





Kierunek: Informatyka, sem. 4

Przedmiot: Metody i narzędzia sztucznej inteligencji

Laboratorium nr 2

**Temat**: Kodowanie i dekodowanie rozwiązań w algorytmie genetycznym

Opracował: I. Czarnowski, A. Skakovski

#### Nieco teorii:

W algorytmie genetycznym poszukiwanie potencjalnych i dopuszczalnych rozwiązań prowadzone jest poprzez zakodowanie parametrów zadania w postać tak zwanych chromosomów. W klasycznym algorytmie genetycznym do zakodowania parametrów zadania stosuje się kodowanie binarne, podczas gdy inne algorytmy ewolucyjne przetwarzają chromosomy składające się z liczb rzeczywistych (kodowanie zmiennopozycyjne) lub mogą być pewną permutacją (kodowanie permutacyjne). Możliwe są więc różne reprezentacje rozwiązań. Niemniej jednak wybór sposobu kodowania parametrów zadania może być wymuszony przez szereg różnych czynników.

Kodowanie binarne wykorzystuje system dwójkowy do zapisu potencjalnych rozwiązań w postać chromosomu. Przypuśćmy że chcemy maksymalizować funkcję n zmiennych rzeczywistych  $f(x_1, ..., x_n) \colon R^n \to R$ . Przypuśćmy, że każda ze zmiennych  $x_i$  może przybierać wartości z przedziału  $D_i = [a_i, b_i] \subseteq R$  i  $f(x_1, ..., x_n) > 0$  dla wszystkich  $x_i \in D_i$ . Chociaż wielkości wartości zmiennej  $x_i$  są ograniczone przez  $a_i$  i  $b_i$ , to ilość tych wartości jest nieskończona ze względu na naturę liczb rzeczywistych. Rozpatrzmy przykład gdy  $x_i \in [-2, 2]$ . Na rysunku niżej czarne kółeczka reprezentują "wszystkie" możliwe wartości rzeczywiste zmiennej  $x_i$  z przedziału [-2, 2].

Aby uzyskać reprezentację wartości zmiennej  $x_i$  w postaci binarnej będziemy kodować tylko niektóre ze wszystkich możliwych wartości rzeczywistych z danego przedziału. O tym, które i ile wartości będziemy kodować decyduje dokładność liczb rzeczywistych, którą przyjmiemy. W przypadku ogólnym aby uzyskać żądaną dokładność, każdy z przedziałów  $D_i$  należy podzielić na  $(b_i-a_i)\cdot 10^d$  podprzedziałów. Granice tych podprzedziałów będą wyznaczać wartości różniące się o  $10^{-d}$ . Przyjmijmy, że będziemy rozpatrywać liczby rzeczywiste z dokładnością d miejsc po przecinku. Gdy przyjmiemy d=1, to z przedziału [0,1] trzeba będzie zakodować tylko (10+1) liczb różniących się o 0,1 ( $_++1$ " uwzględnia  $_+0$ "), gdy d=2, to - (100+1) różniących się o 0,01, gdy d=3, to - (1000+1) liczb różniących się o 0,001 i td. Na rysunku niżej został pokazany przypadek dla d=2. Na tym rysunku czarne kółeczka reprezentują liczby, które będziemy kodować (kolejne liczby różnią się o 0,01), a szare kółeczka pokazują wszystkie liczby rzeczywiste, których kodować nie będziemy. Więc teraz mamy skończoną ilość liczb do zakodowania w postać binarną. W naszym przykładowym przedziale [-2,2] jest ich (400+1).

Wszystkie wyodrębnione z tego przedziału liczby możemy ponumerować. W taki sposób liczba "-2,00" otrzyma numer "0", liczba "-1,99" – numer "1", "-1,98" - numer "2" i td. Natomiast liczba "1,99" otrzyma numer "399", a "2,00" – numer "400". Ponieważ uzyskane numery są liczbami całkowitymi – łatwo je zakodować w postać binarną. W taki sposób pierwotna liczba rzeczywista będzie reprezentowana przez wartość binarną jej numeru. Czyli w przyjętej metodzie kodowania kodujemy binarnie nie samą liczbę rzeczywistą, lecz jej numer. Mając numer liczby







rzeczywistej łatwo możemy odtworzyć jej pierwotną wartość za pomocą formuły podanej w podpunkcie "DEKODOWANIE CIAGU BINARNEGO".

O ilości bitów potrzebnych do zakodowania numerów rozpatrywanych liczb rzeczywistych decyduje wartość największego numeru. Niech dalej przez  $m_i$  będziemy oznaczać najmniejszą liczbę całkowitą taką, że:

$$(b_i - a_i) \cdot 10^d \le 2^{m_i} - 1$$
,

gdzie  $m_i$  - najmniejsza liczba bitów potrzebnych do zakodowania liczby podprzedziałów  $(b_i-a_i)\cdot 10^d$ . Liczbę  $m_i$  można obliczyć ze wzoru:

$$m_i = \left[ log_2((b_i - a_i) \cdot 10^d) \right]$$

Wówczas reprezentacja, w oczywisty sposób będzie spełniać wymagania dokładności.

# KODOWANIE BINARNE ZMIENNEJ $x_i$

Aby zakodować wartość zmiennej rzeczywistej  $x_i$  za pomocą ciągu binarnego należy najpierw obliczyć dziesiętną wartość tego ciągu binarnego  $decimal(1101...011_2)$  ze wzoru:

$$decimal(1101 \dots 011_2) = (x_i - a_i) / \frac{b_i - a_i}{2^{m_i} - 1},$$

i następnie przekonwertować otrzymaną wartość dziesiętną  $decimal(1101 \dots 011_2)$  na docelowy ciąg binarny  $1101 \dots 011_2$ . Tak otrzymany ciąg binarny będzie reprezentował wartość zmiennej rzeczywistej  $x_i$ .

## **DEKODOWANIE CIAGU BINARNEGO**

Aby odkodować wartość zmiennej rzeczywistej  $x_i$  z ciągu binarnego reprezentującego  $x_i$  korzystamy ze wzoru:

$$x_i = a_i + decimal(1101 \dots 011_2) \cdot \frac{b_i - a_i}{2^{m_i} - 1}$$

gdzie  $decimal(1101...011_2)$  jest równy dziesiętnej wartości łańcucha binarnego kodującego wartość zmiennej rzeczywistej  $x_i$ .

### REPREZENTACJA CHROMOSOMU

Poszukując rozwiązania związanego z maksymalizacją funkcji f o n zmiennych, chromosom reprezentujący potencjalne rozwiązanie będzie reprezentowany przez strukturę składającą się z n genotypów. W takim chromosomie poszczególne genotypy będą odpowiadały poszczególnym zmiennym  $x_i$  reprezentowanym przez odpowiednie ciągi binarne. Mianowicie, pierwsze  $m_1$  bitów chromosomu (GENOTYP 1) będą odpowiadać wartości zmiennej  $x_1$  z przedziału  $[a_1,b_1]$ , druga grupa bitów  $m_2$  (GENOTYP 2) będzie odpowiadać wartości zmiennej  $x_2$  z przedziału  $[a_2,b_2]$ , itd. Łącząc wszystkie geny w jeden ciąg binarny otrzymujemy chromosom o długości  $m=\sum_{i=1}^n m_i$ .

	$x_1 = GENOTYP 1$						$x_2 = GENOTYP 2$									$x_n = \text{GENOTYP } n$									
	0	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	•••		• • •	• • •	• • •	•••	<i>m</i> -2	<i>m</i> -1	m
CHROMOSOM →	1	1	0	1	0	1	1	1	0	0	0	0	1	0	1	1	•••	0	1	0	0	1	0	0	1







długości, jak wektor rozwiązania, tj. składa się z liczb rzeczywistych, których liczba jest równa liczbie zmiennych w zadaniu.

#### Polecenia:

1. Dana jest funkcja dwóch zmiennych

$$f(x_1, x_2) = -x_1^2 - x_2^2 + 2$$
, gdzie  $-2 \le x_1 \le 2$  oraz  $-2 \le x_2 \le 2$ , (1)

a celem zadania optymalizacyjnego byłoby wyznaczenie takiego  $x_1$  i  $x_2$  dla których f osiąga wartość maksymalną, tj.  $f(x_1, x_2) \to max$  przy zachowaniu ograniczeń dla  $x_1$  i  $x_2$ .

Zakładając, że interesuje nas dokładność do 5 miejsca po przecinku wykonaj poniższe polecenia.

- a) Ile bitów jest potrzebne do zapisania każdej ze zmiennych?
- b) Jaką długość (ile bitów łącznie) będzie posiadać potencjalne rozwiązanie (czyli chromosom)?
- c) Korzystając z mechanizmu losowego utwórz ciąg 0-1 będący reprezentacją potencjalnego rozwiązania, zapisanego w postaci wektora jednowymiarowego (tablica jednowymiarowa).
- d) Odkoduj utworzony ciąg 0-1, wyznacz wartości zmiennych  $x_1$  i  $x_2$ . Sprawdź czy otrzymane wartości zmiennych  $x_1$  i  $x_2$  są **dopuszczalne**, tzn. czy spełniają ograniczenia:  $-2 \le x_1 \le 2$  oraz  $-2 \le x_2 \le 2$ . Jeżeli nie spełniają, to wylosuj dopuszczalne ciągi binarne.
- e) Wyznacz wartość funkcji f przez podstawienie wartości  $x_1$  i  $x_2$  wynikających z odkodowania chromosomu (ciągu 0-1).
- 2. Dana jest funkcja zwana funkcją Rastrigina o postaci:

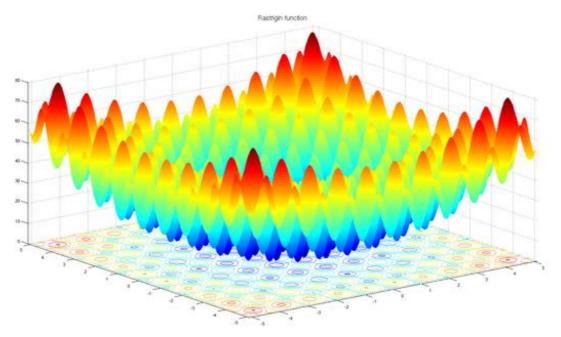
$$f(x) = An + \sum_{i=1}^{n} [x_i^2 - A\cos(2\pi x_i)].$$

Funkcja ta posiada minimum globalne dla X = 0, gdzie f(X) = 0. Poniżej na rysunku przedstawiono wykres tej funkcji dla dwóch zmiennych. Celem zadania optymalizacyjnego byłoby wyznaczenie takiego wektora  $X^* = (x^*_{1}, x^*_{2}, ..., x^*_{i}, ..., x^*_{n})$  wartości zmiennych  $x_i$ , dla których f osiąga wartość minimalną, tj.  $f(X^*) \rightarrow min$  przy zachowaniu ograniczeń dla  $x_i$ .









Wykonaj ppkt a)-d) z polecenia 1.

Założenia:

Przyjmij, że A=10 oraz n=10,  $-5,21 \le x_i \le 5,21$ , i =1,...,10.

Niech dokładność będzie uwzględniona do 3 miejsca po przecinku.