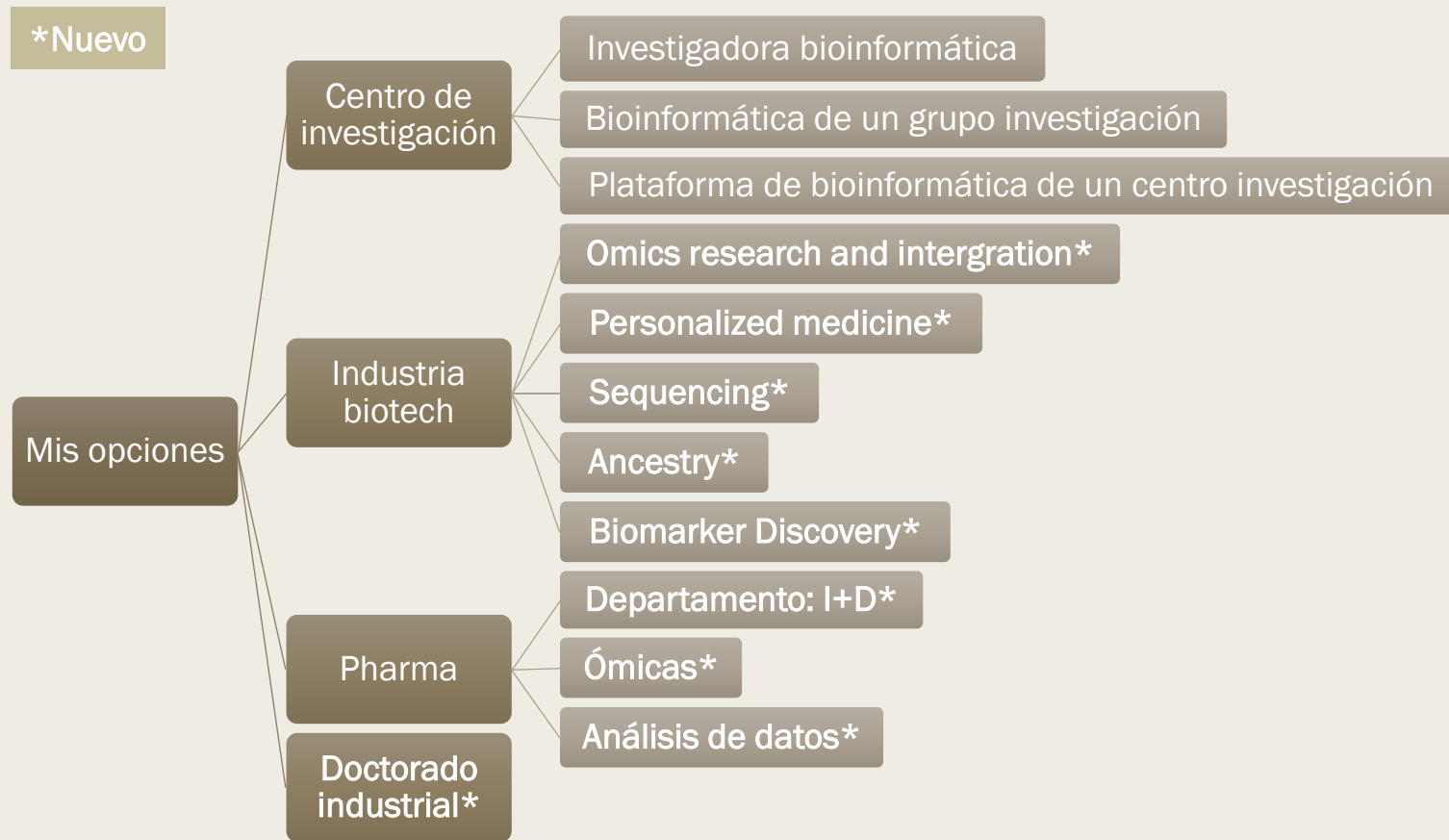
- Sales
- Marketing
- Regulatory affairs
- Manufacturing and quality
- Medical affairs
- I+D
- Market access

### Nuevas opciones laborales

- Comunicación
- Data management and analysis
- Clinical bioinformatics technician
- Enseñanza
- Industrial PhD
- Bioinformatics consultant

# Nuevos objetivos, intereses y futuro laboral

## *Posibilidades: Actualización de mi futuro laboral*



### Funciones

- Análisis de datos ómicos
- Desarrollo de fármacos

### Áreas

- Oncología
- Immunología
- Genómica
- Pharma