

Over/under-represented sites per gene (%)

1500  
1000  
500  
0  
-500

5' UTR Core E1 HVR1 E2 NS1 NS2 NS3 NS4A NS4B NS5A NS5B

- 1A-1B.costly.in.1A
- 1A-1B.costly.in.1B
- 1A-3A.costly.in.1A
- 1A-3A.costly.in.3A
- 1B-3A.costly.in.1B
- 1B-3A.costly.in.3A

5' UTR Core E1 HVR1 E2 NS1 NS2 NS3 NS4A NS4B NS5A NS5B