

cvapr projects

From: Katarzyna Stapor katarzyna.stapor@polsl.pl

To: Michał Ślusarczyk (michslu093) michslu093@student.polsl.pl, Oliwia Prudziec (oliwpru915) oliwpru915@student.polsl.pl, Marek Kawalski (marekaw987) marekaw987@student.polsl.pl, Michał Kliemt (michkli033) michkli033@student.polsl.pl

Date: Thu, 23 Mar 2023, 15:55



dane.zip 2 MB

opis.pdf 353 KB

ss-svm0.pdf 216 KB

ss-svm1.pdf 399 KB

w załączeniu:

opis projektu - każda sekcja wybierze sobie 1 z 4 klasyfikatorów oczywiście nie te same
zbior bialek - dane.zip - treningowy walidacyjny i testowy - format białko jako string 20
aminokwasów oraz klasa

2 przykładowe tylko artykuły opisujące akurat jakąś wersję klasyfikatora svm - tu są definicje miar
Q3 i SOV oraz objaśniony sposób kodowania wejściowego białka

Język implementacji klasyfikatora - R z bibliotekami

Proszę o zapoznanie się dokładnie i ewentualne pytania

Jesli konieczne to możemy zrobić 1 spotkanie wspólne dla wyjaśnienia

Wybór rodzaju biblioteki dla klasyfikatora w R, sposobu łączenia binarnych klasyfikatorów
zależy od Was

kontaktujemy się emailowo tylko przez przedstawiciela sekcji

proszę o potwierdzenie przedstawicieli wszystkich 4 sekcji

prof. dr hab. inż. Katarzyna Stapor

Katedra Informatyki Stosowanej

Wydział Automatyki Elektroniki Informatyki

Politechnika Śląska

Akademicka 16

44-100 Gliwice
