注释结果文件共有 28 列:

- 1. AA.stat YES 表示在基因中并引起蛋白变化的突变
- 2. Gene 基因
- 3. Gene.ID 基因编号及所在外显子
- 4. AAChange基因中蛋白及核酸变化
- 5. Chr.start 突变起始位置
- 6. Chr.end 突变终止位置
- 7. Ref 参考基因组碱基
- 8. Alt 突变碱基
- 9. Hom.Het 纯合/杂合
- 10. DP(ref:alt) DP-测序深度, ref-参考碱基数目, alt-突变碱基数目
- 11. Strand 链偏移
- 12. AF 突变频率
- 13. Func 突变位置
- 14. ExonicFunc 突变类型
- 15. snp138 dbSNP(snp138)编号
- 16. snp138NonFlagged snp138 数据库经筛选,剔除突变频率高于 1%、及与临床相关数据
- 17. 1000g 在 1000Genomes 中频率
- 18. 1000gEAS 在 1000Genomes(East Asian)中频率
- 19. CosmicID COSMIC 编号
- 20. Cosmic.Occurence COSMIS 研究
- 21. clinvar.stat 是否在 ClinVar 中有致病性相关注释
- 22. CLINSIG ClinVar 内容
- 23. CLNDBN ClinVar 研究
- 24. SIFT.score SIFT 预测值
- 25. SIFT.pred SIFT 预测类型 D(Damaging), T(Tolerated)
- 26. Polyphen2.HDIV.score Polyphen2 HDIV 预测值
- 27. Polyphen2.HDIV.pred Polyphen2 HDIV 预测类型 D(probably damaging), P(possibly damaging), B(benign)
- 28. Sig.Level 在 Cosmic、ClinVal、SIFT、Polyphen2 中出现(有害)次数

在没有信息的部分,使用"."表示。