*과목명: 생성형AI 활용을 위한 머신러닝 딥러닝

기초-1

모범 답안

필요한 라이브러리 임포트 import pandas as pd import numpy as np from sklearn.preprocessing import MinMaxScaler # 데이터 로드 df = pd.read_csv("diabetes.csv") # 1. 결촉치 처리 (값이 0인 경우를 결촉치로 간주) columns_to_check = ['Glucose', 'BloodPressure', 'SkinThickness', 'Insulin', 'BMI'] for col in columns_to_check: df[col].replace(0, np.nan, inplace=True) df[col].fillna(df[col].mean(), inplace=True) # 2. 이상치 처리 (상위 1% 값을 이상치로 간주)

df[col] = df[col].apply(lambda x: np.nan if x > upper_limit else x)

3. 데이터 정규화 scaler = MinMaxScaler()

df[df.columns] = scaler.fit_transform(df[df.columns])

df[col].fillna(df[col].mean(), inplace=True)

- # 4. 탐색적 데이터 분석
- # 각 열의 결측치 개수 출력

missing_values = df.isnull().sum()
print("결측치 개수:\n", missing_values)

print("설득시 개우:\n", missing_values

for col in ['SkinThickness', 'Insulin']:
 upper_limit = df[col].quantile(0.99)

- # Outcome 에 따른 Glucose 의 평균 값 계산
- glucose_mean_by_outcome = df.groupby('Outcome')['Glucose'].mean()
 print("\nOutcome 에 따른 Glucose 평균:\n", glucose_mean_by_outcome)
- # 결과 확인

print("\n 처리된 데이터셋 첫 5개 행:\n", df.head())

기본-1

```
# 1. 필요한 라이브러리 불러오기
import pandas as pd
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
from sklearn.metrics import mean_absolute_error, mean_squared_error, r2_score
import numpy as np
# 2. 데이터 읽어오기
data = pd.read_csv('train.csv')
# 3. 데이터 전처리
# 결측값 확인 및 처리
missing cols = data.isnull().sum()
high_missing_cols = missing_cols[missing_cols > 0.3 * len(data)].index
data.drop(high_missing_cols, axis=1, inplace=True)
# LotFrontage 결측값 평균 대체
data['LotFrontage'] = data['LotFrontage'].fillna(data['LotFrontage'].mean())
# 범주형 데이터 인코딩
data = pd.get_dummies(data, drop_first=True)
# 불필요한 열 제거
data.drop(['Id'], axis=1, inplace=True)
# 4. 데이터 분리
X = data.drop('SalePrice', axis=1) # 특징 데이터
                                # 타겟 데이터
y = data['SalePrice']
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, test_size=0.2,
random state=42)
# 5. 모델 학습
model = DecisionTreeRegressor(random state=42)
model.fit(X_train, y_train)
```

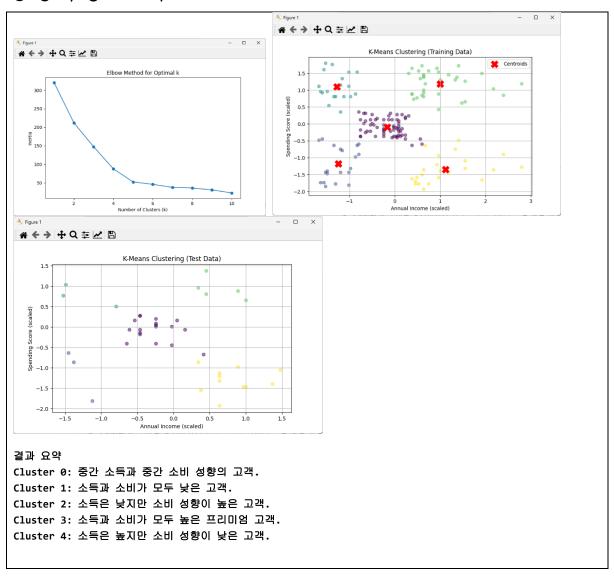
```
# 6. 모델 평가
y_pred = model.predict(X_test)
# 성능 평가 지표 계산
mae = mean absolute error(y test, y pred)
mse = mean_squared_error(y_test, y_pred)
rmse = np.sqrt(mse)
r2 = r2_score(y_test, y_pred)
# 결과 출력
print(f"평균 절대 오차 (MAE): {mae:.2f}")
print(f"평균 제곱 오차 (MSE): {mse:.2f}")
print(f"제곱근 평균 제곱 오차 (RMSE): {rmse:.2f}")
print(f"R2 점수: {r2:.2f}")
PS D:\ai_proj> & C:/Users/jin/AppData/Local/Programs/Python/Python312/python.exe d:/ai_proj/pbl_2.py
평균 절대 오차 (MAE): 26386.46
평균 제곱 오차 (MSE): 1750367239.41
제곱근 평균 제곱 오차 (RMSE): 41837.39
R<sup>2</sup> 점수: 0.77
모델이 평균적으로 약 26,386달러(MAE)의 오차를 내고 있으며, 큰 오차를 포함한 평균적인 오차는 약 41,837달러
(RMSE)입니다.
모델은 주택 가격 변동의 약 77%를 설명(R²)할 수 있으며, 나머지 23%는 설명하지 못한 부분입니다.
모델의 성능은 비교적 양호하지만, MAE와 RMSE가 비교적 크다는 점에서 더 개선이 가능할 여지가 있습니다.
```

기본-2

```
import pandas as pd
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.cluster import KMeans
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.metrics import silhouette score
from sklearn.model selection import train test split
# 1. 데이터 불러오기
# Mall_Customers.csv 파일에서 데이터를 불러옵니다.
data = pd.read_csv("Mall_Customers.csv")
print(data.head())
# 필요한 열 선택
# 고객의 연소득(Annual Income)과 소비 점수(Spending Score)만 선택하여
X = data[['Annual Income (k$)', 'Spending Score (1-100)']]
# 데이터 분리 (80% 학습, 20% 테스트)
# 데이터셋을 학습용 80%, 테스트용 20%로 나눕니다.
X_train, X_test = train_test_split(X, test_size=0.2, random_state=42)
# 데이터 표준화
# K-Means 알고리즘의 성능을 높이기 위해 데이터를 표준화합니다.
scaler = StandardScaler()
X_train_scaled = scaler.fit_transform(X_train) # 학습 데이터 표준화
X_test_scaled = scaler.transform(X_test) # 테스트 데이터 표준화
# 2. 최적의 클러스터 수 찾기 (엘보우 방법)
# 클러스터 수(k)를 1부터 10까지 변경하며 각 클러스터의 관성값(inertia)을
계산합니다.
inertia = []
k_range = range(1, 11)
for k in k_range:
```

```
kmeans = KMeans(n clusters=k, random state=42)
   kmeans.fit(X_train_scaled) # 학습 데이터로 모델 학습
   inertia.append(kmeans.inertia_) # 각 k 에 대한 관성값 저장
# 엘보우 그래프
# 관성값을 시각화하여 최적의 k 값을 결정합니다.
plt.figure(figsize=(8, 5))
plt.plot(k range, inertia, marker='o')
plt.xlabel('Number of Clusters (k)') # 클러스터 수 (k)
plt.ylabel('Inertia')
                               # 관성값 (Inertia)
plt.title('Elbow Method for Optimal k') # 제목
plt.show()
# 최적의 클러스터 수 선택
# 엘보우 그래프에서 최적의 클러스터 수를 5로 선택합니다.
optimal k = 5
kmeans = KMeans(n_clusters=optimal_k, random_state=42)
kmeans.fit(X_train_scaled) # 학습 데이터로 최적의 모델 학습
# 3. 모델 테스트 및 평가
# 테스트 데이터 클러스터 할당
# 학습된 K-Means 모델을 사용해 테스트 데이터에 클러스터를 할당합니다.
test clusters = kmeans.predict(X test scaled)
# Silhouette Score 계산
# 테스트 데이터에 대해 Silhouette Score 를 계산하여 클러스터링 성능을 평가합니다.
silhouette avg = silhouette score(X test scaled, test clusters)
print(f"Silhouette Score on Test Data: {silhouette_avg:.2f}") # Silhouette
점수 출력
# 4. 결과 시각화
# 학습 데이터 시각화
# 학습 데이터를 2차원 공간에 클러스터별로 시각화하고 중심점(Centroid)을
표시합니다.
plt.figure(figsize=(8, 5))
plt.scatter(X_train_scaled[:, 0], X_train_scaled[:, 1], c=kmeans.labels_,
cmap='viridis', alpha=0.5)
plt.scatter(kmeans.cluster_centers_[:, 0], kmeans.cluster_centers_[:, 1],
         s=200, c='red', marker='X', label='Centroids') # 클러스터 중심점
표시
plt.title('K-Means Clustering (Training Data)') # 제목
plt.xlabel('Annual Income (scaled)') # X 축: 연소득 (표준화)
plt.ylabel('Spending Score (scaled)') # Y 축: 소비 점수 (표준화)
```

```
plt.legend() # 범례
plt.grid(True) # 그리드 추가
plt.show()
# 테스트 데이터 시각화
# 테스트 데이터를 2차원 공간에 클러스터별로 시각화합니다.
plt.figure(figsize=(8, 5))
plt.scatter(X_test_scaled[:, 0], X_test_scaled[:, 1], c=test_clusters,
cmap='viridis', alpha=0.5)
plt.title('K-Means Clustering (Test Data)') # 제목
plt.xlabel('Annual Income (scaled)') # X 축: 연소득 (표준화)
plt.ylabel('Spending Score (scaled)') # Y 축: 소비 점수 (표준화)
plt.grid(True) # 그리드 추가
plt.show()
# 클러스터 결과 출력
# 테스트 데이터의 각 고객에 대해 클러스터 할당 결과를 확인합니다.
print("Test Data Cluster Assignments:")
print(pd.DataFrame({'Annual Income': X_test['Annual Income (k$)'].values,
                'Spending Score': X_test['Spending Score (1-
100)'].values,
                'Cluster': test_clusters}))
```



응용-1

```
# 필요한 라이브러리 임포트
import pandas as pd
import numpy as np
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from tensorflow.keras.models import Sequential
from tensorflow.keras.layers import Dense
import matplotlib.pyplot as plt
# 1. 데이터 로드 및 탐색
data = pd.read_csv('titanic.csv')
# 데이터 구조 확인
print("데이터 헤드:")
print(data.head())
print("\n 데이터 정보:")
print(data.info())
# 2. 데이터 전처리
# 필요한 특성 선택
selected_features = ['Pclass', 'Age', 'SibSp', 'Parch', 'Fare']
target = 'Survived'
# 결측값 처리
# Age 는 평균값으로 채움
if data['Age'].isnull().sum() > 0:
   data['Age'].fillna(data['Age'].mean(), inplace=True)
# Fare 는 중앙값으로 채움 (결측값이 있을 경우)
if data['Fare'].isnull().sum() > 0:
   data['Fare'].fillna(data['Fare'].median(), inplace=True)
# 범주형 데이터 처리 (Sex 컬럼 One-Hot Encoding)
if 'Sex' in data.columns:
   data = pd.get_dummies(data, columns=['Sex'], drop_first=True)
   # 각 고유값을 기준으로 새로운 컬럼을 만듭니다. 예: Sex_male, Sex_female
   # drop first=True 로 첫 번째 고유값을 삭제하여 다중공선성 문제를 방지합니다.
```

```
# 선택한 특성 + One-Hot Encoding 으로 생성된 Sex_male 컬럼 포함
if 'Sex male' in data.columns:
   selected_features += ['Sex_male']
else:
   raise KeyError("The column 'Sex male' was not created properly during
One-Hot Encoding.")
# 특성과 타겟 분리
X = data[selected_features]
y = data[target]
# 데이터 정규화
scaler = StandardScaler()
X = scaler.fit_transform(X)
# 3. 데이터 분할
X train, X val, y train, y val = train test split(X, y, test size=0.2,
random state=42)
# 4. 딥러닝 모델 구축
model = Sequential([
   Dense(32, activation='relu', input_shape=(X_train.shape[1],)),
   Dense(16, activation='relu'),
   Dense(1, activation='sigmoid') # 이진 분류이므로 sigmoid 사용
])
# 모델 컴파일
model.compile(optimizer='adam', loss='binary_crossentropy',
metrics=['accuracy'])
# 모델 학습
history = model.fit(X_train, y_train, validation_data=(X_val, y_val),
epochs=20, batch size=32)
# 5. 결과 시각화
# 학습 손실(loss) 및 정확도(accuracy) 시각화
plt.figure(figsize=(12, 5))
# Loss 그래프
plt.subplot(1, 2, 1)
plt.plot(history.history['loss'], label='Train Loss')
plt.plot(history.history['val_loss'], label='Validation Loss')
plt.title('Loss')
plt.xlabel('Epochs')
```

```
plt.ylabel('Loss')
plt.legend()
# Accuracy 그래프
plt.subplot(1, 2, 2)
plt.plot(history.history['accuracy'], label='Train Accuracy')
plt.plot(history.history['val_accuracy'], label='Validation Accuracy')
plt.title('Accuracy')
plt.xlabel('Epochs')
plt.ylabel('Accuracy')
plt.legend()
plt.show()
# 모델 평가
loss, accuracy = model.evaluate(X_val, y_val)
print(f"Validation Accuracy: {accuracy * 100:.2f}%")
N Figure 1
                                                                                 ×
☆←→ + Q = 2 □
                                             0.84
                                 Train Loss
                                 Validation Loss
                                                   Validation Accuracy
                                             0.82
                                             0.80
        0.55
                                           0.78
      Loss
                                           0.76
        0.50
                                             0.74
        0.45
                                             0.72
                                             0.70
        0.40
                      7.5 10.0 12.5 15.0 17.5
                                                           7.5 10.0 12.5 15.0 17.5
```

응용-2

```
import pandas as pd
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.linear_model import LogisticRegression
from sklearn.metrics import classification_report, accuracy_score
# 1. 데이터 로드
# CSV 파일로부터 로그 데이터를 로드하여 DataFrame 으로 저장합니다.
data = pd.read_csv("./web_server_logs_2.csv")
# 2. 속성 생성
# 요청 시간대(hour)를 추출하여 새로운 열로 추가합니다.
data['hour'] = pd.to_datetime(data['timestamp']).dt.hour
# HTTP 상태 코드가 400 이상인 경우 에러로 간주하고 플래그를 설정합니다.
data['is_error'] = (data['status_code'] >= 400).astype(int)
# 악성 요청의 레이블(label)을 생성합니다.
# 에러 플래그(`is_error`)를 기반으로 레이블을 설정합니다 (1: 악성, 0: 정상).
data['label'] = data['is_error']
# 3. 학습 데이터 준비
# 학습에 사용할 주요 속성(features)을 선택합니다.
# - hour: 요청이 이루어진 시간
# - size: 응답 크기
# - is_error: 에러 여부 플래그
features = data[['hour', 'size', 'is_error']]
# 라벨(label)은 악성 여부를 나타내는 `label` 열입니다.
labels = data['label']
# 4. 데이터 분할
# 데이터를 학습 데이터와 테스트 데이터로 분리합니다 (70% 학습, 30% 테스트).
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(features, labels,
test_size=0.3, random_state=42)
# 5. 모델 학습
# Logistic Regression 모델을 학습 데이터에 대해 학습시킵니다.
```

```
model = LogisticRegression()
model.fit(X_train, y_train)

# 6. 모델 평가
# 테스트 데이터를 사용하여 모델의 성능을 평가합니다.
y_pred = model.predict(X_test)

# 정확도(accuracy)를 계산하고 출력합니다.
accuracy = accuracy_score(y_test, y_pred)
print(f"모델 정확도: {accuracy:.2f}")

# 상세한 분류 성능 평가 지표(precision, recall, f1-score 등)를 출력합니다.
print(classification_report(y_test, y_pred))
```

응용-3

```
import pandas as pd
import numpy as np
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
from sklearn.utils import class_weight
from tensorflow.keras.models import Sequential
from tensorflow.keras.layers import Dense, Dropout, Input
from sklearn.metrics import accuracy_score, f1_score, classification_report,
confusion_matrix
# 1. 데이터 로드
data = pd.read_csv('customer_data_balanced.csv') # 고객 데이터를 로드
# 2. 데이터 섞기
data = data.sample(frac=1, random_state=42).reset_index(drop=True) # 데이터를
무작위로 섞음
# 3. 범주형 데이터 변환 (One-hot Encoding)
data = pd.get_dummies(data, columns=['ContractType'], drop_first=True) # 계약
유형을 One-hot 인코딩으로 변환
# 4. 주요 특징과 레이블 분리
X = data.drop('IsChurn', axis=1) # 특징 데이터 (독립 변수)
y = data['IsChurn'].values # 레이블 데이터 (종속 변수, numpy array 로 변환)
# 5. 데이터 정규화
scaler = StandardScaler()
X_scaled = scaler.fit_transform(X) # 데이터 스케일 조정 (평균 0, 분산 1로 정규화)
# 6. 데이터셋 분리
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X_scaled, y, test_size=0.2,
random_state=42)
# 학습 데이터(80%)와 테스트 데이터(20%)로 분리
# 7. 클래스 가중치 설정
class weights = {0: 1.0, 1: 2.0} # 유지 고객(0)과 이탈 고객(1)에 대해 가중치 설정
```

```
# 8. 모델 설계: 딥러닝 모델 생성
model = Sequential([
   Input(shape=(X_train.shape[1],)), # 입력 레이어, 특징 개수와 동일한 입력 크기
   Dense(128, activation='relu'), # 첫 번째 Dense 레이어 (128개 노드, ReLU 활성화
함수)
   Dropout(0.3), # 과적합 방지를 위한 Dropout
   Dense(64, activation='relu'), # 두 번째 Dense 레이어 (64개 노드, ReLU 활성화
   Dropout(0.3), # 과적합 방지를 위한 Dropout
   Dense(32, activation='relu'), # 세 번째 Dense 레이어 (32개 노드, ReLU 활성화
함수)
   Dropout(0.2), # 과적합 방지를 위한 Dropout
   Dense(1, activation='sigmoid') # 출력 레이어 (이진 분류를 위한 Sigmoid 활성화
함수)
])
# 9. 모델 컴파일
model.compile(optimizer='adam', loss='binary_crossentropy',
metrics=['accuracy'])
# 옵티마이저: Adam, 손실 함수: Binary Crossentropy, 평가지표: Accuracy
# 10. 모델 학습
history = model.fit(
   X_train, y_train,
   epochs=30, # 학습 횟수(Epoch)
   batch_size=32, # 배치 크기
   validation_split=0.2, # 학습 데이터의 20%를 검증 데이터로 사용
   class weight=class weights # 클래스 가중치 적용
)
# 11. 테스트 데이터 평가
y pred = (model.predict(X test) > 0.5).astype(int) # 예측 결과를 0 또는 1로 변환
accuracy = accuracy_score(y_test, y_pred) # 정확도 계산
f1 = f1 score(y test, y pred) # F1-Score 계산
print("Accuracy:", accuracy)
print("F1-Score:", f1)
# 12. 성능 분석 보고서 출력
print("\nClassification Report:")
print(classification_report(y_test, y_pred)) # 정밀도, 재현율, F1-Score 출력
# 13. 혼동 행렬 출력
conf matrix = confusion matrix(y test, y pred)
print("\nConfusion Matrix:")
```

print(conf_matrix) # 혼동 행렬 출력

중요 내용 설명

1. 클래스 가중치 설정

class_weights = $\{0: 1.0, 1: 1.5\}$

유지 고객(0)보다 이탈 고객(1)에 더 높은 가중치를 부여.

이탈 고객 데이터가 적기 때문에, 모델이 이탈 고객을 더 중요하게 학습하도록 유도.

2. 모델 설계

Dense(128, activation='relu'),

Dropout(0.3)

Dense Layer: 뉴런 개수를 점진적으로 줄여가며 특징을 학습.

Dropout: 과적합 방지를 위해 학습 중 일부 뉴런을 비활성화.

3. 출력 레이어

Dense(1, activation='sigmoid')

이진 분류 문제이므로 Sigmoid 활성화 함수를 사용해 출력값을 0과 1 사이로 제한.

4. 손실 함수

loss='binary_crossentropy'

이진 분류 문제에 적합한 손실 함수로, 모델이 예측한 확률과 실제 라벨 간의 차이를 계산.

5. 성능 평가

y_pred = (model.predict(X_test) > 0.5).astype(int)

accuracy = accuracy_score(y_test, y_pred)

f1 = f1_score(y_test, y_pred)

예측값이 0.5보다 크면 1(이탈), 작으면 0(유지)로 변환.

정확도(Accuracy)와 F1-Score 로 모델 성능 평가.

6. 혼동 행렬

conf_matrix = confusion_matrix(y_test, y_pred)

혼동 행렬을 통해 각 클래스(유지, 이탈)의 True Positive, False Positive 등을 분석.