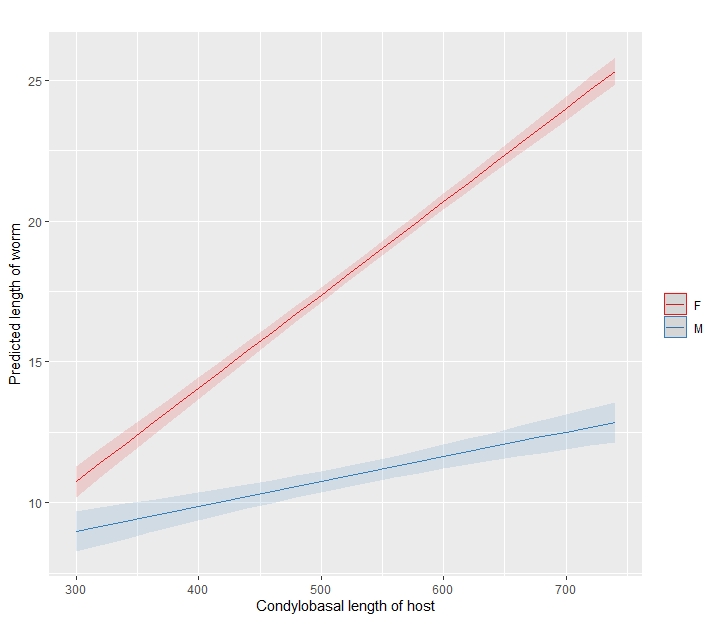
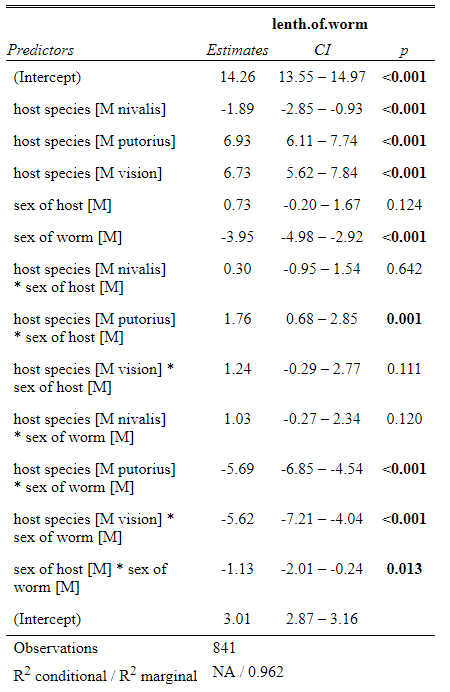
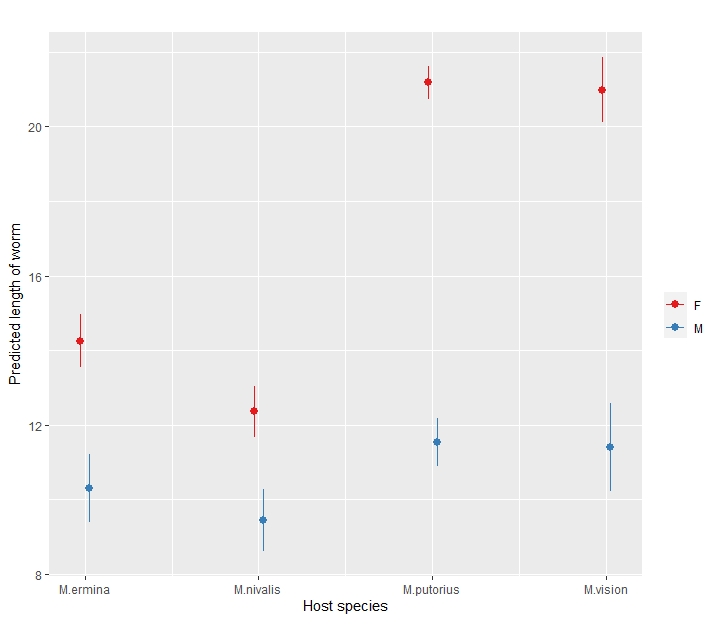
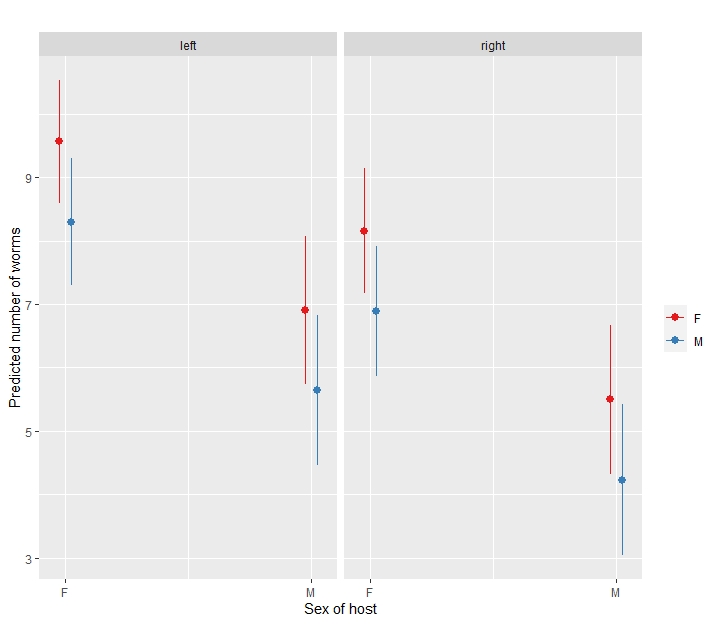
J’ai du faire les modèles d’abord avec condylobasal length et ensuite avec host species puisque c’était corrélé.

Avec CB length :



Avec host species:

Pareil pour le nombre de vers, avec condylobasal length :

Avec host species :

