SYSTEM KLASYFIKACJI GRZYBÓW POD WZGLĘDEM JADALNOŚCI

Biologically Inspired Artificial Intelligence - projekt

KACPER KOWALIK GR. GKIO3 SEKCJA 2.

GŁÓWNE ZAŁOŻENIA (KARTA PROJEKTU)

- System, który dla danych wejściowych opisujących wybrany grzyb ma stwierdzić, czy dany grzyb jest grzybem jadalnym lub trującym.
- Baza danych opisująca grzyby zawiera ponad 8000 rekordów, a każdy rekord składa się z 22 atrybutów.
- Projekt będzie obejmował implementację własnej sieci neuronowej oraz przeprowadzenie szeregu testów służących analizie napisanego klasyfikatora.
- Aplikacja zostanie napisana w języku JAVA.

REPREZENTACJA CECH GRZYBA

Attribute Information: (classes: edible=e, poisonous=p)

- cap-shape: bell=b,conical=c,convex=x,flat=f, knobbed=k,sunken=s
- cap-surface: fibrous=f,grooves=g,scaly=y,smooth=s
- cap-color: brown=n,buff=b,cinnamon=c,gray=g,green=r,pink=p,purple=u,red=e,white=w,yellow=y
- bruises: bruises=t,no=f
- odor: almond=a,anise=1,creosote=c,fishy=y,foul=f,musty=m,none=n,pungent=p,spicy=s
- gill-attachment: attached=a,descending=d,free=f,notched=n
- gill-spacing: close=c,crowded=w,distant=d
- gill-size: broad=b,narrow=n
- gill-color: black=k,brown=n,buff=b,chocolate=h,gray=g, green=r,orange=o,pink=p,purple=u,red=e,white=w,yellow=y
- stalk-shape: enlarging=e,tapering=t
- stalk-root: bulbous=b,club=c,cup=u,equal=e,rhizomorphs=z,rooted=r,missing=?
- stalk-surface-above-ring: fibrous=f,scaly=y,silky=k,smooth=s
- stalk-surface-below-ring: fibrous=f,scaly=y,silky=k,smooth=s
- stalk-color-above-ring: brown=n,buff=b,cinnamon=c,gray=g,orange=o,pink=p,red=e,white=w,yellow=y
- stalk-color-below-ring: brown=n,buff=b,cinnamon=c,gray=g,orange=o,pink=p,red=e,white=w,yellow=y
- veil-type: partial=p,universal=u
- veil-color: brown=n,orange=o,white=w,yellow=y
- ring-number: none=n,one=o,two=t
- ring-type: cobwebby=c,evanescent=e,flaring=f,large=1,none=n,pendant=p,sheathing=s,zone=z
- spore-print-color: black=k,brown=n,buff=b,chocolate=h,green=r,orange=o,purple=u,white=w,yellow=y
- population: abundant=a,clustered=c,numerous=n,scattered=s,several=v,solitary=y
- habitat: grasses=g,leaves=l,meadows=m,paths=p,urban=u,waste=w,woods=d

STRUKTURA BAZY DANYCH

Baza danych opisująca cechy grzybów zapisana jest w formacie .csv

1	Α	В	С	D	Е	F	G
1	class,cap-shape,cap-surface,cap-color,bruises,odor,gill-attachment,gill-sp						
2	p,x,s,n,t,p,f,c,n,k,e,e,s,s,w,w,p,w,o,p,k,s,u						
3	e,x,s,y,t,a,f,c,b,k,e,c,s,s,w,w,p,w,o,p,n,n,g						
4	e,b,s,w,t,l,f,c,b,n,e,c,s,s,w,w,p,w,o,p,n,n,m						
5	p,x,y,w,t,p,f,c,n,n,e,e,s,s,w,w,p,w,o,p,k,s,u						
6	e,x,s,g,f,n,f,w,b,k,t,e,s,s,w,w,p,w,o,e,n,a,g						
7	e,x,y,y,t,a,f,c,b,n,e,c,s,s,w,w,p,w,o,p,k,n,g						
8	e,b,s,w,t,a,f,c,b,g,e,c,s,s,w,w,p,w,o,p,k,n,m						
9	e,b,y,w,t,l,f,c,b,n,e,c,s,s,w,w,p,w,o,p,n,s,m						
10	p,x,y,w,t,p,f,c,n,p,e,e,s,s,w,w,p,w,o,p,k,v,g						
11	e,b,s,y,t,a,f,c,b,g,e,c,s,s,w,w,p,w,o,p,k,s,m						
12	e,x,y,y,t,l,	f,c,b,g,e,c,	s,s,w,w,p,	w,o,p,n,n,	g		
13	e,x,y,y,t,a	,f,c,b,n,e,c,	s,s,w,w,p	,w,o,p,k,s,	m		
14	e,b,s,y,t,a	,f,c,b,w,e,c	,s,s,w,w,p	,w,o,p,n,s	,g		
15	p,x,y,w,t,p,f,c,n,k,e,e,s,s,w,w,p,w,o,p,n,v,u						
16	e,x,f,n,f,n	,f,w,b,n,t,e	,s,f,w,w,p	,w,o,e,k,a	,g		

MAPOWANIE DANYCH WEKTORA WEJŚCIOWEGO

Dla przykładu powyższa funkcja zwróci numer porządkowy dla ustawionego parametru Cap Shape. Przykładowo, jeżeli parametr capShape będzie elementem c typu wyliczeniowego CapShape to funkcja zwróci wartość: 2. Następnie zanim wartość dla neurona wejściowego zostanie ustawiona zostanie poddana normalizacji.

FUNKCJA NORMALIZUJĄCA

Jako funkcja normalizująca użyta będzie normalizacja minmax.

1. Normalizacja min-max

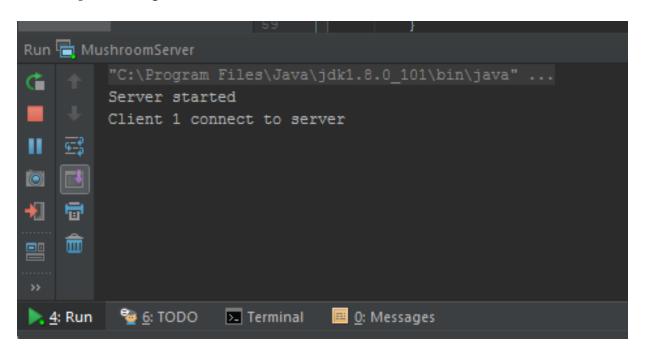
Ta metoda przeprowadza liniową transformację pierwotnych danych najczęściej do przedziału [0,1] według wzoru:

$$V' = \frac{(V - \min)}{\max - \min} * (new _ \max - new _ \min) + new _ \min$$

ARCHITEKTURA SYSTEMU

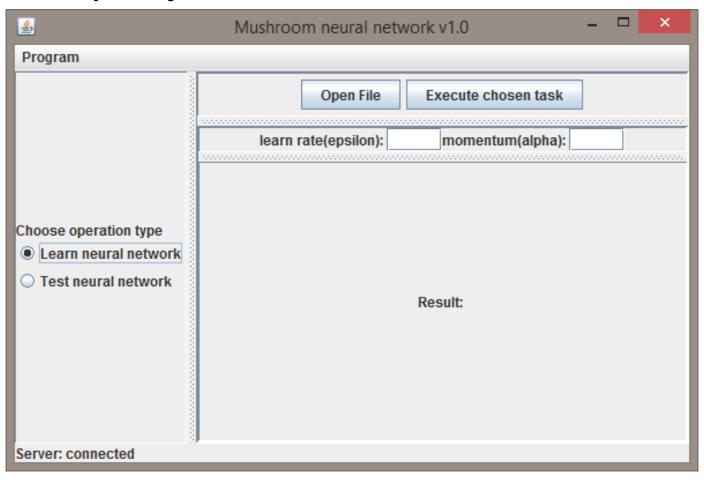
System składa się z 2 programów w architekturze klient serwer.

Konsolowa aplikacja serwera:



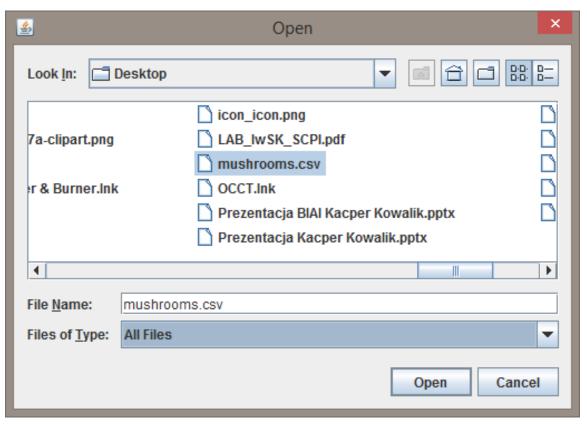
ARCHITEKTURA SYSTEMU

Okienkowa aplikacja klienta:



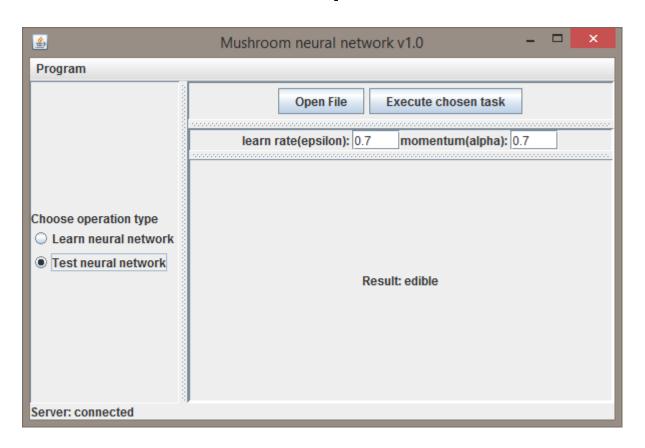
APLIKACJA KLIENTA

Po kliknięciu w przycisk open file należy wskazać plik z przygotowanym zbiorem rekordów do nauczenia sieci neuronowej lub z tylko jednym rekordem do przetestowania sieci.



REZULTAT DZIAŁANIA

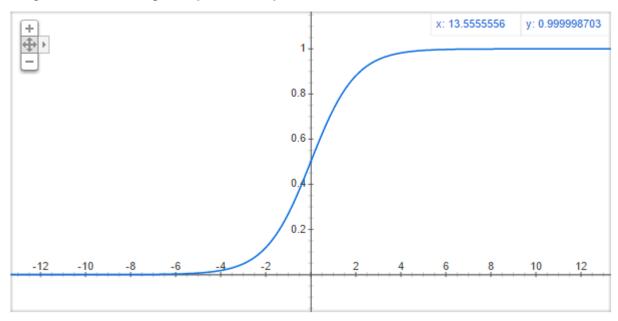
Jeśli sieć neuronowa zwróci informację o tym że dany grzyb jest jadalny lub nie, zostanie to odpowiednio zasygnalizowane poprzez ustawienie pola tekstowego przy etykiecie Result na "edible" lub "poisonous".



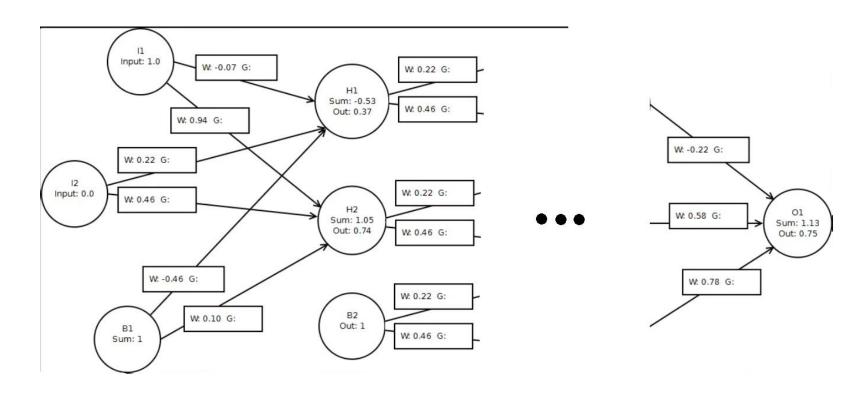
FUNKCJA AKTYWACJI

W programie jako funkcja aktywacji dla wyjść neuronów zostanie użyta funkcja sigmoidalna $f(x) = \frac{1}{1+e^{-x}}$

Wykres funkcji 1/(1+e^-x)



STRUKTURA SIECI NEURONOWEJ



Warstwa wejściowa l warstwa ukryta

n warstw ukrytych warstwa wyjściowa 1 neuron

PRZEBIEG BADAŃ NAD STRUKTURĄ SIECI NEURONOWEJ

W celu uzyskania jak najlepszych rezultatów sieć zostanie poddana szeregowi eksperymentów polegających na zmianach struktury sieci neuronowej. Zmiany te będą polegały na m. in.:

- Zmianach liczby warstw ukrytych.
- Zmianach liczby neuronów w poszczególnych warstwach ukrytych.
- Eksperymentowaniu z normalizacją wektora danych wejściowych.
- Zmianie parametrów funkcji aktywacji.
- Znalezieniu odpowiednich wartości dla parametrów learn rate oraz dla momentum.

ŹRÓDŁA

https://www.kaggle.com/uciml/mushroom-classification

http://zsi.ii.us.edu.pl/~nowak/ed/cw4.pdf

http://www.heatonresearch.com/jeff/

KONIEC

Dziękuję za uwagę!