Introduction à la bioinformatique (UE SSV3U15) TP6. Variations génétiques Diaporama d'accompagnement du TP

Aitor Gonzalez & <u>Jacques van Helden</u>



Objectifs et exemples traités

Objectifs

- Apprendre à utiliser des ressources bioinformatique en ligne pour analyser le lien entre variations génétiques et maladies humaines
- Faire le lien entre la diversité inter-populationnelle des variations et la répartition géographique de certaines maladies génétiques
- Cas d'étude : la drépanocytose (= anémie falciforme)

Exemples traités durant le TP

 Au cours de ce TP, nous étudierons une maladie humaine appelée drépanocytose (synonyme : anémie falciforme). Nous explorerons la base génétique de cette maladie et nous nous baserons sur cette analyse génétique pour comprendre les différences de sa prévalence dans différentes populations.

Connaissances et compétences acquises au cours de ce TP

Notions mises en pratique

- Variation génomique, variant
- Relations séquence structure fonction d'une protéine
- Bases de données biologiques : maladies, gènes, protéines et variantes génétiques

N'oubliez pas que vous pouvez à tout moment consulter le glossaire du cours pour obtenir une définition sommaire des principaux termes utilisés.

Compétences

A l'issue de ce TP, vous devriez avoir acquis les compétences suivantes.

- Rechercher des informations sur une maladie
- Identifier les populations le plus touchés sur une maladie
- Identifier les gènes associés à maladie génétique
- Rechercher les variations génétiques connues causent la drépanocytose
- Analyser la fréquence des variations génétiques dans des populations
- Analyser l'impact des variations génétiques sur la santé
- Faire le lien entre modifications de la séquence/structure/fonction d'une protéine et pathologie associée

Déroulé du TP

Etapes

- Etape 1
- Etape 2
- ...

Complétion

- Tous les exercices doivent être réalisés par chaque étudiant.
- En principe, l'ensemble des exercices devraient être complétés en séance (avec explications par les enseignants).
- Si nécessaire, ils pourront être terminés ultérieurement.



Ressources bioinformatiques utilisées

Nom	URL	Description
MedlinePlus	https://medlineplus.gov	A trusted health information website that provides easy-to-understand medical information and resources for patients and healthcare professionals.
Centers for Disease Control and Prevention (CDC)	https://www.cdc.gov	The national public health agency in the U.S. responsible for disease prevention, control, and public health data dissemination.
UniProt	https://www.uniprot.org	A comprehensive, freely accessible database of protein sequence and functional information used for biological research.
UCSC Genome Browser	https://genome.ucsc.edu	A web-based tool for exploring the reference genome sequences and their annotations across various species, enabling researchers to visualize genomic data.
NCBI dbSNP	https://www.ncbi.nlm.nih.gov/snp	A database of single nucleotide polymorphisms (SNPs) and other small genetic variations, hosted by the National Center for Biotechnology Information (NCBI).
International Genome Sample Resource (IGSR)	https://www.internationalgenome.org	A repository and resource for genomic data from global populations, building on the 1000 Genomes Project to support genetic diversity research.
PubMed	https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov	A free search engine primarily accessing the MEDLINE database of references and abstracts on life sciences and biomedical topics.

Recherche Medline plus : qu'est-ce que la drépanocytose ?

- Ouvrez une connexion à Medline plus (https://medlineplus.gov/)
- Effectuez une recherche de l'expression "sicke cell disease" (nom anglais de l'anémie falciforme)
- Lisez le résumé "What- is sickle cell disease (SCD) ?".

Sur Ametice, répondez au questionnaire 1

