## Прикладная статистика, НИУ ВШЭ / Домашняя работа 2

Студент - Катерина Олейникова

Преподаватель - Сергей Спирин

7 Февраля 2022

Примечание Для решения большинства заданий был использован пакет stats из R.

**Задача 1** В лесу случайным образом было выбрано 7 участков одинаковой площади. На каждом участке было посчитано число взрослых сосен, росших на нём. Эти числа оказались такими: 7, 12, 9, 17, 10, 13, 15. Существенно ли варьирует число сосен?

Решение.

Сначала примем нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: Вариативность количества деревьев на участках незначительна (распределение деревьев равномерное).

НА: Вариативность количества деревьев на участках значительна (распределение деревьев неравномерное).

Для того, чтобы определить наличие вариативности количества деревьев, используем критерий хиквадрат (индивидуальных наблюдений здесь 7 (что больше 5) и в сумме больше 50 (не менее 20), что подтверждает применимость критерия согласия хи-квадрат.

Для нахождения значения хи-квадрата было использовано два способа: 1) с использованием функции chisq.test() и 2) по формуле:

$$\chi^2 = \sum \frac{(O-E)^2}{E},$$

где O - наблюдаемое (observed);

E - ожидаемое (expected) (найдено через R и = 11,857).

$$\chi^2 = \frac{(7-E)^2 + (12-E)^2 + (9-E)^2 + (17-E)^2 + (10-E)^2 + (13-E)^2 + (15-E)^2}{E} = 6{,}145.$$

Затем находится значение степени свободы как n-1 = 7-1 = 6 (d.f.)

Принимая уровень значимости 0.05 и посмотрев по таблице распределения хи-квадрата при d.f. = 6, находим значение критической точки распределения хи-квадрата как 12,592.

Сравниваем полученное значение хи-квадрата (6,145) с табличным (12,592) - видно, что полученное значение меньше табличного, значит, здесь у нас нет оснований для отклонения нулевой гипотезы.

С помощью R было найдено соответствующее p-значение для полученного xu-квадрата: 0.407 > 0.05, следовательно, мы не можем отвергнуть нулевую гипотезу о том, что вариативность количества деревьев на участках незначительна.

Задача 2 В каждом из двух прудов было поймано по 50 прудовиков. В 20 прудовиках из первого пруда и 32 прудовиках из второго были обнаружены личинки печёночных сосальщиков. На каком уровне значимости можно утверждать, что пруды различаются по заражённости прудов сосальщиком?

Решение.

#### Способ 1.

Сначала нужно определиться с уровнем уверенности. Пусть это будет стандартная 1/20 = 0.025.

Затем примем нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: Пруды 1 и 2 не различаются по заражённости прудовиков.

НА: Пруд 2 отличается большей заражённостью прудовиков, чем пруд 1.

Если среднее число зараженных прудовиков печёночными сосальщиками равно µ, то реальное число распределено по Пуассону со средним µ.

Можно считать, что  $\mu = (20 + 32)/2 = 26$  (среднее между двумя наблюдениями).

При таком среднем распределение Пуассона практически не отличается от нормального распределения со средним 26 и дисперсией тоже 26 (поскольку у распределения Пуассона математическое ожидание всегда равно дисперсии и число 26 тут достаточно большое (>5-7)).

Математическое ожидание вычитается: M(X)=26 - 26=0, а дисперсия складывается: D(X)=26+26=52

Разность двух независимо распределённых величин распределена нормально со средним 0 и дисперсией 52 (то есть с  $\sigma = 7{,}211$ ). Пересчитывая статистику в Z-score, получаем:

$$Z = \frac{\Delta x}{\sigma},$$

где  $\Delta x$  - разность между двумя величинами (32 - 20 = 12);  $\sigma$  - среднеквадратическое отклонение.

$$Z = \frac{12}{7,211} = 1,664 < 1,96$$

1,96 является порогом на стандартно нормально распределённую случайную величину в данном случае  $(F(-1,96)\approx 0,025)$ . Также тут стоит отметить, что принята альтернатива двусторонняя, поскольку мы заранее не знаем, какой пруд заражён больше.

То есть, мы не попадаем в критическое множество, поэтому **нет основания утверждать, что пруд 2** отличается большей заражённостью прудовиков, чем пруд 1 - нулевая гипотеза не отклоняется.

#### Способ 2.

Для решения по иному способу мной была рассмотрена возможность использовать как критерий хиквадрат с поправкой Йейтса, так и точный критерий Фишера, т.к. оба критерия используются для решения таблиц  $2 \times 2$  (что в данном случае применимо), но критерий Фишера вычисляется в случае, когда в клетках таблицы сопряжённости  $2 \times 2$  не очень большие числа (меньше 5). Тем не менее, в качестве проверки результата точный критерий Фишера был применен в R.

Примем нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: Зараженность прудовиков печёночными сосальщиками не зависит от пруда.

НА: Зараженность прудовиков печёночными сосальщиками зависит от пруда.

Определим различия в оценках между двумя группами с достоверностью  $\alpha = 0.05$ .

Затем построим следующую таблицу сопряжённости:

| Состояние пруда  | Заражён | Не заражён | Общее количество прудовиков |
|------------------|---------|------------|-----------------------------|
| Пруд 1           | 20      | 30         | 50                          |
| Пруд 2           | 32      | 18         | 50                          |
| Общее количество | 52      | 48         | 100                         |

Критерий хи-квадрат с поправкой Йейтса через R выдал следующий результат: p-value = 0.0277.

Точный критерий Фишера (двусторонний тест) показал примерно тот же результат: p-value = 0,0272.

Видно, что результаты практически одинаковы (с точностью до 3 знака).

Полученное р-значение (0,0277) меньше принятого уровня достоверности (0,05), **что свидетельствует** о возможности отклонения нулевой гипотезы о том, что зараженность прудовиков печёночными сосальщиками не зависит от состояния пруда.

Задача 3 Геном одного из штаммов вируса SARS-CoV-2 содержит 29903 нуклеотида, которые распределены так:

| Τ | 9594 |
|---|------|
| A | 8954 |

G 5863

C 5492

(замечание: носителем генома является РНК, которая содержит урацил (U) вместо тимина (T), но по сложившейся традиции в базах данных используется буква T и для тимина, или урацила).

В этом геноме 2377 раз встречается слово ТА. Определите, имеется ли достоверное ( $\alpha = 0{,}001$ ) отличие частоты этого слова от ожидаемой при предположении независимого появления букв в геноме (равновероятность букв не предполагается, рассматриваем наблюдаемые частоты отдельных букв).

### Решение.

Уровень достоверности  $\alpha$  по условию задачи равен 0,001 (тогда критическое значение Z = 3,09).

Примем нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: Отличие фактической частоты встречаемости слова ТА от ожидаемой частоты недостоверно.

НА: Отличие фактической частоты встречаемости слова ТА от ожидаемой достоверно.

Рассчитаем вероятность появления слова ТА, учитывая появление букв А и Т как двух независимых событий:

$$P(AB) = P(A) \cdot P(B)$$

$$P_2 = P(Thymines/Nucleotides) \cdot P(Adenines/Nucleotides) = \frac{9594}{29903} \cdot \frac{8954}{29903} = 0,0961.$$

Теоретическая (ожидаемая) частота появления ТА в геноме:

$$f = n \cdot p$$

$$f_2 = Nucleotides \cdot P_2 = 29903 \cdot 0,0961 = 2872,778.$$

Собственно, по этой же формуле возможно вычислить фактическую вероятность появления ТА в геноме:

$$P_1 = \frac{f_1}{Nucleotides} = \frac{2377}{29903} = 0.0795.$$

Обе частоты (теоретическая и фактическая) достаточно велики по значению (представим обе величины как доли числа успехов в двух независимых испытаниях N и M). Тогда и число успехов (n и m), и долю успехов можно считать распределёнными нормально.

Сперва найдем дисперсию для каждого из двух случаев по формуле:

$$D = N \cdot p \cdot (1 - p),$$

где N - число испытаний (в данном примере равно частоте f(f') появления TA в геноме).

$$D_1 = 2377 \cdot 0.0795 \cdot (1 - 0.0795) = 173.948.$$
  
 $D_2 = 2872.778 \cdot 0.0961 \cdot (1 - 0.0961) = 249.474.$ 

Разность двух нормальных распределений распределена тоже нормально, при этом матожидания вычитаются, а дисперсии складываются. Поэтому разность долей распределена нормально со средним 0 и

дисперсией D1 + D2.

Далее посчитаем Z-статистику по формуле:

$$Z = \frac{n/N - m/M}{\sqrt{D1 + D2}} = \frac{p - p'}{\sqrt{D1 + D2}} = \frac{0.0961 - 0.0795}{\sqrt{173.948 + 249.474}} = 0.000806 < 3.09.$$

Полученное Z не попало в порог критического множества, следовательно, мы можем принять нулевую гипотезу и предположить, что отличие фактической частоты встречаемости слова TA от ожидаемой частоты недостоверно.

Задача 4 Из многолетних наблюдений известно, что средняя температура воды некоторого горячего источника составляет 61,5 С°. В районе, где расположен этот источник, недавно произошло землетрясение, и геологи хотят выяснить, не повлияло ли оно на температуру источника. В файле statistics-tasks-2.4.txt находятся результаты измерений температуры источника, проведённые вскоре после землетрясения. На каком уровне значимости можно утверждать, что землетрясение повлияло на источник?

Решение.

Примем нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: землетрясение не повлияло на источник.

НА: землетрясение повлияло на источник.

Иными словами, нулевая гипотеза опровергнет изменение средней температуры воды, а альтернативная гипотеза - подтвердит.

Задачей поставлено найти такой уровень значимости, при котором можно утверждать, что землетрясение повлияло на источник (или что то же самое - подтвердить изменение средней температуры воды), для этого необходимо будет принять альтернативную гипотезу НА.

Первый шаг - проверить выборку на нормальность распределения. Объем выборки (количество температурных значений) в текстовом файле невелик (n=19), потому применим критерий нормальности Шапиро-Уилка (данного для критерия объем выборки должен быть не меньше 3 и не больше 5000). Проверка на нормальность была реализована в R с помощью функции shapiro.test(); в результате получили значение p-value, равное 0.166 > 0.05, следовательно,  $memnepamypa\ воды\ e\ ucmovнике\ pacnpedenena\ pae-номерно.$ 

Затем для небольшой выборки с нормальным распределением можно применить критерий Стьюдента (t-test), реализация критерия была осуществлена в R (в результате было получено p-value = 0,0803).

Теперь подберём такой уровень значимости, при котором мы сможем отвергнуть нулевую гипотезу (то есть полученное р-значение должно быть меньше выбранного уровня значимости). Если рассматривать наиболее встречающиеся уровни значимости (10%, 5%, 1%, 0.1%), то получим следующие выражения:

0,0803 < 0,1 (что удовлетворяет условию),

0.0803 > 0.05 (не удовлетворяет условию),

0.0803 > 0.01 (не удовлетворяет условию),

0.0803 > 0.001 (не удовлетворяет условию).

То есть, при уровне значимости 0,1 мы можем отвергнуть нулевую гипотезу в пользу альтернативной, которая свидетельствует о том, что землетрясение повлияло на источник.

Задача 5 (Пример взят из книги: Бочаров П.П., Печинкин А.В. Теория вероятностей. Математическая статистика. 2-е изд. М.: ФИЗМАТЛИТ, 2005)

Для сравнительного анализа надежности крепёжных болтов, выпускаемых двумя заводами, были проверены на разрыв m=24 изделия первого завода и n=20 изделий второго. Силы натяжения ( $\times 10^5$  H), при которых произошли разрывы изделий первого и второго заводов, приведены в файле statistics-tasks-2.5.txt.

Необходимо сравнить эти две выборки по крайней мере одним (а лучше всеми) из известных методов и сделать выводы.

Решение.

Примем уровень значимости  $\alpha = 0.05$ .

Для начала можно проверить, распределены ли данные в двух выборках нормально. Применим для этого критерий Шапиро-Уилка с помощью shapiro.test() в R:

0.558 > 0.5 (для первой выборки),

0.977 > 0.5 (для второй выборки), значит, в обеих выборках данные распределены нормально.

Способ 1. Поскольку данные в обеих выборках имеют нормальное распределение, можно применять двувыборочный критерий Стьюдента (реализация осуществлена в R с помощью функции t.test()).

Для начала сформулируем нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: обе выборки нормально распределены, и отсутствует существенная разница их средних.

НА: обе выборки нормально распределены, но имеют разные средние (при равных дисперсиях).

Среднее для первой выборки (подсчитано через функцию mean()) равно 2,619, среднее для второй выборки = 3.666.

Далее оцениваем дисперсию по формуле (подсчёт тоже реализован в R):

$$s^2 = \sum_{i} (X_i - \hat{X})^2 / (n - 1),$$

где  $X_i$  - значение для каждой из выборок;

 $\hat{X}$  - среднее для каждой из выборок;

n - число наблюдений для каждой из выборок.

В итоге получаем  $s^2$ , равное 1,0825.

Рассчитаем t-статистику по формуле:

$$t = \frac{|\hat{X}_1 - \hat{X}_2|}{s/\sqrt{n_1} + s/\sqrt{n_2}} = \dots = 3,195.$$

Находим степень свободы как  $df = n_1 + n_2 - 2 = 24 + 20 - 2 = 42$ .

Сравним полученное значение t-критерия c табличным значением (для  $\alpha = 0.05$  и df = 42): табличное значение t-критерия Cтьюдента = 2.018 (можно найти по https://statpsy.ru/t-student/t-test-tablica/).

Рассчитанный по формуле t-критерий больше табличного (3,195 > 2,018).

В R с помощью пакета stats и функции t.test() было подсчитаны следующие значения t-критерия и р-значения:  $t=3,2825,\ p=0,00221.$ 

Рассчитанное значения t-критерия больше табличного критического значения, таким образом, при уровне значимости  $\alpha=0.05$  наблюдаемые различия статистически значимы.

Полученное р-значение = 0.00221 меньше уровня значимости  $\alpha = 0.05$ , значит, **нулевая гипотеза от**клоняется, принимается альтернативная гипотеза (то есть обе выборки распределены нормально с равными дисперсиями, но имеют разное среднее).

Способ 2. F-тест (критерий Фишера). Применим в этом способе F-тест на равенство дисперсий.

Для начала сформулируем нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: обе выборки распределены нормально с равными дисперсиями.

НА: обе выборки распределены нормально, но с разными дисперсиями.

Статистику посчитаем по формуле:

$$F = s_x^2/s_y^2 = \frac{\sum_i (X_i - \hat{X})^2/(k-1)}{\sum_j (Y_j - \hat{Y})^2/(l-1)},$$

где  $s_x^2$  и  $s_y^2$  - дисперсия для первой и второй выборки;

 $X_i$  - значение для каждого наблюдения из первой выборки;

 $\hat{X}$  - среднее для первой выборки;

*k* - число наблюдений для первой выборки;

 $Y_{j}$  - значение для каждого наблюдения из второй выборки;

 $\hat{Y}$  - среднее для второй выборки;

*l* - число наблюдений для второй выборки.

F = 0.7596 (подсчитано в R). Также F было вычислено для проверки c помощью функции var.test() (пакет stats): F = 0.7596. Значения получились идентичными.

Затем, сравнивая полученное значение F с табличным при уровне значимости  $\alpha=0.05$  и степенях свободы  $df_1=20-1=19$  (для 1-ого завода) и  $df_2=24-1=23$  (для 2-ого завода)(например, можно сравнить здесь: http://old.exponenta.ru/educat/referat/xikonkurs/student1/F-criteria.pdf), получаем, что табличное значение F=2.123 больше полученного значения F=0.7596.

Статистика получилась меньше критического значения, соответствующего выбранному уровню значимости ( $\alpha = 0.05$ , потому дисперсии двух рассмотренных выборок признаются одинаковыми.

Более того, при подсчете р-значения, полученного при использовании F-теста в R (var.test()), выяснено, что полученное p-value =0.5252>0.05, поэтому альтернативная гипотеза отклонена, и принята нулевая гипотеза.

# Можно сделать вывод, что обе выборки распределены нормально и имеют равные дисперсии.

Способ 3. Критерий Уилкоксона W (для проверки однородности выборок).

Применим такие нулевую и альтернативную гипотезы:

Н0: обе выборки одинокаво распределены.

НА: обе выборки распределены неодинаково.

В качестве статистики критерия Уилкоксона используется сумма рангов из элементов выборки с меньшим количеством элементов, то есть второй выборки (n=20). Применяя R, получаем W=570.

Возьмем несколько уровней достоверности  $(0,1;\ 0,05;\ 0,01)$  и найдем для них нижние и верхние критическия значения статистики W (при  $m=20,\ n=24$ ) из таблицы (по ссылке https://github.com/Harrix/Wilcoxon-W-Test/blob/main/-Wilcoxon-W-Test.pdf):

```
\begin{array}{ll} \alpha = 0.1 & W = [379;521]. \\ \alpha = 0.05 & W = [366;534]. \\ \alpha = 0.01 & W = [341;559]. \end{array}
```

Для каждого уровня значимости рассчитанная W-статистика больше верхней критической границы (570 > 521; 570 > 534; 570 > 559), поэтому при всех принятых уровнях значимости ( $\alpha = \mathbf{0.1}; \mathbf{0.05}; \mathbf{0.01}$ ) есть возможность отвергнуть нулевую гипотезу о том, что обе выборки распределены одинаково.