



# AGH

**AKADEMIA GÓRNICZO-HUTNICZA IM. STANISŁAWA STASZICA W KRAKOWIE**

**WYDZIAŁ ELEKTROTECHNIKI, AUTOMATYKI,  
INFORMATYKI I INŻYNIERII BIOMEDYCZNEJ**

KATEDRA INFORMATYKI STOSOWANEJ

Praca dyplomowa inżynierska

*Biblioteka w językach R/Java wspierająca  
metodę porównywania parami*

*R/Java library supporting the pairwise comparisons method*

Autor:

Kierunek studiów:

Opiekun pracy:

*Dawid Talaga*

*Informatyka*

*dr har. Konrad Kułakowski*

Kraków, 2017

*Uprzedzony o odpowiedzialności karnej na podstawie art. 115 ust. 1 i 2 ustawy z dnia 4 lutego 1994 r. o prawie autorskim i prawach pokrewnych (t.j. Dz.U. z 2006 r. Nr 90, poz. 631 z późn. zm.): „Kto przywłaszcza sobie autorstwo albo wprowadza w błąd co do autorstwa całości lub części cudzego utworu albo artystycznego wykonania, podlega grzywnie, karze ograniczenia wolności albo pozbawienia wolności do lat 3. Tej samej karze podlega, kto rozpowszechnia bez podania nazwiska lub pseudonimu twórcy cudzy utwór w wersji oryginalnej albo w postaci opracowania, artystycznego wykonania albo publicznie zniekształca taki utwór; artystyczne wykonanie, fonogram, wideogram lub nadanie.”, a także uprzedzony o odpowiedzialności dyscyplinarnej na podstawie art. 211 ust. 1 ustawy z dnia 27 lipca 2005 r. Prawo o szkolnictwie wyższym (t.j. Dz. U. z 2012 r. poz. 572, z późn. zm.): „Za naruszenie przepisów obowiązujących w uczelni oraz za czyny uchybiające godności studenta student ponosi odpowiedzialność dyscyplinarną przed komisją dyscyplinarną albo przed sądem koleżeńskim samorządu studenckiego, zwanym dalej «sądem koleżeńskim».”, oświadczam, że niniejszą pracę dyplomową wykonałem(-am) osobiście i samodzielnie i że nie korzystałem(-am) ze źródeł innych niż wymienione w pracy.*

*Serdecznie dziękuję .....*



## Spis treści

<b>1. Wprowadzenie</b>	7
1.1. Metoda porównań parami	7
1.2. Cele pracy	7
1.3. Zawartość i struktura pracy	8
<b>2. Ranking AHP</b>	9
2.1. Macierz PC	9
2.2. Wektor wag	10
2.3. AHP	11
2.4. Biblioteka PairwiseComparisons - AHP	14
<b>3. Heuristic Rating Estimation</b>	17
3.1. Wstęp do HRE	17
3.2. Zbiór alternatyw	17
3.3. Macierz PC w metodzie HRE	17
3.4. Metody HRE	18
3.5. Biblioteka PairwiseComparisons - HRE	19
<b>4. Niespójność</b>	25
4.1. Problemy związane z metodami porównań parami	25
4.2. Współczynnik Saaty'ego	26
4.3. Metoda odległościowa - Koczkodaj	27
4.4. Biblioteka PairwiseComparisons - niespójność	28
<b>5. Pozostałe metody</b>	31
5.1. Łączenie rankingów	31
5.2. Wektor wag a macierz PC	32
5.3. Odległość między wektorami	32
5.4. Inne funkcje usprawniające pracę z macierzami PC	32
5.5. Biblioteka PairwiseComparisons - pozostałe metody	33
<b>6. Podsumowanie i wnioski</b>	41



# 1. Wprowadzenie

## 1.1. Metoda porównań parami

Ludzie od wieków podejmują decyzje. Niektóre z nich są proste i przychodzą z łatwością, inne jednak, te bardziej skomplikowane, wymagają głębszej analizy. Jednym z przykładów jest handel wymienny (barter), który opiera się na zamianie określonych towarów. Skąd jednak mieć pewność, że przedmioty mają podobną wartość lub w jaki sposób oszacować koszt określonego towaru? Z takimi problemami musieli mierzyć się nasi pradziadowie. Na szczęście rozwój matematyki przyniósł nam ciekawe narzędzie, metodę porównań parami (ang. The Pairwise Comparisons (PC) method), która w prosty sposób pomaga w udzieleniu odpowiedzi na powyższe pytania. Pierwszym udokumentowanym przypadkiem użycia metody jest binarny system elekcyjny opisany przez Rajmunda Llulę (kat. Ramon Llull) już w XIII wieku. Znaczący rozwój metody przypada jednak na wiek XIX i XX i wiąże się z działalnością Fechnera [1] i Thrustone [2]. Przełomowym momentem stało się wprowadzenie w 1980 roku *The Analytic Hierarchy Process (AHP)* [3], dokonane przez Saaty'ego, które pozwoliło na porównywanie coraz to bardziej skomplikowanych obiektów, poprzez tworzenie z nich rozbudowanej hierarchii. Kolejnym krokiem naprzód stało się stworzenie przez doktora Kułakowskiego *Heuristic Rating Estimation (HRE)* [4], które pokazuje nowy kierunek metody oraz nieodkryte dotąd możliwości.

Metoda PC opiera się na założeniu, że zamiast porównywać wszystkie alternatywy od razu, lepiej jest porównać je parami, a następnie zebrać wszystkie wyniki razem [5]. Takie podejście znacznie ułatwia wybór najlepszej alternatywy lub obiektu oraz daje bardziej wiarygodne rezultaty. Stwarza to również możliwość zebrania wyników od wielu osób, np. ekspertów w danej dziedzinie, połączenia ich ocen, porównania poszczególnych wartości i w końcu udzielenia odpowiedzi na pytanie: Która alternatywa (według określonego kryterium) jest naprawdę najlepsza?

## 1.2. Cele pracy

Celem poniższej pracy jest przedstawienie biblioteki *PariwiseComparisons*, która powstała w ramach pracy inżynierskiej. Biblioteka implementuje 49 funkcji związanych z metodą porównań parami, a jej funkcjonalność pokrywa się z istniejącym już pakietem napisanym w Wolfram Language i dostępnym w Internecie [6].

Biblioteka została stworzona z myślą, aby ułatwić tworzenie aplikacji wykorzystujących metodę porównań parami oraz zachęcić do poznawania jej możliwości. Dzięki tej pracy, programista, który rozwija

taką aplikację, nie będzie musiał skupiać się na szczegółach implementacji i poświęcać wielu godzin na zgłębianie obliczeń matematycznych w danym języku. Celem tworzenia biblioteki było zaimplementowanie funkcji zarówno tych najbardziej podstawowych, np. związanych z tworzeniem macierzy porównań parami, jak również tych bardziej skomplikowanych, potrafiących obliczać całe rankingi. Dlatego pakiet może stać się pomocny nie tylko dla osób zajmujących się na co dzień metodą porównań parami, ale także dla tych, którzy chcą skorzystać tylko z jednej funkcjonalności metody, bez zagłębiania się w szczegóły.

Z powodu dużej popularności języka Java i mnogości aplikacji, które powstają w tym języku, powstała również druga wersja biblioteki, skompresowana do pliku Jar (`pariwiseComparisons.jar`), gotowa do użycia w projektach pisanych w tym Javie.

### **1.3. Zawartość i struktura pracy**

Na kolejnych kartach niniejszej pracy prezentuję elementy metody porównań parami oraz funkcje z biblioteki `PariwiseComPairsons`, które implementują poszczególne funkcjonalności. W treści zawarte są również odpowiedzi w jaki sposób użyć pakietu w języku R oraz jak łatwo wywoływać funkcje z poziomu maszyny wirtualnej Javy.

Szczególną uwagę należy zwrócić na specyficzną strukturę pracy. Główna część, prezentująca metodę porównań parami, została podzielona na kilka mniejszych rozdziałów (2-5). W każdym z nich pierwszą część stanowią rozważania teoretyczne, bazujące na pracy naukowców i ich odkryciach. Druga część to prezentacja funkcji biblioteki `PairwiseComPairsons`, ze szczegółowym omówieniem najważniejszych z nich. Mam nadzieję, że taka budowa tej pracy pozwoli czytelnikowi poznać podstawowe zagadnienia związane z metodą porównań parami oraz zapoznać się z konkretnymi funkcjami przeznaczonymi do poszczególnych zagadnień.



## 2. Ranking AHP

### 2.1. Macierz PC

Kiedy chcemy podjąć prostą decyzję, sytuacja często sprowadza się do porównania dwóch wartości, np. gdy naszym zadaniem jest wybór cięższego owocu, sprawa jest oczywista. Wystarczy zważyć owoce lub oszacować ich wagę, a następnie wybrać cięższy. Wiele decyzji, z którymi spotykamy się na co dzień, jest jednak o wiele bardziej skomplikowanych. Może tak być w przypadku, gdy naszego kryterium nie można łatwo zmierzyć (np. użyteczność lub atrakcyjność), porównywanych obiektów jest dużo i znacząco się od siebie różnią lub są złożone, a kryterium wyboru zależy od kilku czynników. W każdej z tych sytuacji możemy posłużyć się metodą porównań parami, a konkretnie rankingiem AHP.

W celu utworzenia rankingu na samym początku należy rozpoznać problem, to znaczy zdefiniować decyzję, którą chcemy podjąć oraz znaleźć wszystkie opcje (alternatywy) brane pod uwagę. Następnie tworzymy kwadratową macierz (*PC matrix*), w której nagłówkami kolumn i wierszy są zdefiniowane przez nas alternatywy.

Kolejnym krokiem jest uzupełnienie macierzy poprzez wykonanie odpowiedniej ilości porównań. Każdą alternatywę porównujemy z wszystkimi pozostałymi, tak więc dla  $n$  alternatyw otrzymujemy  $\frac{n(n-1)}{2}$  porównań. Wyniki wpisujemy do macierzy, na przecięciu odpowiadających opcji.

Istnieje kilka skal, które możemy wykorzystać w czasie porównań, najbardziej popularną jest jednak zaproponowana przez Saaty'ego (*Satty's scale*) [7], którą również ja posłużę się w przykładach. Skala Saaty'ego przyjmuje następujące wartości:

$$\left\{ \frac{1}{9}, \frac{1}{8}, \dots, \frac{1}{2}, 1, 2, \dots, 8, 9 \right\}$$

Ogólnie można powiedzieć, że im wyższa wartość przydzielona dla danej alternatywy, tym lepiej wypada ona w stosunku do drugiej opcji, a więc wartość  $\frac{1}{9}$  można tłumaczyć jako *ekstremalnie nie preferuję*,  $\frac{1}{3}$  jako *nie preferuję*, 1 jako *tak samo ważna jak druga*, a 5 jako *silnie preferuję*, itd. Oczywiście nie porównujemy ze sobą tych samych alternatyw, lecz od razu wpisujemy do macierzy wartość 1.

Etap porównywania alternatyw i wyboru numerycznej wartości tego porównania jest najsłabszą stroną metody porównań parami, gdyż zależy od czynnika ludzkiego i narażony jest na błędy oraz niespójności. Problemy z tego wynikające opisuję w rozdziale (4).

Po wykonaniu wszystkich porównań i wpisaniu wartości otrzymujemy kompletną macierz PC, którą formalnie zapisujemy jako:

$$M = (m_{ij}) \wedge m_{i,j} \in R_+ \wedge i, j \in \{1, \dots, n\}$$

Natomiast zbiór alternatyw oznaczamy jako

$$X = \{x_1, \dots, x_n\}$$

Macierz dla  $n$  alternatyw wygląda więc następująco:

$$M = \begin{pmatrix} 1 & m_{12} & \dots & m_{1n} \\ m_{21} & 1 & \dots & m_{2n} \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ m_{n1} & m_{n2} & \dots & 1 \end{pmatrix}$$

Warto zauważyć, że wartości wykonanych przez nas porównań wpisujemy nad przekątną (tworząc *Upper Triangular Matrix*, natomiast pod nią automatycznie wprowadzamy wartości odwrotne. Nielogiczne byłoby ponowne porównywanie tych samych alternatyw, z odwróconą jedynie kolejnością. Ogólnie można powiedzieć, że zachodzi warunek  $a_{ji} = \frac{1}{a_{ij}}$ . Na przekątnej zaś zawsze znajdują się same jedynki.

**Przykład 2.1.1.** *Chcemy podjąć decyzję, gdzie pojechać na wakacje. Rozważamy trzy opcje: Gdańsk, Zakopane lub Barcelona. W takim przypadku nasz zbiór alternatyw wygląda bardzo prosto:  $X = \{Gdansk, Zakopane, Barcelona\}$ . Następnie dokonujemy porównań parami, z których wynika, że bardziej preferujemy wyjazd do Gdańska niż do Zakopanego w stosunku 3/1, parę Gdańsk - Barcelona oceniamy na 1/2. Natomiast z dwójki Zakopane i Barcelona wybieramy Barcelonę i przypisujemy jej wartość 6 (silnie preferowana). W takim przypadku macierz porównań parowych wygląda następująco:*

$$M = \begin{pmatrix} 1 & 3 & \frac{1}{2} \\ \frac{1}{3} & 1 & \frac{1}{6} \\ 2 & 6 & 1 \end{pmatrix}$$

## 2.2. Wektor wag

Kolejnym krokiem do podjęcia decyzji jest utworzenie wektora wag (nazywany również *wektorem priorytetów*). Służy do tego funkcja, która każdej alternatywie ze zbioru  $X$  przyporządkowuje dodatnią liczbę rzeczywistą. Do wyliczenia wektora wykorzystuje macierz PC.

$$w = [w(c_1), \dots, w(c_n)]^T$$

Wysoka wartość w wektorze wag oznacza, że dana alternatywa jest mocno preferowana. Bez trudu dochodzimy więc do wniosku, że najlepszą opcją w danym problemie jest ta, dla której przypisano najwyższą wartość w wektorze wag.

Dość naturalnie pojawia się pytanie, w jaki sposób działa funkcja wyznaczająca wektor wag. Istnieje kilka sposobów wyliczania tych wartości, poniżej przedstawię dwa najbardziej popularne, stosunkowo proste i dające rzetelne rezultaty:

1. Na podstawie macierzy PC wyznaczony zostaje wektor własny korespondujący z najwyższą wartością własną tej macierzy.
2. Dla każdego wiersza macierzy PC wyliczona zostaje średnia geometryczna wartości w danym wierszu.

Warto zaznaczyć, że otrzymany wektor wag należy przeskalować, w taki sposób, aby suma wartości w nim zawartych wynosiła 1.

**Przykład 2.2.1.** Na podstawie wyznaczonej w poprzednim przykładzie macierzy PC, korzystając z metody opartej na wektorach własnych, wyznaczamy wektor wag:

$$w = \begin{bmatrix} 0.4423259 & 0.1474420 & 0.8846517 \end{bmatrix}^T$$

Po przeskalowaniu otrzymujemy kompletny wektor wag:

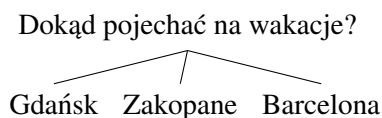
$$w = \begin{bmatrix} 0.3 \\ 0.1 \\ 0.6 \end{bmatrix}$$

Z wyznaczonego wektora wag możemy wyciągnąć wnioski, że najlepszą alternatywą na wakacyjny wyjazd jest Barcelona, a najmniej preferowaną Zakopane. W ten prosty sposób udało nam się udzielić odpowiedzi na zadane pytanie.

## 2.3. AHP

Zdarzają się jednak sytuacje, w których problem jest bardziej skomplikowany, a alternatyw nie można zapisać w jednej macierzy porównań parowych. Wtedy z pomocą przychodzi wprowadzone przez Saaty'ego *The Analytic Hierarchy Process (AHP)* [3].

Podstawą AHP jest budowa hierarchii, która obrazuje proces powstawania decyzji. Prezentuje ona kolejne poziomy, od najbardziej ogólnego (decyzja), do szczegółowych, które mówią jakie porównania należy wykonać, aby rozwiązać problem. Najprostszą hierarchię mogliśmy zbudować już w poprzednim przykładzie, wyglądałaby ona następująco:

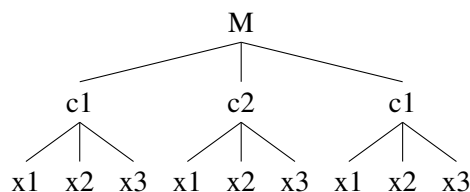


Nie mówiliśmy wtedy jednak o AHP, gdyż wybór opierał się tylko na jednej macierzy PC.

AHP wprowadza kolejne pojęcie - kryterium. Kryterium to cecha posiadana przez każdą alternatywę i która wywiera wpływ na podejmowane decyzje. W celu stworzenia AHP i rozwiązania złożonego problemu należy zdefiniować zbiór kryteriów  $C$ .

$$C = \{c_1, \dots, c_m\}$$

Następnym krokiem jest określenie kryteriów dla każdej alternatywy. Otrzymujemy wtedy kompletne dane, które pozwalają nam zbudować następującą hierarchię AHP:

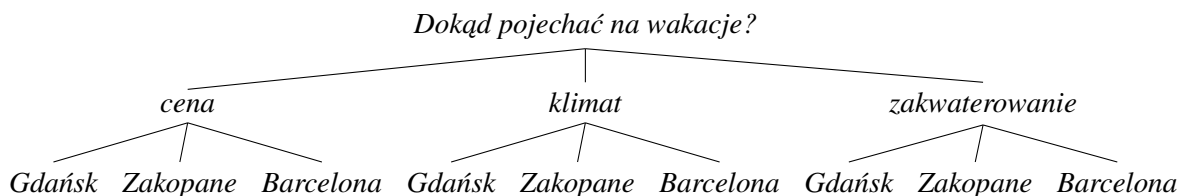


**Przykład 2.3.1.** Ponownie naszym zadaniem jest wybór miejsca, w które chcemy pojechać na wakacje. Oprócz zbioru alternatyw  $X = \{Gdansk, Zakopane, Barcelona\}$ , tym razem podajemy także kryteria, które są dla nas ważne w czasie podejmowania wyboru:  $C = \{cena, klimat, zakwaterowanie\}$ . Dla każdej z alternatyw określamy jej szczegóły:

**Tabela 2.1.** Szczegóły każdej alternatywy

Kryteria	Alternatywy		
	Gdańsk	Zakopane	Barcelona
cena	800zł	1300zł	2400zł
klimat	górski	bałtycki	śródmorski
zakwaterowanie	namiot	pensjonat	hotel

Na podstawie powyższych danych budujemy drzewo AHP:



Po utworzeniu hierarchii AHP możemy przystąpić do budowy macierzy PC. Tym razem nie będzie to jedna tablica, lecz kilka, które powiążemy ze sobą. Dla każdego poddrzewa składającego się z jednego wierzchołka-rodzica i kilku wierzchołków-dzieci konstruujemy osobną macierz PC oraz wykonujemy

odpowiednie porównania. Następnie wyznaczamy przeskalowany wektor wag dla każdej macierzy. Jedyną różnicą w porównaniu z pierwszym przykładem jest sposób wyniku. Aby otrzymać odpowiedni wektor wynikowy, którego element sumują się do 1, należy zsumować wektory powstałe z macierzy PC na tym samym poziomie (najgłębszy poziom struktury), przemnażając je przez odpowiadające im wartości wag z poziomu wyższego. Tworzymy w ten sposób kombinację liniową wektorów priorytetów [8]. Dla  $n$  alternatyw wektor wag obliczamy według wzoru:

$$w = \hat{w}_1 w^{(c1)} + \hat{w}_2 w^{(c2)} + \dots + \hat{w}_n w^{(cn)},$$

gdzie

$\hat{w}_1, \hat{w}_2, \dots$  to kolejne elementy wektora wag kryteriów,

$w^{(c1)}, w^{(c2)}, \dots$  to kolejne wektory wag obliczone dla poszczególnych kryteriów

Może zdarzyć się sytuacja, w której rozważany problem jest jeszcze bardziej rozbudowany. Wtedy powyższe kroki należy powtórzyć na każdym poziomie zagłębienia hierarchii AHP.

**Przykład 2.3.2.** W naszym przykładzie należy zbudować cztery macierze PC: jedna zdefiniuje priorytety kryteriów, trzy pozostałe określą preferencje w ramach poszczególnych kryteriów. Dla każdej macierzy wykonujemy odpowiednie porównania, a wyniki wpisujemy do macierzy:

$$\hat{M} = \begin{pmatrix} 1 & \frac{1}{2} & 3 \\ 2 & 1 & 4 \\ \frac{1}{3} & \frac{1}{4} & 1 \end{pmatrix}$$

$$M_{cena} = \begin{pmatrix} 1 & 3 & 7 \\ \frac{1}{3} & 1 & 4 \\ \frac{1}{7} & \frac{1}{4} & 1 \end{pmatrix}$$

$$M_{klimat} = \begin{pmatrix} 1 & 1 & \frac{1}{2} \\ 1 & 1 & \frac{1}{2} \\ 2 & 2 & 1 \end{pmatrix}$$

$$M_{zakwaterowanie} = \begin{pmatrix} 1 & 2 & \frac{1}{3} \\ \frac{1}{2} & 1 & \frac{1}{4} \\ 3 & 4 & 1 \end{pmatrix}$$

Wyznaczamy wektor wag dla każdej macierzy

$$\hat{w} = \begin{bmatrix} 0.32 \\ 0.56 \\ 0.12 \end{bmatrix}$$

$$w_c = \begin{bmatrix} 0.66 \\ 0.26 \\ 0.08 \end{bmatrix}$$

$$w_k = \begin{bmatrix} 0.25 \\ 0.25 \\ 0.50 \end{bmatrix}$$

$$w_z = \begin{bmatrix} 0.24 \\ 0.14 \\ 0.62 \end{bmatrix}$$

Warto zwrócić uwagę, że wektor oznaczony jako  $\hat{w}$  jest poziom wyżej od pozostałych i przez jego wartości będziemy przemnażać pozostałe wektory.

Ostateczny wynik:

$$w = 0.32w_c + 0.56w_k + 0.12w_z = \begin{bmatrix} 0.379 \\ 0.240 \\ 0.381 \end{bmatrix}$$

Otrzymaliśmy rezultat i rozwiązanie zdefiniowanego problemu. Najlepszym miejscem na wakacyjny wyjazd okazała się Barcelona. Osiągnęła jednak minimalną przewagę nad Gdańskiem.

## 2.4. Biblioteka PairwiseComparisons - AHP

Przedstawię kilka zasad tworzenia zmiennych w językach R i Java, które można przekazywać do funkcji z biblioteki PairwiseComparisons.

### Informacje dotyczące języka R:

1. Aby utworzyć wektor wystarczy wywołać funkcję *c*, przekazując jej dowolną ilość wartości.
2. Do transpozycji wektora służy funkcja *t*.
3. Istnieje kilka funkcji, które tworzą macierz, najważniejsze z nich to:
  - *matrix* – jako argumenty przekazujemy wektor z danymi, liczbę wierszy i liczbę kolumn.
  - *rbind* – jako argumenty przekazujemy wektory z danymi. Każdy z wektorów utworzy jeden wiersz.
  - *cbind* – jako argumenty przekazujemy wektory z danymi. Każdy z wektorów utworzy jedną kolumnę.

Dodatkowe opcje każdej z funkcji można doczytać w dokumentacji. Przykładowe wywołania:

```
matrix(c(1,2,0.5,1),2,2);      rbind(c(1,2),c(0.5,1));      cbind(c(1,0.5),c(2,1));
```

### Informacje dotyczące języka Java:

1. Aby przekazać macierz do funkcji z omawianej biblioteki, wystarczy utworzyć i uzupełnić danymi tablicę dwuwymiarową typu *double*.
2. Aby przekazać wektor do funkcji, należy utworzyć i zainicjalizować tablicę typu *double*.

Przykładowe utworzenie odpowiednich zmiennych:

```
double[2][2] matrix = {{1,0.5},{2,1}};  
double[2] vector = {0.4,0.6};
```

Dla niektórych funkcji powstały również wersje symboliczne, które mają dokładnie takie same argumenty, zwracają tę samą wartość i działają minimalnie szybciej. W wyjątkowych sytuacjach może jednak się zdarzyć, że wersja symboliczna nie zwróci prawidłowego rezultatu.

**Funkcje z biblioteki PairwiseComparisons pomocne w powyższych obliczeniach:**

## Największa wartość własna macierzy

### **Nazwa**

*principalEigenValue*

### **Opis**

Oblicza największą wartość własną z macierzy.

### **Argumenty**

matrix – PC matrix

### **Zwracana wartość**

Największa wartość własna macierzy

### **Dodatkowe informacje**

W bibliotece dostępna jest również symboliczna wersja tej funkcji *principalEigenValueSym*

## Wektor własny macierzy

### **Nazwa**

*principalEigenVector*

### **Opis**

Oblicza wektor własny macierzy korespondujący z jej największą wartością własną (patrz *principalEigenValue*).

### **Argumenty**

matrix – PC matrix

### **Zwracana wartość**

Wektor własny macierzy

### **Dodatkowe informacje**

W bibliotece dostępna jest również symboliczna wersja tej funkcji *principalEigenVectorSym*

## Ranking na podstawie wartości własnych

### **Nazwa**

*eigenValueRank*

### **Opis**

Oblicza ranking macierzy na podstawie metody wartości własnych. Oblicza wektor własny, a następnie przekształca go w taki sposób, że suma elementów wynosi 1.

### **Argumenty**

matrix – PC matrix

### **Zwracana wartość**

Przeskalowany wektor własny macierzy

### **Dodatkowe informacje**

W bibliotece dostępna jest również symboliczna wersja tej funkcji *eigenValueRankSym*

## Wektor średnich geometrycznych

### Nazwa

*geometricRank*

### Opis

Oblicza wektor, którego elementy są średnimi geometrycznymi każdego wiersza przekazanej macierzy. Wektor ten posłuży do stworzenia rankingu opartego o metodę średnich geometrycznych.

### Argumenty

matrix – PC matrix

### Zwracana wartość

Wektor średnich geometrycznych

## Ranking na podstawie średnich geometrycznych

### Nazwa

*geometricRescaledRank*

### Opis

Oblicza ranking macierzy na podstawie metody średnich geometrycznych. Oblicza wektor, którego elementy są średnimi geometrycznymi każdego wiersza przekazanej macierzy, a następnie skaluje ten wektor w taki sposób, że suma elementów wynosi 1.

### Argumenty

matrix – PC matrix

### Zwracana wartość

Przeskalowany wektor średnich geometrycznych macierzy

## Ranking AHP na podstawie wartości własnych

### Nazwa

*ahp*

### Opis

Oblicza wielokryteriowy ranking AHP na podstawie metody bazującej na wartościach własnych macierzy. Wykorzystuje macierz kryteriów i macierze alternatyw. Jest to podstawowy, trójpoziomowy ranking AHP. Ilość przekazanych wartości do funkcji zależy od użytkownika i wynosi  $n + 1$ , gdzie  $n$  to ilość kryteriów w rozważanym problemie.

### Argumenty

M – macierz kryteriów o wymiarach  $n \times n$

... – lista  $n$  macierzy PC, z których każda dotyczy jednego kryterium.

### Zwracana wartość

Ranking AHP



## 3. Heuristic Rating Estimation

### 3.1. Wstęp do HRE

Istnieją również inne decyzje i problemy do rozwiązania. To sytuacje, w których pewne wartości są niepodważalne, z góry określone lub narzucone przez kogoś. Nie chcemy nimi manipulować ani dyskutować z ich wiarygodnością. Zależy nam natomiast, aby do tej relacji wprowadzić nowe obiekty, których wartość (w szerokim tego słowa znaczeniu) określimy w tej samej skali. Jako przykład możemy wyobrazić sobie targ z owocami, na którym sadownicy wymieniają się zbiorami bez użycia pieniędzy. Jedyną ustaloną i tradycyjną już wymianą jest sprzedawanie dwóch gruszek w zamian za trzy jabłka. Trzymając się tego wyznacznika, chcemy określić *ceny* innych owoców. Jak tego dokonać?

W takiej sytuacji z pomocą przychodzi nam wprowadzone przez doktora Kułakowskiego *Heuristic Rating Estimation (HRE)*. W mojej pracy ogólnie omówię to zagadnienie, zainteresowanych szczegółami odsyłam do źródła [4] [9].

### 3.2. Zbiór alternatyw

Pierwszym ważnym elementem HRE jest zbiór alternatyw. W tej metodzie nie będzie on już tylko zbiorem cech lub obiektów, których wartości poszukujemy. HRE zakłada, że pewne wartości są z góry określone. Nie chcemy ich zmieniać, w szczególności manipulować ich wzajemną relacją. Waga tych obiektów pozostanie niezmienna w czasie obliczeń. Drugą część zbioru tworzą jednak alternatywy, których wartości poszukujemy. Interesuje nas ich stosunek względem siebie i względem wag, które znamy. Jeśli więc poprzez  $C_K$  oznaczymy alternatywy, których wartości są znane od początku (*known concepts*), a poprzez  $C_U$  opcje, których wartości chcemy przybliżyć (*unknown concepts*), to zbiór alternatyw określamy jako sumę wszystkich elementów i zapisujemy jako:

$$C = C_K \cup C_U$$

### 3.3. Macierz PC w metodzie HRE

Drugim krokiem, podobnie jak w AHP, jest stworzenie macierzy porównań parowych, która posłuży do dalszych obliczeń. Przykładowa macierz PC wygląda następująco:

$$M = \begin{pmatrix} 1 & m_{12} & m_{13} & m_{14} \\ m_{21} & 1 & m_{22} & m_{24} \\ m_{31} & m_{32} & 1 & \frac{2}{3} \\ m_{41} & m_{42} & \frac{3}{2} & 1 \end{pmatrix}$$

Przedstawiona macierz obrazuje sytuację, w której znamy wartości trzeciej i czwartej alternatywy, łatwo więc obliczamy ich stosunek, który wpisujemy bezpośrednio do macierzy. Z tak przygotowanej macierzy generujemy porównania parowe, które należy wykonać, a wyniki wpisujemy w odpowiednie miejsca. Porównań, w zależności od sytuacji, możemy dokonać sami lub poprosić o nie ekspertów w danej dziedzinie. Oczywiście pomijamy te, które są już znane, a więc w naszym przypadku nie będziemy szacować stosunku alternatywy trzeciej do czwartej.

### 3.4. Metody HRE

Kolejnym i zarazem najważniejszym krokiem omawianego problemu są obliczenia, które należy wykonać na uzupełnionej macierzy PC. Z racji na ich stopień zaawansowania oraz fakt, że bardzo czytelnie i szczegółowo zostały przedstawione w źródle, nie będę w pełni ich przytaczał. Pokażę tylko kilka etapów składających się na tę metodę i do których odpowiednie funkcje zostały zaimplementowane w bibliotece.

Głównym zagadnieniem jest sprowadzenie problemu to równania postaci

$$Aw = b,$$

gdzie:

$A$  to macierz  $r \times r$ , gdzie  $r$  to ilość elementów poszukiwanych, oznaczamy  $|C_U|$ ,

$b$  to wektor wartości wyliczonych na podstawie znanych alternatyw,

$w$  to poszukiwany wektor wag postaci

$$w = \begin{bmatrix} w(c_1) \\ \vdots \\ w(c_U) \end{bmatrix}$$

Po wyliczeniu przedstawionego równania, wektor  $w$  uzupełniamy o wartości ze zbioru  $C_K$  i otrzymujemy ostateczny rezultat. Należy pamiętać, że suma elementów w wyliczonym wektorze  $w$  jest różna od 1, gdyż wartości znane nie zmieniły się, alternatywy wyliczone zaś są również podane w odniesieniu do nich. Jeśli zależy nam, aby suma elementów wyniosła 1, możemy przeskalować wektor, dzieląc każdą wartość przez sumę wszystkich elementów.

**Przykład 3.4.1.** *Prowadzimy handel wymienny owoców. Wiemy, że gruszka jest 1.5 razy cenniejsza od jabłka. W zbiorach mamy jeszcze brzoskwinie, truskawki i maliny. Chcemy oszacować wartości wszystkich owoców. Sporządzamy więc zbiory alternatyw znanych, nieznanymi i wszystkich razem.*

$$C_K = [\text{jabko}, \text{gruszka}], \quad C_U = [\text{malina}, \text{brzoskwinia}, \text{truskawka}].$$

$$C = [\text{jabko}, \text{gruszka}, \text{malina}, \text{brzoskwinia}, \text{truskawka}]$$

*Budujemy macierz PC. Przeprowadzamy odpowiednie porównania parami, a wyniki zapisujemy do macierzy.:*

$$M = \begin{pmatrix} 1 & \frac{2}{3} & 10 & 4 & 7 \\ \frac{3}{2} & 1 & 15 & 3 & 5 \\ \frac{1}{10} & \frac{1}{15} & 1 & \frac{1}{3} & \frac{1}{2} \\ \frac{1}{4} & \frac{1}{3} & 3 & 1 & 2 \\ \frac{1}{7} & \frac{1}{5} & 2 & \frac{1}{2} & 1 \end{pmatrix}$$

Korzystając z funkcji *HRE* możemy od razu wyliczyć wektor wag, aby zaprezentować jednak sposób działania metody, prześledźmy kolejne etapy powstawania wyniku.

Wykorzystujemy algorytm do obliczenia macierzy  $A$ , wektora  $b$ , a następnie  $w$ :

$$Ab = w$$

$$A = \begin{pmatrix} 1 & -\frac{1}{12} & -\frac{1}{8} \\ -\frac{3}{4} & 1 & -\frac{1}{2} \\ -\frac{1}{2} & -\frac{1}{8} & 1 \end{pmatrix} \quad b = \begin{bmatrix} 0.1 \\ 0.375 \\ 0.2214286 \end{bmatrix}$$

Po rozwiązaniu otrzymujemy:

$$w = \begin{bmatrix} 0.22 \\ 0.75 \\ 0.42 \end{bmatrix}.$$

Dodajemy wartości znane i otrzymujemy ostateczny rezultat:

$$\hat{w} = \begin{bmatrix} 2 \\ 3 \\ 0.2150966 \\ 0.7475316 \\ 0.4224183 \end{bmatrix}.$$

Ostatnią rzeczą, na którą należy zwrócić uwagę jest kwestia wyboru metod, które służą do obliczeń. W Heuristic Rating Estimation, podobnie jak w AHP możemy wybrać sposób liczenia oparty na wartościach własnych macierzy lub średnich geometrycznych. Obie drogi dają bardzo zbliżone rezultaty. W przykładzie posłużyłem się metodą z wykorzystaniem wartości własnych.

### 3.5. Biblioteka PairwiseComparisons - HRE

Funkcje z biblioteki PairwiseComparisons pomocne w powyższych obliczeniach:

Macierz  $A$  metody HRE

**Nazwa**

*HREmatrix*

**Opis**

W oparciu o wartości własne macierzy, oblicza macierz, która razem z wektorem  $b$  (patrz *HREconstantTermVector*) utworzy układ równań liniowych postaci  $Aw = b$ .

**Argumenty**

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

**Zwracana wartość**

Macierz  $A$ , służąca do utworzenia równania  $Aw = b$ .

## Wektor $b$ znanych wartości metody HRE (wykorzystuje wartości własne)

### Nazwa

*HREconstantTermVector*

### Opis

Na podstawie znanych alternatyw, w oparciu o wartości własne macierzy, oblicza wektor  $b$ , który razem z macierzą  $A$  (patrz *HREmatrix*) utworzy układ równań liniowych postaci  $Aw = b$ .

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Wektor  $b$ , służący do utworzenia równania  $Aw = b$ .

## Ranking nieznanych wartości HRE (wykorzystuje wartości własne)

### Nazwa

*HREpartialRank*

### Opis

W oparciu o wartości własne macierzy oblicza nieznane alternatywy.

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Wartości nieznanych alternatyw

## Pełny ranking HRE (wykorzystuje wartości własne)

### Nazwa

*HREfullRank*

### Opis

W oparciu o wartości własne macierzy oblicza nieznane alternatywy i dodaje je do wektora znanych wartości.

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Wektor wag znanych i nieznanych alternatyw.

## Przeskalowany ranking HRE (wykorzystuje wartości własne)

### Nazwa

*HRErescaledRank*

### Opis

Oblicza pełny ranking HRE (patrz *HREfullRank*), a następnie skaluje wynikowy wektor wag w taki sposób, aby suma elementów wyniosła 1.

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Przeskalowany wektor wag znanych i nieznanymi alternatyw.

## Macierz $A$ metody HRE (wykorzystuje średnie geometryczne)

### Nazwa

*HREgeomMatrix*

### Opis

W oparciu o średnie geometryczne wierszy macierzy, oblicza macierz, która razem z wektorem  $b$  (patrz *HREgeomConstantTermVector*) utworzy układ równań liniowych postaci  $Aw = b$ .

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Macierz  $A$ , służąca do utworzenia równania  $Aw = b$ .

## Wektor $b$ znanych wartości metody HRE (wykorzystuje średnie geometryczne)

### Nazwa

*HREgeomConstantTermVector*

### Opis

Na podstawie znanych alternatyw, w oparciu o średnie geometryczne, oblicza wektor  $b$ , który razem z macierzą  $A$  (patrz *HREgeomMatrix*) utworzy układ równań liniowych postaci  $Aw = b$ .

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Wektor  $b$ , służący do utworzenia równania  $Aw = b$ .

## Pośredni ranking nieznanych wartości HRE

### Nazwa

*HREgeomIntermediateRank*

### Opis

W oparciu o średnie geometryczne oblicza podstawę, która posłuży do obliczenia wartości nieznanych alternatyw. Współczynniki te zostaną przemnożone przez 10 (patrz *HREgeomPartialRank*)

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Wektor pośrednich wartości nieznanych alternatyw

## Ranking nieznanych wartości HRE (wykorzystuje średnie geometryczne)

### Nazwa

*HREgeomPartialRank*

### Opis

W oparciu o średnie geometryczne oblicza nieznane alternatywy.

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Wartości nieznanych alternatyw

## Pełny ranking HRE (wykorzystuje średnie geometryczne)

### Nazwa

*HREgeomFullRank*

### Opis

W oparciu o średnie geometryczne oblicza nieznane alternatywy i dodaje je do wektora znanych wartości.

### Argumenty

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### Zwracana wartość

Wektor wag znanych i nieznanych alternatyw.

## Przeskalowany ranking HRE (wykorzystuje średnie geometryczne)

### **Nazwa**

*HREgeomRescaledRank*

### **Opis**

Oblicza pełny ranking HRE (patrz *HREgeomFullRank*), a następnie skaluje wynikowy wektor wag w taki sposób, aby suma elementów wyniosła 1.

### **Argumenty**

matrix – PC matrix

knownVector – wektor znanych alternatyw, pozostałe oznaczone jako 0

### **Zwracana wartość**

Przeskalowany wektor wag znanych i nieznanymi alternatyw.





## 4. Niespójność

### 4.1. Problemy związane z metodami porównań parami

Głównym problemem metody porównań parami jest niespójność danych. To najczęstszy zarzut, jaki można usłyszeć ze strony krytyków. Być może to także jeden z powodów, dla których AHP i HRE nie zdobyły jeszcze tak dużej popularności. Mimo, iż metoda opiera się na obliczeniach matematycznych i jest potwierdzona dowodami oraz twierdzeniami, zawiera jednak jeden *słabszy* element - czynnik ludzki. Człowiek współtworzy przecież obliczenia tej metody poprzez dostarczanie wyników porównań, bez których pozostałe składniki nie mają sensu. Dlaczego tak trudno jest dostarczyć spójne dane wejściowe i czy eksperci, którzy proszeni są o dokonanie porównań nie mogliby się tego po prostu nauczyć?

Oczywiście ludzie, którzy znają zasady działania metody potrafią tak dobrać wartości macierzy PC, aby była ona spójna. Jeśli jednak widzimy tylko sparowane alternatywy i mamy przypisać im, zgodnie z naszymi odczuciami, preferencje, okazuje się to już o wiele trudniejsze. Czasem zdarzają się sytuacje, w których ciężko jest przypisać konkretne liczby do stosunku, jaki posiadamy do przedstawionych alternatyw lub określić *stopień preferowania*. Skale ocen spośród których wybieramy ocenę jest umowna, a konkretne wartości mogą zostać różnie, subiektywnie odczytane przez poszczególne osoby.

Zastanówmy się kiedy macierz jest niespójna. Aby łatwiej zrozumieć na czym polega problem, przedstawię dwa proste przykłady. Pierwszy z nich okaże się niespójny nawet bez zwracania uwagi na konkretne wartości.

**Przykład 4.1.1.** *Sporządzamy ranking zabawek, aby wybrać ulubiony przedmiot dziecka. Przedstawiamy mu piłkę i rower, a dziecko wybiera piłkę. Następnie pokazujemy rower i hulajnogę, wybór pada na rower. Ostatnie porównanie to hulajnoga i piłka, tym razem dziecko wskazuje na hulajnogę.*

Nie trzeba znać się na matematyce, aby szybko zorientować się, że ranking w tej sytuacji nie ma sensu, ponieważ w teorii, jeśli obiekt  $A$  jest lepszy od  $B$ , zaś  $B$  lepszy od  $C$ , to oczekujemy, że obiekt  $A$  jest zdecydowanie bardziej preferowany niż  $C$ . W praktyce czasami okazuje się inaczej. W tej sytuacji dane są niespójne.

**Przykład 4.1.2.** *Porównujemy obiekt  $A$  z obiektem  $B$  i przypisujemy rezultat 2. Następnie zestawiamy  $B$  i  $C$ , tutaj również wybieramy wartość 2.  $A$  więc, mówiąc potocznie, obiekt  $A$  jest dwa razy lepszy od  $B$ , który z kolei 2 razy lepszy od  $C$ . Jakiego rezultatu oczekujemy więc w porównaniu obiektów  $A$  i  $C$ ?*

Po chwili namysłu dochodzimy do wniosku, że obiekt  $A$  w stosunku do obiektu  $C$  powinien przyjąć wartość 4. Właśnie wtedy nasze dane będą całkowicie spójne.

Drugi z przedstawionych przykładów prowadzi nas do wniosku, na którym opiera się teoria spójności danych w metodzie porównań parami:

$$m_{ik} = m_{ij}m_{jk} \quad \forall_{i,j,k} \quad (4.1)$$

W praktyce okazuje się, że bardzo rzadko otrzymujemy idealnie spójną macierz, dlatego do metod porównań parami wprowadzony został współczynnik niespójności. Informuje on o stopniu niespójności danych i na jego podstawie możemy zdecydować, czy warto wykonywać obliczenia na danej macierzy PC, czy może należy poprosić o ponowne wykonanie porównań. Na przestrzeni lat powstało wiele sposobów obliczania współczynnika niespójności, w mojej pracy przedstawię dwa z nich.

## 4.2. Współczynnik Saaty'ego

Aby wyznaczyć współczynnik Saaty'ego należy ponownie wykorzystać maksymalną wartość własną macierzy. To właśnie w oparciu o ten parametr Saaty przedstawił swoje rozważania [7]. Wykorzystał fakt, że największa wartość własna każdej macierzy jest równa jej wymiarowi wtedy i tylko wtedy, kiedy dana macierz jest spójna. Na tej podstawie zaproponował współczynnik niespójności (ang. *Consistency Index*). Dla macierzy o wymiarze  $n$  wyraża się wzorem:

$$CI(A) = \frac{\lambda_{max} - n}{n - 1}$$

W najprostszej wersji obliczania współczynnika niespójności możemy w tym miejscu zakończyć nasze rozważania. Przyjmuje się, że jeżeli wyznaczona wartość CI jest mniejsza niż 0.1, to macierz jest spójna, w przeciwnym wypadku należy poprawić wartości porównań.

### Przykład 4.2.1.

$$M = \begin{pmatrix} 1 & 2 & 8 \\ \frac{1}{2} & 1 & \frac{3}{4} \\ \frac{1}{8} & \frac{4}{3} & 1 \end{pmatrix}$$

Wyznaczamy największą wartość własną:  $\lambda_{max} = 3.319518$ , a następnie współczynnik:

$$CI(M) = \frac{3.319518 - 3}{3 - 1} = 0.159759.$$

Otrzymany rezultat informuje nas, że macierz  $M$  nie jest spójna.

Nieco bardziej dokładny sposób obliczania niespójności zaproponowany przez Saaty'ego zestawia wartość  $CI$  z współczynnikiem zależnym od wymiaru macierzy. Pozwala to na bardziej szczegółowe określenie wielkości niespójności danych. W tym przypadku należy wykorzystać tabelę (4.1) i wyznaczyć współczynnik nazywany *Consistency Ratio* (CR) według wzoru:

$$CR(A) = \frac{CI(A)}{RI_n}$$

**Tabela 4.1.** Wartości  $RI_n$ 

$n$	3	4	5	6	7
$RI_n$	0.5247	0.8816	1.1086	1.2479	1.3417

W przypadku naszej macierzy  $M$  wynosi on:  $\frac{0.159759}{0.5247} = 0.3044768$ . W tej metodzie również przyjmuje się, że warunkiem spójności jest spełnienie nierówności:  $CR \leq 0.1$ , więc klasyfikujemy macierz  $M$  jako niespójną.

### 4.3. Metoda odległościowa - Koczkodaj

Jedną z głównych wad współczynnika Saaty'ego jest fakt, że wartości własne są wielkościami charakteryzującymi całą macierz, nie pozwalają więc określić, które elementy powodują wystąpienie niespójności. Rozwiązaniem tego problemu jest wprowadzona przez Koczkodaj [10] metoda odległościowa, którą krótko przedstawię. Nieco bardziej rozbudowany opis, napisany przyjaznym językiem, można znaleźć w [11].

Zacznijmy od rozważenia macierzy o wymiarach  $3 \times 3$ :

$$A = \begin{pmatrix} 1 & a & b \\ \frac{1}{a} & 1 & c \\ \frac{1}{b} & \frac{1}{c} & 1 \end{pmatrix}$$

Odwołując się do 4.1 możemy wnioskować, że  $b = ac$ . Nasza macierz będzie spójna, jeśli spełniony zostanie ten warunek.

W celu zmierzenia ewentualnej niespójności, ponownie wykorzystując 4.1, możemy stworzyć trzy wektory, w których jedna wartość zostanie wyliczona jako kombinacja dwóch pozostałych. Otrzymujemy więc wektory:  $(\frac{b}{c}, b, c)$ ,  $(a, ac, c)$  i  $(a, b, \frac{b}{a})$ . Następnie sprawdzamy odległość każdego z tych wektorów od danego w przykładzie wektora  $(abc)$ . Wybieramy ten, którego wartość odległości jest najniższa. Uzyskany rezultat to współczynnik niespójności. Zapis formalny przedstawionego algorytmu wygląda następująco:

$$CM(a, b, c) = \min\left\{\frac{1}{a}\left|a - \frac{b}{c}\right|, \frac{1}{b}\left|b - ac\right|, \frac{1}{c}\left|c - \frac{b}{a}\right|\right\}$$

Teraz możemy przejść do macierzy o większych wymiarach. Okazuje się, że wystarczy wyszukać wszystkie trójki liczb, które powinny być od siebie zależne. Trójki te zostały nazwane *triadami*. Aby wyznaczyć współczynnik niespójności macierzy wystarczy wybrać triad, dla którego wyliczona wartość jest największa:

$$CM(A) = \max\left\{\left|1 - \frac{b}{ac}\right|, \left|1 - \frac{ac}{b}\right|\right\} \quad \forall_{triady \quad (a,b,c) \quad macierzy \quad A}$$

Przyjmuje się, że macierz jest spójna, jeżeli  $CM(A) \leq \frac{1}{3}$ .

Warto zauważyć, że metoda odległościowa pozwana nie tylko zbadać niespójność, ale także wskazuje miejsce, które ma na nią największy wpływ. Dlatego można poprawić wprowadzone do macierzy PC wartości w jednym, konkretnym miejscu i przez to zmniejszyć współczynnik niespójności.

## 4.4. Biblioteka PairwiseComparisons - niespójność

**Funkcje z biblioteki PairwiseComparisons pomocne w powyższych obliczeniach:**

### Współczynnik Saaty'ego

**Nazwa**

*saatyIdx*

**Opis**

Oblicza współczynnik niespójności macierzy w podstawowej wersji zaproponowanej przez Saaty'ego.

**Argumenty**

matrix – PC matrix

**Zwracana wartość**

Wartość współczynnika Saaty'ego.

**Dodatkowe informacje**

W bibliotece dostępna jest również symboliczna wersja tej funkcji. *saatyIdxSym*

### Współcznnik niespójności Koczkodaja dla triady

**Nazwa**

*koczkodajTriadIdx*

**Opis**

Oblicza współczynnik niespójności dla triady metodą Koczkodaja

**Argumenty**

triad – wektor trzech liczb

**Zwracana wartość**

Współczynnik Koczkodaja

## Najbardziej niespójny triad macierzy

### Nazwa

*kockodajTheWorstTriad*

### Opis

Znajduje triad, którego wartość współczynnika niespójności Kockodaja jest największa.

### Argumenty

matrix – PC matrix

### Zwracana wartość

Triad o największym współczynniku niespójności.

## Najbardziej niespójne triady macierzy

### Nazwa

*kockodajTheWorstTriads*

### Opis

Znajduje triady, których wartości współczynnika niespójności Kockodaja są największe.

### Argumenty

matrix – PC matrix

n – ilość oczekiwanych triad

### Zwracana wartość

Triady o największym współczynniku niespójności.

## Współczynnik niespójności Kockodaja

### Nazwa

*kockodajIdx*

### Opis

Oblicza współczynnik niespójności macierzy w podstawowej wersji zaproponowanej przez Kockodaja.

### Argumenty

matrix – PC matrix

### Zwracana wartość

Wartość współczynnika Kockodaja.

## Spójny triad

### Nazwa

*koczkodajConsistentTriad*

### Opis

Na podstawie przekazanej trójki liczb, znajduje triad , którego wartość współczynnika niespójności jest najmniejsza.

### Argumenty

triad – wektor trzech liczb

### Zwracana wartość

Triad o najmniejszym współczynniku niespójności.

## Poprawiona macierz

### Nazwa

*koczkodajImprovedMatrixStep*

### Opis

Znajduje miejsce (triad), w którym macierz jest najbardziej niespójna, a następnie poprawia wartości w tych miejscach, w taki sposób, aby współczynnik niespójności zmniejszył się

### Argumenty

matrix – PC matrix

### Zwracana wartość

Macierz o mniejszym współczynniku niespójności.

## 5. Pozostałe metody

W ciągu wielu lat rozwijania metody porównań parami i badań prowadzonych w tej dziedzinie, powstało wiele funkcji, które nie są bezpośrednio częścią PC, przyczyniają się jednak do weryfikacji prawidłowości działania metody, upraszczają pracę z macierzami, również tymi niekompletnymi, czy pozwalają sprawdzić otrzymane wyniki. W tym rozdziale przedstawię kilka z takich metod.

### 5.1. Łączenie rankingów

Kiedy chcemy rozwiązać jakiś określony problem wykorzystując metodę porównań parami, możemy sami dokonać porównań lub poprosić o nie ekspertów w danej dziedzinie. To daje nam nadzieję, że wyniki będą obiektywne i odzwierciedlające rzeczywistość. Po otrzymaniu od nich macierzy PC, chcemy połączyć te tabele i utworzyć z nich jedną, która będzie odzwierciedlać preferencje wszystkich ekspertów. Drugą alternatywą jest obliczenie wektora wag dla każdej z otrzymanych macierzy, a następnie połączenie ich w jeden, sumaryczny wektor.

Aby tego dokonać możemy posłużyć się metodami *Aggregating individual judgments and priorities (AIJ i AIP)*, które wprowadzili Forman i Peniwati [12]. Proponują oni użycie funkcji, które wyliczają średnie arytmetyczne i geometryczne, zarówno dla macierzy, jak i dla wektorów.

#### Przykład 5.1.1.

$$M_1 = \begin{pmatrix} 1 & 2 & 4 \\ \frac{1}{2} & 1 & 2 \\ \frac{1}{4} & \frac{1}{2} & 1 \end{pmatrix} \quad M_2 = \begin{pmatrix} 1 & \frac{1}{3} & 4 \\ 3 & 1 & 9 \\ \frac{1}{4} & \frac{1}{9} & 1 \end{pmatrix}$$

Obliczamy macierz PC, która odzwierciedla obie macierze:

– z wykorzystaniem średniej arytmetycznej:

$$M_{art} = \begin{pmatrix} 1 & \frac{7}{6} & 4 \\ 1\frac{3}{4} & 1 & 5\frac{1}{2} \\ \frac{1}{4} & \frac{11}{36} & 1 \end{pmatrix}$$

– z wykorzystaniem średniej geometrycznej:

$$M_{geom} = \begin{pmatrix} 1 & 0.8164966 & 4 \\ 1.224745 & 1 & 4.242641 \\ 0.25 & 0.2357023 & 1 \end{pmatrix}$$

## 5.2. Wektor wag a macierz PC

Przyjrzyjmy się jeszcze raz przedstawionemu już wcześniej warunkowi spójności macierzy:  $m_{ik} = m_{ij}m_{jk}$ . Wyprowadzenie tego wzoru jest proste i opiera się na spostrzeżeniu, że stosunek dwóch elementów wektora wag powinien być równy odpowiadającej im wartości w macierzy PC. Przykładowo, jeśli alternatywa druga ma wartość 0.4, a alternatywa trzecia 0.2, to spodziewamy się, że wartość porównania drugiej i trzeciej alternatywy wynosi  $\frac{0.4}{0.2} = 2$ . Szczegółową wersję spójności macierzy można więc przedstawić następująco:

$$a_{ij}a_{jk} = \frac{w_i}{w_j} \frac{w_j}{w_k} = \frac{w_i}{w_k} = a_{ik}. \quad (5.1)$$

Właśnie na tym spostrzeżeniu bazują Bana e Costa i Vansnick [13] w swoich badaniach, wprowadzając dwa sposoby sprawdzania spójności i wykrywania miejsc, w których macierz nie jest spójna: (*first and second Condition of Order Preservation - COP*). Pierwszy sposób (COP1) sprawdza, czy wybór lepszej alternatywy w każdej parze przekłada się na większą wartość danej alternatywy w wektorze wag. Drugi sposób (COP2) jest bardziej dokładny i wprost weryfikuje warunek 5.1 dla każdej pary alternatyw.

## 5.3. Odległość między wektorami

Ciekawym algorytmem jest obliczanie odległości między wektorami. Sposób ten przedstawił Maurice Kendall [14]. Opiera się on na idei sortowania bąbelkowego. W czasie sortowania tego rodzaju, kolejno porównujemy sąsiadujące ze sobą elementy i jeśli nie są we właściwej kolejności, to zamieniamy je miejscami. Czynność powtarzamy aż do momentu, gdy cała lista elementów jest posortowana. Kendall zaproponował algorytm zliczający ilość *zamian miejscami*, które należałoby wykonać w danym wektorze, by stał się identyczny do drugiego wektora.

## 5.4. Inne funkcje usprawniające pracę z macierzami PC

W bibliotece PairwiseComparisons znalazły się także inne funkcje, które bezpośrednio nie dotyczą metody porównań parami, ułatwiają jednak pracę z macierzami, w szczególności z macierzami PC. Przykładem może być funkcja *recreatePCMatrix*, która przyjmuje macierz z uzupełnionymi wartościami tylko powyżej przekątnej, a pozostałe elementy uzupełnia automatycznie.



## 5.5. Biblioteka PairwiseComparisons - pozostałe metody

Funkcje z biblioteki PairwiseComparisons pomocne w powyższych obliczeniach:

### Agregacja macierzy/wektorów (średnia arytmetyczna)

**Nazwa**

*AIJadd*

**Opis**

Oblicza macierz lub wektor, którego elementy są średnią arytmetyczną przekazanych macierzy lub wektorów.

**Argumenty**

... – lista macierzy lub wektorów tych samych wymiarów

**Zwracana wartość**

Średnia macierz/wektor

### Agregacja macierzy/wektorów (średnia geometryczna)

**Nazwa**

*AIJgeom*

**Opis**

Oblicza macierz lub wektor, którego elementy są średnią geometryczną przekazanych macierzy lub wektorów.

**Argumenty**

... – lista macierzy lub wektorów tych samych wymiarów

**Zwracana wartość**

Średnia macierz/wektor

### Lista COP1

**Nazwa**

*cop1ViolationList*

**Opis**

Wyznacza listę indeksów macierzy, które nie spełniają pierwszego warunku *Condition of Order Preservation (COP1)*

**Argumenty**

matrix – macierz PC

resultList – wektor wag macierzy

**Zwracana wartość**

Lista indeksów niespełniających *COP1*

## COP1

### Nazwa

*cop1Check*

### Opis

Sprawdza czy każda para indeksów macierzy spełnia pierwszy warunek *Condition of Order Preservation (COP1)*

### Argumenty

matrix – macierz PC

resultList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

*true* jeśli *COP1* jest spełniony, w przeciwnym razie *false*

## Lista COP2

### Nazwa

*cop2ViolationList*

### Opis

Wyznacza listę indeksów macierzy, które nie spełniają drugiego warunku *Condition of Order Preservation (COP2)*

### Argumenty

matrix – macierz PC

resultList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

Lista indeksów niespełniających *COP2*

## COP2

### Nazwa

*cop2Check*

### Opis

Sprawdza czy każda para indeksów macierzy spełnia drugi warunek *Condition of Order Preservation (COP2)*

### Argumenty

matrix – macierz PC

resultList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

*true* jeśli *COP2* jest spełniony, w przeciwnym razie *false*

## Rozbieżność rankingu

### Nazwa

*errorMatrix*

### Opis

Oblicza rozbieżność dla każdego elementu macierzy i tworzy macierz  $E$  zawierającą elementy obliczane według wzoru  $e_{ij} = m_{ij} \frac{r_i}{r_j}$ . Jeśli macierz  $M$  nie zawiera elementów rozbieżnych (warunek *COP2* jest spełniony), każdy element  $e_{ij}$  wynosi 1.

### Argumenty

matrix – macierz PC

resultList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

Macierz błędów  $E = [e_{ij}]$

## Lokalna rozbieżność rankingu

### Nazwa

*localDiscrepancyMatrix*

### Opis

Oblicza wielkość rozbieżności (patrz *errorMatrix*) dla każdego elementu.

### Argumenty

matrix – macierz PC

resultList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

Macierz z lokalnymi rozbieżnościami

## Globalna rozbieżność rankingu

### Nazwa

*globalDiscrepancy*

### Opis

Znajduje największą lokalną rozbieżność (patrz *localDiscrepancyMatrix*).

### Argumenty

matrix – macierz PC

resultList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

Maksymalna wartość lokalnej rozbieżności

## Odległość między wektorami

### Nazwa

*kendallTauDistance*

### Opis

Oblicza odległość Kendall Tau (sortowanie bąbelkowe) pomiędzy dwoma wektorami.

### Argumenty

list1 - pierwszy wektor do porównania

list2 - drugi wektor do porównania

### Zwracana wartość

Liczba *zamian miejscami*, które należy wykonać, aby kolejność elementów w wektorach była identyczna

## Znormalizowana odległość między wektorami

### Nazwa

*normalizedKendallTauDistance*

### Opis

Oblicza odległość Kendall Tau (sortowanie bąbelkowe) pomiędzy dwoma wektorami (patrz *kendallTauDistance*) i dzieli je przez liczbę wszystkich możliwych *zamian miejscami*.

### Argumenty

list1 - pierwszy wektor do porównania

list2 - drugi wektor do porównania

### Zwracana wartość

Stosunek liczba *zamian miejscami*, które należy wykonać, aby kolejność elementów w wektorach była identyczna do liczby wszystkich możliwych *zamian miejscami*

## Usuń wiersze

### Nazwa

*deleteRows*

### Opis

Usuwa wybrane wiersze z macierzy

### Argumenty

matrix – macierz PC

listOfRows – wektor indeksów wierszy, które należy usunąć

### Zwracana wartość

Macierz po usunięciu wskazanych wierszy

## Usuń kolumny

### Nazwa

*deleteColumns*

### Opis

Usuwa wybrane kolumny z macierzy

### Argumenty

matrix – macierz PC

listOfColumns – wektor indeksów kolumn, które należy usunąć

### Zwracana wartość

Macierz po usunięciu wskazanych kolumn

## Usuń wiersze i kolumny

### Nazwa

*deleteRowsAndColumns*

### Opis

Usuwa wybrane wiersze i kolumny z macierzy

### Argumenty

matrix – macierz PC

listOfRowsAndColumns – wektor indeksów wierszy i kolumn, które należy usunąć

### Zwracana wartość

Macierz po usunięciu wskazanych wierszy i kolumn

## Zwróć element macierzy

### Nazwa

*getMatrixEntry*

### Opis

Zwraca  $[r, c]$  element z macierzy.

### Argumenty

matrix – macierz PC

r – numer rzędu

c – numer kolumny

### Zwracana wartość

Wskazany element macierzy

## Utwórz kompletną macierz PC

### Nazwa

*recreatePCMatrix*

### Opis

Na podstawie macierzy z uzupełnionymi wartościami nad przekątną, tworzy kompletną macierz PC

### Argumenty

matrix – macierz PC

### Zwracana wartość

Kompletna macierz PC

## Puste elementy macierzy

### Nazwa

*harkerMatrixPlaceHolderCount*

### Opis

Sprawdza ile elementów w rzędzie ma wartość 0.

### Argumenty

matrix – macierz PC

row – numer rzędu, którego elementy są sprawdzane

### Zwracana wartość

Ilość pustych elementów w wierszu

## Napraw macierz

### Nazwa

*harkerMatrix*

### Opis

Tworzy macierz gotową do użycia w metodach porównań parami. Niewłaściwe elementy zastępowane są wartością 0, a na przekątnej ustawiana jest wartość 1.

### Argumenty

matrix – macierz z możliwymi błędnymi wartościami

### Zwracana wartość

Macierz PC gotowa do użycia w metodach porównań parami.

## Utwórz spójną macierz

### Nazwa

*consistentMatrixFromRank*

### Opis

Na podstawie rankingu wag  $W$  tworzy spójną macierz PC, której elementy to  $m_{ij} = \frac{w_i}{w_j}$ .

### Argumenty

rankList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

Spójna macierz PC

## Sortuj ranking

### Nazwa

*rankOrder*

### Opis

Sortuje malejąco wartości wektora wag od najwyższej do najniższej

### Argumenty

rankList – wektor wag macierzy

### Zwracana wartość

Posortowany wektor wag macierzy





## 6. Podsumowanie i wnioski

Cel pracy, którym było stworzenie biblioteki `PairwiseComparisons`, został osiągnięty. Powstała biblioteka, zgodnie z założeniami, pokrywa funkcjonalność pakietu [6] i służy do wykonywania obliczeń matematycznych, na których opiera się metoda porównań parami. Biblioteka pozwala obliczać gotowe rankingi poprzez wywołanie tylko jednej funkcji, jak również udostępnia wiele metod, które umożliwiają stopniowe budowanie rankingów.

Pakiet napisany został w języku R, który przeznaczony jest do obliczeń matematycznych i wykorzystywany głównie w tym celu. Jego składnia i sposób definiowania własnych funkcji jest intuicyjny, a sposób działania szybki. Powstała również biblioteka napisana w języku Java umożliwiająca korzystanie z funkcji z poziomu maszyny wirtualnej Javy. Wykorzystuje bibliotekę *RCaller* [15], która pozwala na wywoływanie kodu źródłowego napisanego w języku R - przeznaczonego przecież właśnie do obliczeń. Rozwiązanie to pozwoliło w prosty sposób połączyć oba języki. Dzięki niemu nie musiałem wprost implementować szczegółów metody porównań parami w języku Java. Wykorzystanie dośrodków R w pakiecie Javy okazało się dobrym wyborem i uświadomiło mi, że w ramach pisania kodu źródłowego w jednym języku, warto czasem pewne specyficzne fragmenty *odeśłać* do innego, aby ułatwić implementację i usprawnić pracę całego rozwiązania.

Biblioteka może posłużyć osobom, które znają już metodę porównań parami i pracują z nią na co dzień. Powinna przyspieszyć ich działania i pozwolić skupić się na rozwijaniu metody, a nie wyszukiwaniu sposobów na zaimplementowanie podstawowych funkcjonalności w języku Java. Pakiet może zostać również wykorzystany do wprowadzenia nowych osób w zagadnienie metody porównań parami poprzez zaprezentowanie prostych przykładów jej działania. Kiedy opowiada się o PC, jednym z elementów powodującym zniechęcenie są obliczenia matematyczne, których implementacja może wydawać się skomplikowane. Powstała biblioteka pozwoli odwrócić od niej uwagę i pokazać, że można korzystać z metody w prosty sposób. Mam nadzieję, że wpłynie to pozytywnie na odbiór metody, pozwoli zwiększyć jej popularność i zainteresować nią nowe osoby.

Metoda porównań parami ciągle się rozwija i z pewnością w przyszłości będzie poszerzana o nowe funkcjonalności, a także wykorzystywana w coraz to nowych dziedzinach. Nowe rozwiązania mogą zostać wprowadzane do biblioteki, której kolejne wersje będą odpowiadać aktualnemu stopniowi rozwoju metody. Czekam więc na kolejne odkrycia w tej dziedzinie, aby zaimplementować je w językach R i Java, a następnie dostarczyć badaczom w celu usprawnienia ich pracy.



## Bibliografia

- [1] G. T. Fechner. *Elements of psychophysics*. T. 1. New York: Holt, Rinehart i Winston, 1966.
- [2] L. L. Thurstone. „A law of comparative judgment, reprint of an original work published in 1927”. W: *Psychological Review* 101 (1994), s. 266–270.
- [3] T. L. Saaty. „Relative Measurement and Its Generalization in Decision Making. Why Pairwise Comparisons are Central in Mathematics for the Measurement of Intangible Factors. The Analytic Hierarchy/Network Process”. W: *Estadística e Investigación Operativa / Statistics and Operations Research (RACSAM)* 102 (November 2008), s. 251–318.
- [4] K. Kułakowski. „Heuristic Rating Estimation Approach to The Pairwise Comparisons Method”. W: *Fundamenta Informaticae* 133.4 (2014), s. 367–386.
- [5] K. Kułakowski. „Notes on the existence of a solution in the pairwise comparisons method using the heuristic rating estimation approach”. W: *Annals of Mathematics and Artificial Intelligence* 77.1 (2016), s. 105–121.
- [6] K. Kułakowski. <http://home.agh.edu.pl/~kkulak/doku.php?id=user:konrad:researchlibs:pcpackage>.
- [7] T. L. Saaty. „A scaling method for priorities in hierarchical structures”. W: *Journal of Mathematical Psychology* 15.3 (1977), s. 234–281.
- [8] M. Burnelli. *Introduction to the Analytic Hierarchy Process*. SpringerBriefs in Operations Research, 2015.
- [9] K. Kułakowski. „A heuristic rating estimation algorithm for the pairwise comparisons method”. W: *Central European Journal of Operations Research* 23.1 (2015), s. 187–203.
- [10] W. W. Koczkodaj. „A new definition of consistency for pairwise comparisons”. W: *Mathematical and Computer Modelling* 18.7 (1993), s. 79–84.
- [11] K. Wójcik. *Portal ankiet porównawczych*. AGH University of Science i Technology.
- [12] E. H. Forman i K. Peniwati. „Aggregating Individual Judgments and Priorities with the AHP”. W: *European Journal of Operational Research* 108.1 (1998), s. 165–169.
- [13] C. A. Bana e Costa i Jean-Claude Vansnick. „A critical analysis of the eigenvalue method used to derive priorities in AHP”. W: *European Journal of Operational Research* 187.3 (2008), s. 1422–1428.
- [14] Kendall tau distance. [https://en.wikipedia.org/wiki/Kendall\\_tau\\_distance](https://en.wikipedia.org/wiki/Kendall_tau_distance).

- [15] M. H. Satman. „RCaller: A Software Library for Calling R from Java”. W: *British Journal of Mathematics Computer Science* 4.15 (2014), s. 2188–2196.