Metody inteligencji obliczeniowej -Sprawozdanie 8

Algorytm roju cząstek (PSO - particle swarm optimization).

Yuliya Zviarko, 14.05.2025

```
!pip install -q plotly
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
import plotly.graph_objects as go
from tqdm import tqdm
import time
import math
```

Wprowadzenie

Obok metod deterministycznych, znaczącą rolę w optymalizacji zaczynają odgrywać metody heurystyczne. Stanowią one grupę algorytmów poszukujących rozwiązań problemów obliczeniowych w sposób pseudolosowy.

Heurystyka (gr. heurisko – "znajdować") to zbiór specyficznych reguł służących do poszukiwania optymalnych rozwiązań. Bazuje na analogiach do procesów ze świata rzeczywistego, takich jak zachowania stadne zwierząt. Przykładowo, rój cząstek lub stado to grupa osobników jednego gatunku (np. ptaków, ryb), których łączenie się wynika np. z poszukiwania pożywienia.

Algorytm PSO (Particle Swarm Optimization), nazywany też algorytmem roju cząstek, który wykorzystywaliśmy podczas laboratorium, inspirowany jest właśnie zachowaniem żywych populacji w przyrodzie. W takich grupach pojedyncze osobniki mają ograniczone możliwości decyzyjne i komunikacyjne, lecz cała populacja, mimo braku centralnego sterowania, wykazuje cechy inteligencji – potrafi reagować na zmiany środowiska i podejmować wspólne działania.

W modelu numerycznym populację traktuje się jako rój, a każdy osobnik reprezentowany jest przez cząstkę. W kolejnych iteracjach algorytmu cząstki przemieszczają się, symulując adaptację stada do środowiska i poszukując optimum (np. minimum lub maksimum funkcji) po czym algorytm się kończy.

Zadanie 1

Celem zadania pierwszego było wykorzystanie algorytmu PSO do znalezienia minimum globalnego zadanej funkcji:

```
f(x,y) = 2\ln(|x+0.2| + 0.002) + \ln(|y+0.1| + 0.001) + \cos(3x) + 2\sin^2(3xy) + \sin^2(y) - x^2 - 0.5y^2 w przedziale x,y \in [-1,1],
```

przy założeniu że rozwiązanie jest reprezentowane przez wektor [xi, yi].

Naszym zadaniem było zbadać:

- funkcjonowanie algorytmu dla c1=0, c2=2,
- funkcjonowanie algorytmu dla c1=2, c2=0,
- funkcjonowanie algorytmu dla c1 = c2 = 2,2,
- funkcjonowanie dla różnych wartości w.

Za każdym razem należało podać średnie wyniki (wartość funkcji przystosowania) oraz odchylenie standardowe dla 10 wywołań algorytmu i przedstawić przykładowe przebiegi algorytmu na wykresach.

Z tych wariantów trzeba było wybrać najlepszy.

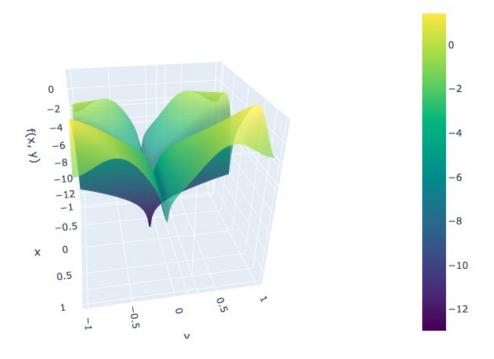
Najpierw zdefiniowałam sobie tę funkcję w Pythonie i sporządziłam wykres 3D, aby lepiej zrozumieć, mniej więcej, czego można się spodziewać. Trudno nadać nazwę tego rodzaju kształtowi, który został zilustrowany, jednak jasne jest, że minimum należy się spodziewać jako pojedynczego punktu na samym ostrym, dolnym elemencie obiektu (~x:-0.19; ~y:-0.09).

```
def fun(x, y):
    return (2 * np.log(np.abs(x + 0.2) + 0.002) +
            np.log(np.abs(y + 0.1) + 0.001) +
            np.cos(3 * x) + 2 * np.sin(3 * x * y)**2 +
            np.sin(y)**2 - x**2 - 0.5 * y**2)
# wykres
x = np.linspace(-1, 1, 100)
y = np.linspace(-1, 1, 100)
X, Y = np.meshgrid(x, y)
Z = fun(X, Y)
surface = go.Surface(z=Z, x=X, y=Y, colorscale='Viridis', opacity=0.7,
name='function')
fig = go.Figure(data=[surface])
fig.update layout(
    title='Zadanie 1 - funckja f(x,y) = 2\ln(|x+0.2|+0.002) + \ln(|y+0.1|
+0.001)+ cos(3x)+2sin^2(3xy)+sin^2(y)-x^2-0.5y^2 $',
    scene=dict(
```

```
xaxis_title='x',
    yaxis_title='y',
    zaxis_title='f(x, y)'
),
    width=800,
    height=600
)
fig.show()
```

```
O Q + Ø 1 # # I
```

$$f(x, y) = 2ln(|x + 0.2| + 0.002) + ln(|y + 0.1| + 0.001) + cos(3x) + 2sin^{2}(3xy) + sin^{2}(y) - x^{2} - 0.5$$



Standardowo importujemy bibliotekę NumPy oraz definiujemy funkcję celu, gdzie parametr p jest wektorem zawierającym współrzędne [x,y].

Metoda pso() stanowi implementację algorytmu roju cząstek (PSO). Przyjmuje następujące parametry wejściowe:

- cost_func funkcja celu; w naszym przypadku jest to wcześniej zdefiniowana funkcja fun(p).
- num_particles liczba cząstek w roju (domyślnie 30).

- max_iter maksymalna liczba iteracji algorytmu (domyślnie 30).
- w współczynnik inercji (inertia weight, domyślnie 0.5). Kontroluje wpływ poprzedniej prędkości cząstki na jej aktualny ruch. Wartość ta będzie modyfikowana w trakcie eksperymentu z różnymi parametrami wejściowymi.
- c1 współczynnik poznania indywidualnego (cognitive component). Określa wpływ najlepszej pozycji znalezionej przez daną cząstkę (pbest). Wartość ta będzie modyfikowana w trakcie eksperymentu z różnymi parametrami wejściowymi.
 - Wyższa wartość c1 zwiększa tendencję cząstek do eksploracji przestrzeni na podstawie własnych doświadczeń, co może prowadzić do większej różnorodności w populacji.
- c2 współczynnik poznania społecznego (social component). Określa wpływ najlepszej pozycji znalezionej przez cały rój (gbest). Wartość ta będzie modyfikowana w trakcie eksperymentu z różnymi parametrami wejściowymi.
 - Wyższa wartość c2 powoduje, że cząstki silniej dążą do pozycji lidera, co przyspiesza zbieżność, ale może zwiększać ryzyko utknięcia w minimum lokalnym.
- bounds granice przeszukiwania przestrzeni rozwiązań (domyślnie przedział [-1,1]).

Algorytm zaczyna się od inicjalizacji roju – cząstki losowane są równomiernie w zadanym zakresie (bounds), a ich prędkości ustawiane są na zero. Dla każdej cząstki zapisywana jest jej początkowa pozycja (best_positions) oraz wartość funkcji celu (best_fitness).

W głównej pętli aktualizowane są prędkości zgodnie ze wzorem:

```
velocities = (
   w * velocities
   + c1 * r1 * (best_positions - particles)
   + c2 * r2 * (swarm_best_position - particles)
)
```

czyli: cząstka zachowuje część poprzedniego ruchu, jest przyciągana do swojej najlepszej pozycji i globalnego optimum.

Pozycje są aktualizowane, a jeśli nowe są lepsze – zapisywane jako nowe best_positions. Podobnie aktualizowane jest swarm_best_position. W każdej iteracji zapisywane są też średnie i najlepsze wartości funkcji celu (avgs, bests_fitness).

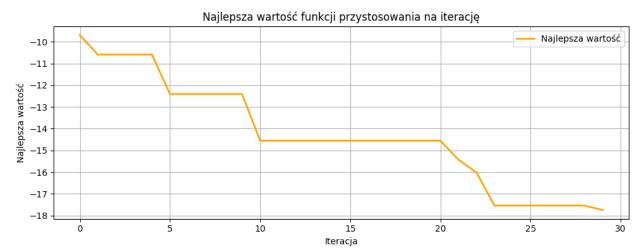
Pierwsze wywolanie algorytmu w celu sprawdzenia jego działania odbyło się dla parametrów: w = 0.5, c1 = 1, c2 = 2.

```
import numpy as np
def fun(p):
    x, y = p
    return (2 * np.log(np.abs(x + 0.2) + 0.002) +
```

```
np.log(np.abs(y + 0.1) + 0.001) +
            np.cos(3 * x) + 2 * np.sin(3 * x * y)**2 +
            np.sin(y)**2 - x**2 - 0.5 * y**2)
# Implementacja algorytmu PSO (Particle Swarm Optimization)
def pso(cost func, dim=2, num particles=30, max iter=30, w=0.5, c1=1,
c2=2, bounds=(-1, 1):
    # Inicjalizacja pozycji i prędkości cząstek
    particles = np.random.uniform(bounds[0], bounds[1],
(num particles, dim))
    velocities = np.zeros((num particles, dim))
    # Inicjalizacja najlepszych znanych pozycji
    best positions = np.copy(particles)
    best fitness = np.array([cost func(p) for p in particles])
    swarm_best_position = best_positions[np.argmin(best_fitness)]
    swarm best fitness = np.min(best fitness)
    # Listy do śledzenia historii optymalizacji
    avgs = []
                        # średnia wartość funkcji w każdej iteracji
    bests fitness = [] # najlepsza wartość funkcji w każdej iteracji
    # Główna pętla optymalizacji
    for i in range(max iter):
        r1 = np.random.rand(num particles, dim)
        r2 = np.random.rand(num particles, dim)
        # Aktualizacja prędkości cząstek
        velocities = (
            w * velocities
            + c1 * r1 * (best positions - particles)
            + c2 * r2 * (swarm best position - particles)
        )
        # Aktualizacja pozycji
        particles += velocities
        particles = np.clip(particles, bounds[0], bounds[1])
        # Ocena funkcji celu
        fitness values = np.array([cost func(p) for p in particles])
         # Aktualizacja najlepszych pozycji lokalnych
        improved = fitness values < best fitness</pre>
        best positions[improved] = particles[improved]
        best fitness[improved] = fitness values[improved]
        # Aktualizacja najlepszej pozycji globalnej
        if np.min(fitness_values) < swarm_best fitness:</pre>
            swarm best position = particles[np.argmin(fitness values)]
```

```
swarm best fitness = np.min(fitness values)
        # Zapis statystyk do historii
        avgs.append(np.mean(fitness values))
        bests fitness.append(swarm best fitness)
    return swarm best position, swarm best fitness, particles, avgs,
bests fitness
# Uruchomienie algorytmu
solution, fitness, final particles, avgs, bests fitness = pso(fun)
print("Najlepsze rozwiązanie:", solution)
print("Najlepsza wartość funkcji:", fitness)
# Wykres 1.
plt.figure(figsize=(10, 4))
plt.plot(avgs, label='Średnia wartość', linewidth=2)
plt.title("Średnia wartość funkcji przystosowania na iterację")
plt.xlabel("Iteracja")
plt.ylabel("Średnia wartość")
plt.grid(True)
plt.legend()
plt.tight layout()
plt.show()
# print(type(bests fitness))
# Wykres 2.
plt.figure(figsize=(10, 4))
plt.plot(bests fitness, label='Najlepsza wartość', color='orange',
linewidth=2)
plt.title("Najlepsza wartość funkcji przystosowania na iterację")
plt.xlabel("Iteracja")
plt.ylabel("Najlepsza wartość")
plt.grid(True)
plt.legend()
plt.tight_layout()
plt.show()
Najlepsze rozwiązanie: [-0.19926258 -0.10017759]
Najlepsza wartość funkcji: -17.746735236279772
```





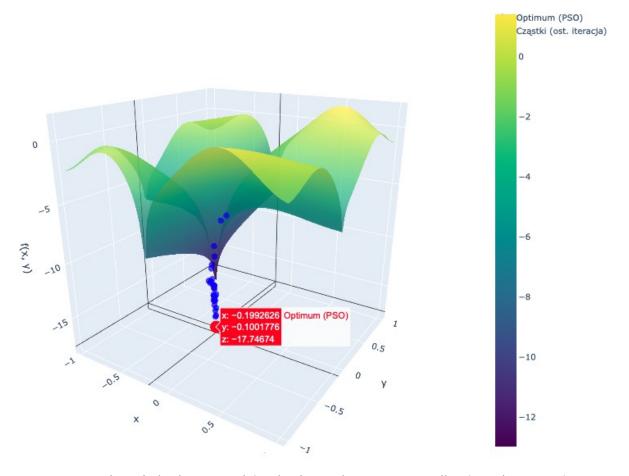
Aby lepiej ocenić wynik optymalizacji, przygotowałam wykres 3D, na którym zaznaczyłam znalezione rozwiązanie jako czerwony punkt. Jak widać, otrzymany wynik jest bardzo zbliżony do prawidłowego rozwiązania, które założyłam na początku analizy.

```
x = np.linspace(-1, 1, 100)
y = np.linspace(-1, 1, 100)
X, Y = np.meshgrid(x, y)
Z = fun([X, Y])

surface = go.Surface(z=Z, x=X, y=Y, colorscale='Viridis', opacity=0.7,
name='Funkcja celu')

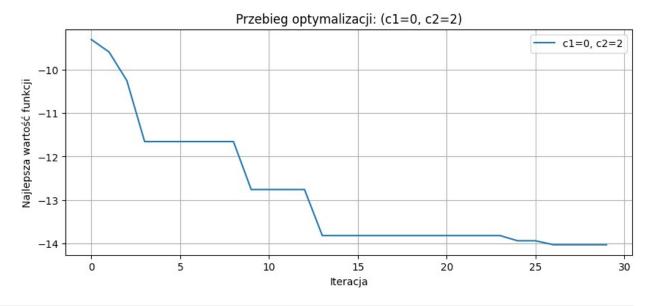
# Punkt najlepszego rozwiązania
best_point = go.Scatter3d(
    x=[solution[0]],
    y=[solution[1]],
    z=[fitness],
    mode='markers',
    marker=dict(
```

```
size=10,
        color='red',
        symbol='circle'
    ),
    name='Optimum (PSO)'
# Pozycje cząstek w ostatniej iteracji
particles_points = go.Scatter3d(
    x=final_particles[:, 0],
    y=final particles[:, 1],
    z=[fun(p) for p in final particles],
    mode='markers',
    marker=dict(
        size=5,
        color='blue',
        opacity=0.7
    ),
    name='Cząstki (ost. iteracja)'
)
fig = go.Figure(data=[surface, best point, particles points])
fig.update layout(
    title='Optymalizacja funkcji metodą PSO',
    scene=dict(
        xaxis title='x',
        yaxis_title='y',
        zaxis_title='f(x, y)',
        camera=dict(
            eye=dict(x=1.5, y=1.5, z=1.5)
    ),
    width=900,
    height=700,
    margin=dict(r=20, l=10, b=10, t=50)
)
fig.show()
```

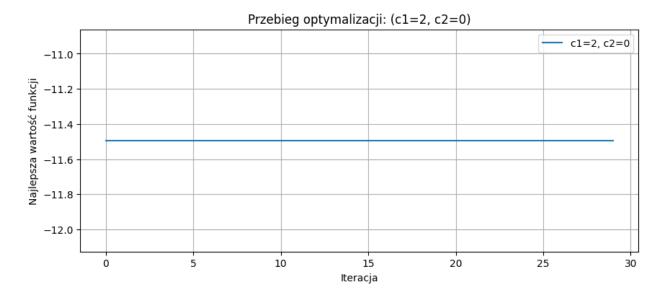


Następnie przystąpiłam do badania wyników działania algorytmu PSO dla różnych zestawów parametrów:

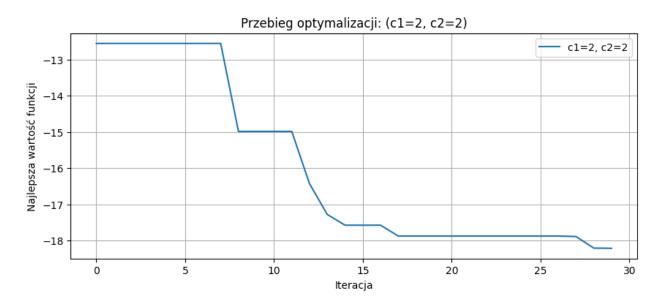
```
c2=case['c2'], w=case['w'])
            fitness_values.append(fitness)
            best history.append(bests)
        plt.figure(figsize=(10, 4))
        plt.plot(best history[0], label=f"c1={case['c1']},
c2={case['c2']}")
        plt.title(f"Przebieg optymalizacji: {case['name']}")
        plt.xlabel("Iteracja")
        plt.ylabel("Najlepsza wartość funkcji")
        plt.grid(True)
        plt.legend()
        plt.show()
        results.append({
            'name': case['name'],
            'mean': np.mean(fitness values),
            'std': np.std(fitness values),
            'params': f"c1={case['c1']}, c2={case['c2']},
w={case['w']}"
        })
    print("\nTestowanie różnych wartości bezwładności (w):")
    for w in tqdm(test w):
        fitness values = []
        best history = []
        for _ in range(10):
            _{-}, fitness, _{-}, _{-}, bests = pso(fun, c1=1, c2=2, w=w)
            fitness values.append(fitness)
            best history.append(bests)
        plt.figure(figsize=(10, 4))
        plt.plot(best history[0], label=f"w={w}")
        plt.title(f"Przebieg optymalizacji dla różnych w (c1=1,
c2=2)")
        plt.xlabel("Iteracja")
        plt.ylabel("Najlepsza wartość funkcji")
        plt.grid(True)
        plt.legend()
        plt.show()
        results.append({
            'name': f"Test dla w={w}",
            'mean': np.mean(fitness values),
            'std': np.std(fitness values),
            'params': f"c1=1, c2=2, w=\{w\}"
        })
    print("\n")
    print("Test".ljust(50), "Średnia".ljust(15),
```



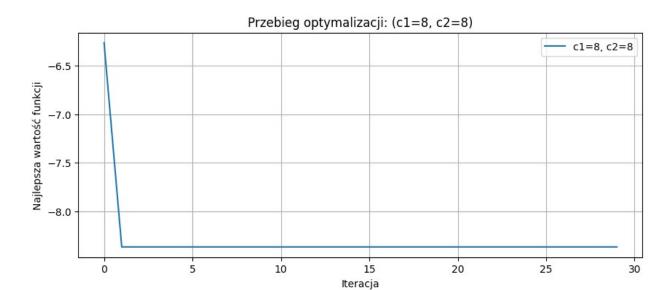
25%| | | 1/4 [00:00<00:02, 1.35it/s]







75%| 3/4 [00:01<00:00, 1.64it/s]



100%| 4/4 [00:02<00:00, 1.66it/s]

Testowanie różnych wartości bezwładności (w):

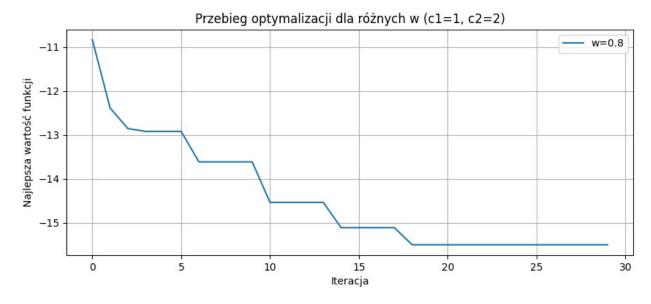
0%| | 0/5 [00:00<?, ?it/s]



20%| | 1/5 [00:00<00:02, 1.85it/s]



40%| | 2/5 [00:01<00:01, 1.87it/s]



60%| 3/5 [00:01<00:01, 1.66it/s]



80%| 4/5 [00:02<00:00, 1.73it/s]



100%	5/5 [00:02<00:00,	1.79it/s]	
Test Odchylenie (c1=0, c2=2) c1=0, c2=2, w=0 (c1=2, c2=0) c1=2, c2=0, w=0			Średnia

(c1=2, c2=2)	-16.932441 0.963910	
c1=2, $c2=2$, $w=0.5$		
(c1=8, c2=8)	-9.356601 0.758021	
c1=8, c2=8, w=0.5		
Test dla w=0.2	-18.206558 0.815139	
c1=1, $c2=2$, $w=0.2$		
Test dla w=0.5	-17.314204 1.089400	
c1=1, c2=2, w=0.5		
Test dla w=0.8	-15.159730 1.420230	
c1=1, c2=2, w=0.8		
Test dla w=1.0	-13.273082 1.588468	
c1=1, $c2=2$, $w=1.0$		
Test dla w=1.2	-11.734769 1.659161	
c1=1, $c2=2$, $w=1.2$		
NAJLEPSZY WYNIK: Test dla w=0.2		
Średnia wartość: -18.206558		
Parametry: $c1=1$, $c2=2$, $w=0.2$		
1 a 1 a 11 e 1 e 1 e 1 e 1 e 1 e 1 e 1 e		

W pierwszej części eksperymentu, gdy testowano algorytm dla różnych parametrów c, wyraźnie widoczna była przewaga kombinacji (c1=2, c2=2). Wynika to z faktu, że wyższy współczynnik c1 zwiększa tendencję cząstek do eksploracji przestrzeni na podstawie własnych doświadczeń, podczas gdy wyższy c2 wzmacnia dążenie cząstek do podążania za 'liderem' roju. Choć to drugie przyspiesza zbieżność, istnieje ryzyko utknięcia w minimum lokalnym.

Dla celów eksperymentalnych przetestowałam również ekstremalne wartości c1=8 i c2=8. Wynik (-9.356601 ± 0.758021) potwierdził przypuszczenia - algorytm utknął w minimum lokalnym, co nie jest pożądanym efektem. Potwierdza to konieczność doboru współczynników c1 i c2 o umiarkowanych wartościach.

W przypadku innych testowanych kombinacji wyniki były zbliżone do oczekiwań, jednak zauważalne były pewne prawidłowości. Gdy przeważał składnik społeczny (c2), obserwowano problem ograniczonej eksploracji - wszystkie cząstki zachowywały się jak jedna zwarta grupa podążająca za liderem, co na wykresie objawiało się prostą linią. Z kolei przy przewadze składnika indywidualnego (c1) cząstki kierowały się swoimi najlepszymi pozycjami, co wprawdzie sprzyjało eksploracji, ale utrudniało zbieżność do wspólnego rozwiązania. W tym przypadku algorytm stopniowo osiągał minimum lokalne, ale działało to wolniej ze względu na wiele niezależnych optymalizatorów. Zatem najlepsze rezultaty dawała kombinacja z c1>0 i c2=0, niż z c1=0 i c2>0.

W ogólnym przypadku należy dążyć do sytuacji, gdzie oba współczynniki są dodatnie (c1>0 i c2>0), ale o umiarkowanych wartościach. Zbyt wysokie wartości mogą prowadzić do niepożądanych efektów.

W drugiej części eksperymentu badano wpływ parametru w (współczynnika inercji) na działanie algorytmu. Najlepsze wyniki osiągnięto dla najmniejszej testowanej wartości w=0.2. Taka wartość sprzyja umiarkowanej eksploracji przestrzeni rozwiązań. Wyższe wartości początkowe pogarszały wyniki, prawdopodobnie dlatego, że cząstki nie nadążały z przeszukiwaniem

obiecujących obszarów. Optymalny wybór to wartości z zakresu 0.2-0.5. Najlepszą praktyką będzie stopniowe zmniejszanie wartości.'w' w trakcie działania algorytmu, np. liniowo lub w sposób adaptacyjny.

Zadanie 2

W zadaniu 2 uzyskany najlepszy wynik w miarę możliwości należało porównać z algorytmem genetycznym – dedykowanym dla optymalizacji tej samej funkcji. Zakładamy użycie takiej samej liczby epok dla obu algorytmów. Należało również porównać czas działania obydwu algorytmów.

W rozwiązaniu użyłam wersji PSO, w której parametry wejściowe ustawiono na: w = 0.2, c1 = 1, c2 = 2. Algorytm dla tych wartości nie wykazuje znaczących różnic w porównaniu do wersji testowanej wcześniej.

Dodatkowo zaimplementowałam algorytm genetyczny (GA). Algorytm zaczyna od losowej inicjalizacji populacji rozwiązań. Następnie w każdej iteracji wybiera najlepsze osobniki, krzyżuje je ze sobą i wprowadza losowe mutacje. Nowa populacja powstaje przez wybranie najlepszych rozwiązań spośród rodziców i potomstwa. Proces powtarza się, stale śledząc najlepsze osiągnięte rozwiązanie, aż do spełnienia warunków stopu.

```
import numpy as np
import time
import matplotlib.pyplot as plt
def fun(p):
    x, y = p
    return (2 * np.log(np.abs(x + 0.2) + 0.002) +
            np.log(np.abs(y + 0.1) + 0.001) +
            np.cos(3 * x) + 2 * np.sin(3 * x * y)**2 +
            np.sin(y)**2 - x**2 - 0.5 * y**2)
def pso(cost func, dim=2, num particles=30, max iter=30, w=0.2, c1=1,
c2=2, bounds=(-1, 1):
    particles = np.random.uniform(bounds[0], bounds[1],
(num particles, dim))
    velocities = np.zeros((num particles, dim))
    best positions = np.copy(particles)
    best fitness = np.array([cost func(p) for p in particles])
    swarm best position = best positions[np.argmin(best fitness)]
    swarm best fitness = np.min(best fitness)
    avgs = []
    bests fitness = []
    for _ in range(max_iter):
        r1 = np.random.rand(num particles, dim)
        r2 = np.random.rand(num particles, dim)
```

```
velocities = (
            w * velocities
            + c1 * r1 * (best positions - particles)
            + c2 * r2 * (swarm best position - particles)
        particles += velocities
        particles = np.clip(particles, bounds[0], bounds[1])
        fitness values = np.array([cost func(p) for p in particles])
        improved = fitness values < best fitness</pre>
        best positions[improved] = particles[improved]
        best fitness[improved] = fitness values[improved]
        if np.min(fitness values) < swarm best fitness:</pre>
            swarm best position = particles[np.argmin(fitness values)]
            swarm best fitness = np.min(fitness values)
        avgs.append(np.mean(fitness values))
        bests fitness.append(swarm best fitness)
    return swarm best position, swarm best fitness, avgs,
bests fitness
def genetic algorithm(cost func, dim=2, pop size=30, max iter=30,
mutation rate=0.1, bounds=(-1, 1):
    population = np.random.uniform(bounds[0], bounds[1], (pop size,
dim))
    fitness values = np.array([cost func(ind) for ind in population])
    best index = np.argmin(fitness values)
    best solution = population[best index]
    best fitness = fitness values[best index]
    avgs = []
    bests fitness = []
    for in range(max iter):
        parents indices = np.random.choice(pop size, size=(pop size //
2, 2), replace=True)
        offspring =
np.array([population[np.argmin(fitness values[parent pair])] for
parent pair in parents indices])
        crossover points = np.random.randint(0, dim, size=(pop size //
2,))
        for i, cp in enumerate(crossover points):
            offspring[i, cp:] =
population[np.random.randint(pop size), cp:]
        mutations = np.random.uniform(bounds[0], bounds[1],
offspring.shape) * mutation rate
```

```
offspring += mutations
        offspring = np.clip(offspring, bounds[0], bounds[1])
        offspring fitness = np.array([cost func(ind) for ind in
offspring])
        population = np.vstack([population, offspring])
        fitness values = np.concatenate([fitness values,
offspring_fitness])
        best indices = np.argsort(fitness values)[:pop size]
        population = population[best indices]
        fitness values = fitness values[best indices]
        best index = np.argmin(fitness values)
        best solution = population[best index]
        best fitness = fitness values[best index]
        avgs.append(np.mean(fitness values))
        bests fitness.append(best fitness)
    return best solution, best fitness, avgs, bests fitness
pso times = []
ga times = []
pso scores = []
ga scores = []
print("PSO/GA")
for i in range(10):
    print(f"\nTest {i + 1}")
    start pso = time.time()
    sol_pso, fit_pso, _, _ = pso(fun, c1=1, c2=2, w=0.2)
    time pso = time.time() - start pso
    start ga = time.time()
    sol_ga, fit_ga, _, _ = genetic_algorithm(fun)
time_ga = time.time() - start_ga
    print(f"PSO: Fitness = {fit pso:.6f}, Czas = {time pso:.4f}s")
    print(f"GA : Fitness = {fit ga:.6f}, Czas = {time ga:.4f}s")
    pso times.append(time pso)
    ga times.append(time ga)
    pso scores.append(fit pso)
    ga scores.append(fit ga)
print(f"Średni czas PSO: {np.mean(pso times):.4f}s")
print(f"Średni czas GA : {np.mean(ga_times):.4f}s")
print(f"Średni fitness PSO: {np.mean(pso_scores):.6f}")
print(f"Średni fitness GA : {np.mean(ga scores):.6f}")
```

```
PSO/GA
Test 1
PSO: Fitness = -18.526669, Czas = 0.0416s
GA : Fitness = -17.125175, Czas = 0.0535s
Test 2
PSO: Fitness = -18.535303, Czas = 0.0411s
GA : Fitness = -16.052982, Czas = 0.0467s
Test 3
PSO: Fitness = -12.677314, Czas = 0.0306s
GA : Fitness = -15.929879, Czas = 0.0235s
Test 4
PSO: Fitness = -18.490466, Czas = 0.0214s
GA : Fitness = -14.996132, Czas = 0.0244s
Test 5
PSO: Fitness = -18.537844, Czas = 0.0286s
GA : Fitness = -14.754071, Czas = 0.0457s
Test 6
PSO: Fitness = -8.350143, Czas = 0.0437s
GA : Fitness = -14.729941, Czas = 0.0534s
Test 7
PSO: Fitness = -18.535447, Czas = 0.0246s
GA : Fitness = -15.375811, Czas = 0.0233s
Test 8
PSO: Fitness = -14.481747, Czas = 0.0448s
GA : Fitness = -15.594051, Czas = 0.0260s
Test 9
PSO: Fitness = -18.320749, Czas = 0.0230s
GA : Fitness = -16.655026, Czas = 0.0244s
Test 10
PSO: Fitness = -18.533101, Czas = 0.0399s
GA : Fitness = -15.287234, Czas = 0.0597s
Średni czas PSO: 0.0339s
Średni czas GA: 0.0381s
Średni fitness PSO: -16.498878
Średni fitness GA: -15.650030
```

Na podstawie uzyskanych wyników można stwierdzić, że algorytm PSO wykazał się wyższą skutecznością niż algorytm genetyczny (GA) dla rozpatrywanej funkcji celu. Średnia wartość funkcji fitness osiągnięta przez PSO była lepsza (-18.533 vs -15.287), przy porównywalnych czasach wykonania obu metod (z niewielką przewagą PSO).

PSO charakteryzuje się szybszą zbieżnością i większą stabilnością w odnajdywaniu wartości bliskich optimum globalnemu. Wynika to z mechanizmu aktualizacji pozycji cząstek, który uwzględnia zarówno najlepsze lokalne, jak i globalne wyniki. GA, jako metoda ewolucyjna, jest bardziej podatna na utknięcie w minimum lokalnym i często wymaga większej liczby iteracji oraz bardziej złożonego strojenia parametrów(prawdopodobieństwa, krzyżowania, mutacji).

PSO lepiej radzi sobie w przestrzeniach ciągłych, gdzie zmienne mogą przyjmować dowolne wartości. GA, ze względu na swoją strukturę dyskretną i losowe operacje genetyczne, gorzej radzi sobie w przypadku skomplikowanych przestrzeni poszukiwań.

Bibliografia

- https://www.researchgate.net/publication/ 322164684_Metody_roju_czastek_w_optymalizacji_procesow_transportowych_i_logi stycznych_Particle_swarm_methods_in_optimization_of_transport_and_logistic_processes
- 2. https://www.researchgate.net/post/Can-you-please-list-main-advantages-of-PSO-over-GA
- 3. https://www.rose-hulman.edu/class/cs/csse453/archive/2011-12/presentations/PSOvsGA.pdf