

Sex/age	AF	Biotype gum	MP,stag e	Green.- Verm.	Silness- Loe	PMA	Russel (III)	Muhlle man	CPITN
1.W (53)	1	thick	l	0,8	0,3	12,00%	0,7(1 st)	0,32	2
2. W(47)	60	thin	m	0,87	0,25	23,00%	3,2(2st)	0,23	2
3. M(58)	0,5	thick	m	1,92	1,24	27,00%	2,7(2 st)	1,3	2
4. W(55)	0,5	thick	m	1,2	0,64	15,00%	2,2(2st)	0,72	2
5. W(54)	0,5	thick	l	1,3	0,73	16,00%	0,74(1s t)	0,54	2
6. M (49)	1	thin	m	1,02	0,95	28,00%	2,37(2s t)	0,8	3
7. M(49)	0.5	thin	m	2,2	1,7	33,00%	3,2(2 st)	1,71	3
8. M(47)	0,5	thick	l	0,85	0,5	11,00%	0,85(1 st)	0,25	2
9. M(55)	0,5	thick	l	1,2	0,73	17,00%	0,35(1 st)	0,63	2
10. W (38)	1	thin	s	1,95	1,75	37,00%	4,625(3 st)	1,83	4
11.W(35)	0,1	thin	l	1,15	0,65	16,00%	1,27(1 st)	0,73	2
12.M(43)	1	thin	s	3	1,83	43,00%	4,35(3s t)	1,33	4
13. M(56)	0.5	thin	s	2,47	2,44	53,00%	4,3(3st)	2,3	4
14. M(55)	0,5	thin	m	0,92	0,65	17,00%	3,47(2s t)	1,05	2
15. M(48)	0,5	thin	s	2,23	1,93	46,00%	4,46(3s t)	1,75	4
16. W(43)	0,1	thin	s	2,57	2,45	63,00%	5,57(3s t)	2,63	4
17. M(39)	0,5	thin	s	1,45	0,95	21,00%	4,4(3st)	0,93	3
18. W(49)	0,5	thick	l	1,24	0,54	14,00%	0,96(1 st)	0,5	2
19. W(40)	0,5	thin	m	1,45	1,5	22,00%	2,22(2s t)	1,65	2
20. M(36)	0,1	thin	m	0,81	0,35	18,00%	2,87(2s t)	0,41	2
21. M(48)	0,5	thick	m	2	0,75	19,00%	1.81(2 st)	0,8	2
22.W(48)	0,5	thin	m	1,25	1,19	30,00%	2.6(2st)	1,5	3
23.W(38)	0,1	thin	m	1,75	0,65	12,00%	2.214(2 st)	0,8	2

24.W (57)	0,1	thick	m	1,17	0,5	16,00%	2,71(2 st)	1	3
25.M(51)	0,5	thick	m	1,5	0,6	21,00%	2,72(2 st)	0,8	2
26. W(46)	0,1	thin	s	1,83	1,1	33,00%	4,5(3 st)	1,2	4
27.M (50)	0,5	thin	s	3	1,88	47,00%	5,33(3 st)	2	4
28. W(56)	0,5	thick	m	1,57	1,23	32,00%	2,61(2 st)	1,5	3
29. W(47)	0,1	thin	m	2,25	1,15	24,00%	1,71(2 st)	1,35	2
30. W(33)	0,5	thin	m	1,47	0,85	25,00%	1,23(2 st)	1	2

Control group

Sex/age	AF	MP, stage	Green.-Verm	Silness-Loe	PMA	Russel (ПН)	Muhlle man	CPITN	RA st.	Gum biotype
1.W(34)	0,5	l	0,75	0,54	17,00%	0,95	0,25	2	1	thin
2. W(66)	0,5	s	2,47	1,78	46,00%	6,61	1,85	4	3	thin
3. M (60)	1079,2	m	1,87	1,15	38,00%	2,23	1,27	2	2	thick
4.W (69)	0,5	m	1,97	1,13	27,00%	2,31	1,05	2	2	thick
5. W(34)	51,6	m	1,83	0,47	21,00%	1,43	0,42	2	2	thick
6. W(42)	129,3	m	1,54	1,34	29,00%	2,14	1,42	2	3	thin
7. W (55)	0,5	m	1,65	1,25	28,00%	2,61	1,27	2	2	thick
8. M(54)	0,5	m	2,03	1,75	43,00%	2,47	1,8	3	2	thin
9. M(77)	0,5	s	2,85	2,51	65,00%	4,92	2,74	4	3	thin
10. W(40)	63,6	m	1,95	1,57	28,00%	1,71	1,43	2	3	thin
11. W(56)	119,4	m	1,85	1,27	32,00%	3,1	1,13	3	3	thick
12. W (37)	5,2	m	0,95	0,57	21,00%	1,57	1,23	2	2	thick
13.M(31)	412,8	m	2,23	1,78	44,00%	1,58	1,7	3	2	thick
14. W(47)	>300	m	1,92	1,37	37,00%	2,64	1,43	3	3	thin
15. W(45)	0,1	m	1,12	0,53	20,00%	1,92	0,23	2	2	thin
16. M(61)	212,9	s	2,73	2,47	69,00%	5,63	2,35	4	3	thin
17.M(45)	<0,5	m	2,25	1,35	32,00%	2,48	1,75	2	2	thin

18.W (62)	0,1	m	2,93	1,75	34,00%	3,1	1,7	3	2	thin
19. W(50)	35,5	m	1,83	1,33	46,00%	2,25	1,5	3	3	thick
20.W(42)	0,1	l	1,66	0,88	17,00%	0,73	0,83	2	1	thick
21.W(55)	350	s	2,33	1,25	48,00%	4,11	1,5	4	3	thin
22.M(35)	29,66	l	1,66	1	26,00%	1,23	1,17	2	1	thin
23.W(51)	>300	m	2,25	1,1	22,00%	2,69	1,1	3	2	thin
24.M(39)	1	l	2,67	1,5	40,00%	1,5	1,67	2	1	thin
25. W(46)	152	m	2,66	1,17	22,00%	2,17	1,65	3	2	thin
26. W(55)	0,1	m	2	1,17	36,00%	2,69	1,17	3	2	thin
27. W(42)	0,1	m	2,25	1,37	32,00%	2,96	1,75	3	3	thin
28. W(52)	240,2	m	2,32	1,5	34,00%	2,78	1,66	3	2	thin
29. M(35)	51,5	m	2,75	2	52,00%	1,8	2,25	3	3	thin
30. W(49)	10,7	m	2,5	1,6	36,00%	2,91	2	3	3	thin
31.W(37)	117,8	m	1,57	1,63	30,00%	1,97	1,57	3	2	thin
32.W(51)	47,9	m	2,12	1,72	32,00%	3,11	1,81	3	2	thin
33.W(55)	129,8	m	2,6	1,25	24,00%	1,86	1,6	3	2	thin
34.W(50)	0,1	m	2,75	1,4	43,00%	2,48	1,6	3	2	thin
35. W(55)	19	m	1,87	1,23	38,00%	3,24	1,17	3	2	thin
36.W(38)	22,2	m	2,75	1,5	34,00%	1,8	1,66	3	2	thin
37. W(47)	35,5	m	1,95	1,75	37,00%	3,47	1,83	3	2	thin
38.W(41)	43,8	m	1,75	0,65	24,00%	2,72	0,8	2	2	thin
39.W(28)	90,7	l	1,45	1,5	22,00%	0,85	1,65	2	2	thick
40. W(39)	32,4	m	1,83	1,15	25,00%	2,21	1,35	3	2	thin
41.W(45)	0,1	m	2,25	1,78	33,00%	2,37	1,7	3	2	thin
42.M(41)	0,1	m	1,57	1,24	24,00%	1,81	1,3	2	2	thick
43.W(39)	0,1	m	2,12	1,75	34,00%	1,95	1,8	2	1	thin
44.W(42)	500	m	2,75	2,57	68,00%	3,42(2 st)	2,65	4	2	thin

Group with RA

Table – Indicators of densitometry according to the stage of CMP

CMP	mandibular notch		between tooth roots 33/34		between tooth roots 43/44		between tooth roots 12/13		lateral jaw sections	
	RA+ CMP	CMP	RA+ CMP	CMP	RA+ CMP	CMP	RA+ CMP	K	RA+ CMP	K
slight	433 ±22	496 ±25	238 ±12	291 ±15	225 ±11	285 ±14	217 ±11	253 ±13	167 ±8	221± 11
moderate	407 ±20	493 ±25	183 ±9	285 ±14	194 ±10	276 ±14	172 ±9	240 ±12	138 ±7	218± 11
advanced	270 ±14	459 ±23	146 ±7	249 ±12	111 ±6	230 ±12	134 ±7	221 ±11	87 ±4	201 ±10

Table – Frequency of microorganisms isolation in periodontal pocket contents in patients with CMP (control group) %

#	Species of microorganisms	Frequency of pathogen isolation								
		slight CMP			moderate CMP			advanced CMP		
		Abs	%	lg CFU / cm ³	Abs	%)	lg CFU / cm ³	Abs	%	lg CFU / cm ³
1.	Streptococcus spp.	10	34,5	6,6	26	89, 7	5,9	3	9,4	5,1
2.	S. epidermidis	2	6,9	2,0	5	6,8	4,7	2	6,3	4,1
3.	Staphylococcus aureus	0	0	0	3	4,1	2,2	0	0	0

4.	Neisseria spp.	4	13,8	5,8	1	1,4	2,8	0	0	0
5.	Actinomyces spp.	3	10,3	3,3	8	10, 8	2,9	3	9,4	3,4
6.	Veilonella spp	3	10,3	3,1	3	4,1	4,0	2	6,3	3,7
7.	Enterobacter spp.	0	0	0	0	0	0	1	3,1	3,0
8.	Corynebacterium spp.	0	0	0	1	1,4	4,3	0	0	0
9.	Lactobacillus spp.	2	6,9	3,7	0	0	0	0	0	0
10.	Enterococcus spp.	0	0	0	1	1,4	7,0	0	0	0
11.	Fusobacterium spp.	1	3,4	2,6	11	14, 9	3,6	7	21, 9	5,0
12.	Peptostreptococcus spp.	1	3,4	3,0	2	2,7	5,5	2	6,3	4,0
13.	A.a.	0	0	0	2	2,7	2,8	3	9,4	5,1
14.	P. intermedia	0	0	0	3	4,1	4,4	2	6,3	2,8
15.	T. forsythia	0	0	0				1	3,1	3,3
16.	P. gingivalis	0	0	0	1	1,4	3,3	4	12, 5	4,0
17.	T. denticola	0	0	0	2	12, 5	3,3	1	3,1	4,7
18.	Candida spp.	3	10,3	4,4	5	6,8	2,7	1	3,1	4,0

Table – Frequency of microorganisms isolation in periodontal pocket

contents in patients with CMP and RA (main group) %

#	Species of microorganisms	Frequency of pathogen isolation								
		slight CMP			moderate CMP			advanced CMP		
		Abs	%	lg CFU / cm ³	Abs	%	lg CFU / cm ³	Abs	%	lg CFU / cm ³
1.	Streptococcus spp.	9	47,3	7,0	54	37,2	7,1	5	38,4	7,4
2.	Staphylococcus spp.	1	5,3	4,0	8	5,5	0	0	0	0
3.	Peptostreptococcus anaerobius	0	0	0	9	6,2	7,7	0	0	0
4.	Enterococcus spp.	1	5,3	8,0	7	4,8	7,0	1	7,7	7,0
5.	Acinetobacter spp.	0	0	0	1	0,7	6,3	0	0	0
6.	Actinomyces spp.	0	0	0	4	2,8	6,2	0	0	0
7.	Corynebacterium spp.	0	0	0	2	1,4	6,0	0	0	0
8.	Haemophilus spp.	0	0	0	1	0,7	8,0	0	0	0
9.	Propionibacterium spp.	0	0	0	1	0,7	2,0	0	0	0
10.	Neisseria spp.	0	0	0	3	2,1	6,6	1	7,7	5,3

11.	Micrococcus spp.	0	0	0	0	0	0	1	7,7	6,0
12.	Enterobacter spp.	0	0	0	5	3,4	6,6	2	15,4	7,6
13.	Klebsiella	0	0	0	1	0,7	7,0	1	7,7	6,0
14.	Fusobacterium spp.	0	0	0	12	8,3	6,2	0	0	0
15.	A.a.	1	5,3	5,0	5	3,4	6,3	0	0	0
16.	P. intermedia	2	10,5	5,0	9	6,2	6,3	0	0	0
17.	P. gingivalis	0	0	0	9	6,2	6,7	0	0	0
18.	Candida spp.	5	26,3	7,1	14	9,7	6,5	2	15,4	5,0