作业6: 决策树与集成学习

1. Bagging

1.假设所有分类器的误差均值为零,而且互不相关,请证明: $E_{h_B}=rac{1}{m}E_h$

已知 E_h 的表达式为:

$$E_h = rac{1}{m} rac{1}{n} \sum_{i=1}^m \sum_{j=1}^n \epsilon_i(x_j)^2$$

 E_{h_B} 可表示为:

$$\begin{split} E_{h_B} = & \frac{1}{n} [\sum_{j=1}^n \epsilon_B(x_j)]^2 \\ = & \frac{1}{n} \sum_{j=1}^n [h_B(x_j) - y(x_j)]^2 \\ = & \frac{1}{n} \sum_{j=1}^n [\frac{1}{m} \sum_{i=1}^m h_i(x_j) - \frac{1}{m} \cdot m \cdot y(x_j)]^2 \\ = & \frac{1}{n} \sum_{j=1}^n [\frac{1}{m} \sum_{i=1}^m (h_i(x_j) - y(x_j))]^2 \\ = & \frac{1}{n} \frac{1}{m^2} \sum_{j=1}^n [\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)]^2 \\ = & \frac{1}{n} \frac{1}{m^2} \sum_{j=1}^n \sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2 + \frac{1}{n} \frac{1}{m^2} \sum_{j=1}^n \sum_{k_1=1}^m \sum_{k_2=1, k_1 \neq k_2}^m \epsilon_{k_1}(x_j) \epsilon_{k_2}(x_j) \\ = & \frac{1}{n} \frac{1}{m^2} \sum_{i=1}^n \sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2 + \frac{1}{m^2} \sum_{k_1=1}^m \sum_{k_2=1, k_1 \neq k_2}^m [\frac{1}{n} \sum_{i=1}^n \epsilon_{k_1}(x_j) \epsilon_{k_2}(x_j)] \end{split}$$

由于所有分类器误差均值为零,且不相关

$$rac{1}{n}\sum_{j=1}^n \epsilon_{k_1}(x_j)\epsilon_{k_2}(x_j) = 0(k_1,k_2\in\{1,2,\ldots,m\})$$

代入后有:

$$E_{h_B} = rac{1}{n} rac{1}{m^2} \sum_{j=1}^n \sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2 = rac{1}{m} E_h$$

2.实际情况中,它们的误差往往高度相关,请在(1)条件不满足的情况下证明: $E_{h_B} \leq E_h$

当(1)中条件不成立时

$$E_h = rac{1}{m} rac{1}{n} \sum_{i=1}^m \sum_{j=1}^n \epsilon_i(x_j)^2 = rac{1}{m} rac{1}{n} \sum_{j=1}^n [\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2] \ E_{h_B} = rac{1}{n} rac{1}{m^2} \sum_{j=1}^n [\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)]^2 = rac{1}{n} rac{1}{m} \sum_{j=1}^n [rac{1}{m} (\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j))^2]$$

若证 $E_{h_R} \leq E_h$, 即证:

$$rac{1}{m}(\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j))^2 \leq \sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2$$

由柯西不等式知:

$$egin{aligned} \sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2 \cdot \sum_{i=1}^m 1^2 &\geq [\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j) \cdot 1]^2 \ &\Rightarrow m \cdot \sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2 &\geq (\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j))^2 \ &\Rightarrow rac{1}{m} \cdot (\sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j))^2 &\leq \sum_{i=1}^m \epsilon_i(x_j)^2 \end{aligned}$$

原结论得证, $E_{h_B} \leq E_h$ 成立。

2. 决策树

0.数据集划分

```
import numpy as np
from sklearn.model_selection import train_test_split
#选取20%的数据作为测试集
x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(feature, label, test_size=0.2,
random_state=3)
#将特征与标签合并为较大的矩阵,便于处理
data_train=np.concatenate((x_train,y_train),axis=1)
data_test=np.concatenate((x_test,y_test),axis=1)
#选取80%的数据进行四折交叉验证
from sklearn.model_selection import KFold
kf = KFold(n_splits=4)
for train_index, test_index in kf.split(data_train):
           train_cv=data_train[train_index]
           test_cv=data_train[test_index]
           x_test_cv=test_cv[:,:-1]
           y_test_cv=test_cv[:,-1]
```

1.决策树算法编写

```
# 计算数据的熵(entropy)
def Impurtity(samples):
   numEntries=len(samples)
   labelCounts={}
   for featVec in samples:
       if len(featVec)==0:
           return 0
       currentLabel=featVec[-1] # 当前数据的类别
       if currentLabel not in labelCounts.keys():
           labelCounts[currentLabel]=0
       labelCounts[currentLabel]+=1 # 统计有多少个类以及每类的数量
   shannonEnt=0
   for key in labelCounts:
       prob=float(labelCounts[key])/numEntries # 计算单类的熵值
       shannonEnt-=prob*math.log(prob,2) # 累加每个类的熵值
   return shannonEnt
```

构建决策树时选用信息熵作为不纯度度量,公式为 $I=-\sum_{i=1}^k P_i log_2 Pi$

```
# 对当前节点下样本选择待分特征
def SelectFeature(SamplesUnderThisNode):
    numFeatures = len(SamplesUnderThisNode[0]) - 1#该节点下的特征数
    baseEntropy = Impurtity(SamplesUnderThisNode)
    bestInfoGain = 0.0
    bestFeature = -1
    for i in range(numFeatures):
        featList = [example[i] for example in SamplesUnderThisNode]
        uniqueVals = set(featList)#统计该特征有多少种取值
        newEntropy = 0.0
        for value in uniquevals:
            subSamplesUnderThisNode = SplitNode(SamplesUnderThisNode, i, value)
            prob = len(subSamplesUnderThisNode) / float(len(SamplesUnderThisNode))
            newEntropy += prob * Impurtity(subSamplesUnderThisNode)
        infoGain = baseEntropy -newEntropy#未计算信息增益
        if infoGain > bestInfoGain:
            bestInfoGain = infoGain
            bestFeature = i
    return bestFeature
#对当前节点进行分支
def SplitNode(SamplesUnderThisNode, axis, value):
    retDataSet = []
    reducedFeatVec=[]
    for featVec in SamplesUnderThisNode:
        if type(featVec)!=type([]):
            featVec=featVec.tolist()
        if featVec[axis] == value:
            reducedFeatVec = featVec[:axis]
            reducedFeatVec.extend(featVec[axis+1:])#把当前选中的特征从其中删掉
            retDataSet.append(reducedFeatVec)
    return retDataSet
```

本实验构建决策树时停止分支条件如下:

- 节点不纯度已小于阈值
- 所有特征已经用完
- 已经达到决策树最大深度

当分支条件至少有一个满足时,分支即停止。需要注意的是,在构建决策树时,若某节点的不纯度已经小于阈值,则该节点不再进行划分,即该节点成为叶子节点。

```
#递归方法构建树
def GenerateTree(dataSet, labels,thre,max_depth):
    classList = [example[-1] for example in dataSet]
    #类别相同则停止划分
    if classList.count(classList[0]) ==len(classList):
         return classList[0]
    #不纯度已小于阈值
    if Impurtity(dataSet)<thre:</pre>
         return majorityCnt(classList)
    #所有特征已经用完
    if len(dataSet[0]) == 1:
        return majorityCnt(classList)
    #已经达到树的深度
    if max_depth <= 0:</pre>
         return majorityCnt(classList)
    bestFeat = SelectFeature(dataSet)
    bestFeatLabel = labels[bestFeat]
    print(bestFeatLabel)
    myTree = {bestFeatLabel:{}}
    del(labels[bestFeat])
    featValues = [example[bestFeat] for example in dataSet]
    uniqueVals = set(featValues)
     for value in uniqueVals:
         subLabels = labels[:]
        myTree[bestFeatLabel][value] = GenerateTree(SplitNode(dataSet,
                                         bestFeat, value), subLabels, thre, max_depth-1)
     return myTree
```

递归构建决策树是选取每次选取最优特征进行划分,由于存在所有特征已经用完、节点不纯度已小于阈值、 或已经达到决策树最大深度等情况,而此时节点不纯度不为0,因而需要采用多数表决的方式计算节点分类。

```
#多数表决的方式计算节点分类

def majorityCnt(classList):
    classCount = {}
    for vote in classList:
        if vote not in classCount.keys():
            classCount[vote] = 0
        classCount[vote] += 1
    return max(classCount)
```

影响决策树的超参数主要有:

• max_depth (树的最大深度)

- max leaf nodes (叶子结点的最大数目)
- max_features (最大特征数)
- min_samples_leaf (叶子结点的最小样本数)
- min_samples_split (中间结点的最小样本数)
- min_weight_fraction_leaf (叶子节点的样本权重占总权重的最小比例)
- min impurity split (节点最小不纯度)

由于实验中特征数很多,样本数也很多,每次计算耗时很长,因而实验中仅选取决策树最大深度与节点最小不纯度进行探究,超参数的具体选择将在交叉验证部分详述。

对测试集进行预测时,需要利用已生成的决策树对测试样本进行逐一预测,通过统计正确预测的样本数得到测试 集正确率。

2.交叉验证与超参数选择

选取80%的数据进行四折交叉验证,由于单次构建决策树并在验证集上预测耗时近40min,每完成一次四折交叉验证耗时即在2小时左右,因而实验中仅选取节点不纯度最小值为0,0.05,0.1和决策树最大深度为30,50,80时进行探究。将四折交叉验证所得的平均正确率作为该超参数组合的正确率,可得到最佳超参数组合

```
#超参数取值
threshold=[0,0.05,0.1]
max_depth=[30,80,50]
kf = KFold(n_splits=4)
 for thre in threshold:
    for depth in max_depth:
       accuracy_list=[]
       #四折交叉验证
       for train_index, test_index in kf.split(data_train):
           train_cv=data_train[train_index]
           test_cv=data_train[test_index]
           x_test_cv=test_cv[:,:-1]
           y_test_cv=test_cv[:,-1]
           #利用训练集构建决策树
           t1 = time.clock()
           myTree = GenerateTree(train_cv, label, thre, depth)
           t2 = time.clock()
           print ('Complete establishing! Execute for ',t2-t1)
           #预测验证集准确率
```

```
y_pred=[]
for test in x_test_cv:
    temp=Decision(myTree,test,labels)
    y_pred.append(temp)
    right=0
    for i in range(len(y_test_cv)):
        if y_pred[i]==y_test_cv[i]:
            right = right+1
        accuracy=right/ float(len(y_test_cv))
    print("accuracy:",accuracy)
        accuracy_list.append(accuracy)
    accuracy_list=np.array(accuracy_list)
#輸出超参数组合与平均正确率
print("Threshold:",thre," Max_deoth:",depth)
print("Average accuracy:",np.mean(accuracy_list))
```

以超参数组合为节点最小不纯度为0,决策树最大深度为80为例,构建决策树时由输出可以发现,依次选取的最优特征维为368,263,473,384,768,13,1114,1177,222,304,966,557,1000...

此时四折交叉验证得到的正确率分别为69.94%, 72.50%, 70.89%, 69.44%, 即平均正确率为70.69%

利用类似方法可得各超参数组合下的训练集、交叉验证集的分类正确率如下:

最小不纯度	0.1	0.05	0	0.1	0.05	0	0.1	0.05	0
最大深度	30	30	30	50	50	50	80	80	80
平均正确率	48.61%	52.97%	64.93%	48.92%	54.44%	66.38%	48.75%	55.65%	70.69%

可以看出当节点最小不纯度不为0时,决策树构建会明显过早截止,特征利用不充分,决策树性能受到很大影响;决策树深度过浅时,决策树也会出现特征利用不够充分的情况,但总体而言模型性能受决策树深度影响更小。

可以从上表看出,节点最小不纯度min_impurity_split为0,决策树最大深度max_depth为80时,是最佳的超参数设置。在测试集进行进一步预测,得到测试集正确率为**72.53%**

根据课程所学知识可知,采用训练集进行交叉验证时,由于数据划分后训练样本数量变少、模型训练没有用到所有样本、训练不充分等原因,验证集可能高估测试错误率。实际使用全部80%的训练数据构建决策树时,测试集准确率比交叉验证的平均准确率有所提高。

进一步选取超参数为节点不纯度为0,最大树深为100时进行探究,此时交叉验证的平均准确率为66.39%。说明决策树并非越深越好。查找资料发现决策树深度在10~100范围内时较为合适,决策树过深时除导致计算量过大外,还会使模型出现一定的过拟合现象,导致模型性能下降,预测结果变差。

3.DecisionTreeClassifier

使用sklearn中的DecisionTreeClassifier函数构建决策树,可利用网格搜索GridSearchCV进行超参数选择

```
from sklearn.cross_validation import train_test_split
x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(feature, label, test_size=0.2,
random_state=3)
parameters={
    'criterion':['gini','entropy'],
    'max_depth':[50,80,100,120],
    'min_impurity_decrease':[0,0.05,0.1]
```

```
}
dtree=tree.DecisionTreeClassifier()
grid_search=GridSearchCV(dtree,parameters,scoring='accuracy',cv=4)
grid_search.fit(x_train,y_train)
grid_search.best_estimator_ #查看grid_search方法
grid_search.best_score_ #正确率
grid_search.best_params_ #最佳超参数组合

print("Best: %f using %s" % (grid_search.best_score_, grid_search.best_params_))
```

由于sklearn中以节点分裂导致的不纯度最小减小量min_impurity_decrease代替节点最小不纯度min_impurity_split,可以得到最佳超参数组合为选用gini不纯度,最大树深为80,不纯度最小减小量为0,交叉验证得到的最高正确率为74.07%。

选用最佳超参数组合进行预测:

得到测试集准确率为75%,具体分类情况如下:

	precision	recall	f1-score	support
1	0.73	0.78	0.75	318
2	0.63	0.66	0.64	321
3	0.66	0.64	0.65	317
4	0.83	0.91	0.86	335
5	0.75	0.71	0.73	328
6	0.79	0.70	0.74	340
7	0.89	0.90	0.90	309
8	0.62	0.61	0.61	305
9	0.81	0.80	0.81	307
avg / total	0.75	0.75	0.75	2880

和自己编写的决策树进行对比,可以发现,除不纯度度量选择不同外,DecisionTreeClassifier得到的最佳超参数组合和手工编写的决策树模型相一致;测试集上正确率也十分接近,sklearn自身的函数得到的测试集预测准确率比手工编写的决策树模型略高。

其中最明显的差别在于,sklearn自带函数的运行速度远快于手工,从构建决策树至完成预测仅耗时3min左右。 考虑到sklearn本身可能较多地利用向量化编程,gini不纯度计算时不用求取对数、计算复杂度本身低于信息熵等因素,时间差异能得到较好的解释。总而言之,通过对比可以验证自己编写的决策树模型有着较良好的性能。

4.RandomForestClassifier

使用sklearn中的DecisionTreeClassifier函数构建决策树,可利用网格搜索GridSearchCV进行超参数选择

```
from sklearn.cross_validation import train_test_split
```

```
x_train, x_test, y_train, y_test = train_test_split(feature, label, test_size=0.2,
random_state=3)
parameters={
            'criterion':['gini','entropy'],
            'max_depth': [50,80,100,120],
            'min_impurity_decrease':[0,0.05,0.1]
            }
dtree=RandomForestClassifier()
grid_search=GridSearchCV(dtree, parameters, scoring='accuracy', cv=4)
grid_search.fit(x_train,y_train)
grid_search.best_estimator_ #查看grid_search方法
grid_search.best_score_
                           #正确率
grid_search.best_params_
                           #最佳超参数组合
print("Best: %f using %s" % (grid_search.best_score_, grid_search.best_params_))
```

sklearn中森林里决策树的数目的缺省值为10。通过可以GridSearchCV得到最佳超参数组合为:选用 gini不纯度,最大树深为120,不纯度最小减小量为0。四折交叉验证得到的最佳超参数下的正确率为80.22%。

选用最佳超参数组合进行预测:

得到测试集准确率为81%,具体分类情况如下:

	precision	recall	f1-score	support
1	0.76	0.81	0.79	318
2	0.70	0.71	0.70	321
3	0.74	0.79	0.76	317
4	0.89	0.95	0.92	335
5	0.82	0.84	0.83	328
6	0.88	0.75	0.81	340
7	0.90	0.92	0.91	309
8	0.73	0.65	0.69	305
9	0.91	0.88	0.89	307
avg / total	0.81	0.81	0.81	2880

和自己编写的决策树与sklearn的DecisionTreeClassifier函数相比,RandomForestClassifier函数得到的模型预测准确率明显有所提高,速度更是远快于自己编写的决策树。

随机森林算法属于集成学习算法,其包含多个决策树的分类器。通过对各个树的预测结果进行汇总投票以作为最终预测,可以有效提升模型准确性;此外随机森林利用bootstrapping的方法,训练过程并行,因而训练速度可以很快。可以看出,在解决大规模数据与高维度数据时,随机森林可以取得更好的效果。