fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
102	3	2		AFM225zg5	D2S162	p25.2		Mfd292	D2S220	p23.1	31.3	22.6	23.50	41	42
102	3			ATA22G02		q11.2		AFM263yh5	D3S1575	q21.1	123.8	16.1	21.57	40	40
102	3			AFM288vb9	D4S1586	q28.3		ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	22.20	35	35
102	3	9		AFM186xc7	D9S259	p21.3		AFM224zh10	D9S175	q21.11	58.8	23.1	36.19	48	48
102 102	3	9		AFM131yg9	D9S290	q34.12		AFMb036xf5	D9S1830	q34.2	143.0 50.2	4.4 8.0	6.22	11 28	11 28
102	3			AFM162xf6 AFM289zh5	D10S203 D10S583	p13 q23.2		AFMa106vf5 AFMa272zd1	D10S1639 D10S1681	-	124.3	18.0	15.95 34.80	56	56
102	3			AFMa357wa5				GATA72A01	D10S1081		124.3	23.0	20.98	35	35
102	3			UT6073		q23.3		ATA32H12	D13S886	q31.3	68.1	4.1	7.42	14	14
102	3	20		AFM102xa7	D20S104			AFMc013yh9	D20S899	q13.12	48.1	20.8	42.07	69	69
102			0,	11111110211117	220210.	P111.22	2.,	11111100125115	22000))	415.112	.0.1	20.0	.2.07	07	0,
102	4	2	624	AFM275yf5	D2S336	q37.3	642	AFM312ye1	D2S2338	q37.3	257.3	23.6	11.31	19	19
102	4	3		3PTEL01	D3S4557	p26.3		AFMb296zf5	D3S3630	p26.3	5.4	10.7	7.24	9	9
102	4	3	243	ATA22G02	D3S2419	q11.2	323	AFMb025we5	D3S3607	q21.3	129.9	28.2	39.42	70	70
102	4	4	0	4PTEL04	D4S3360	p16.3	10	AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	5.79	9	9
102	4			AFM288vb9	D4S1586	q28.3		ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	22.20	35	35
102	4	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	74	ATA27F01	D21S1440	q22.3	28.1	17.4	21.75	37	37
102	5	2		UT7580		p25.2		•	D2S2150	p23.2	29.2	22.6	22.59	34	34
102	5			UT1337	D4S1522	q26		AFM210xe3	D4S2959	q28.1	127.6	8.9	7.30	12	12
102	5			AFM304wb9	D4S1604	q28.3		AFMa071wg5		q28.3	154.2	16.5	16.01	31	31
102	5	7 11		GATA13G11 UT545	D7S817	p15.3		AFM248ve5	D7S528	p15.2	54.0 120.8	7.5	4.92	9 39	9 39
102 102	5			Mfd84	D11S965 D12S43	q23.1 q21.2		AFMb286xf9 AFMb321wc5	D11S4150		86.7	24.4 12.4	10.95	17	17
102	5			AFM296tb1		q24.2		AFMa134xb5			120.8	23.6	13.37	18	18
102	5	18		UT652	D18S384	q12.3		AFM248yb9	D10S3023	q24.3	77.5	38.0	38.06	61	61
102	5	20		GATA142C02				AFMc013yh9		q13.12	48.6	19.8	29.41	50	50
102	5	22		ATA2G02	Unknown	q11.23		AFMb320ve9	D22S1167	-	12.4	24.7	10.63	16	16
102			Ŭ		C Intil o Wil	411120		111110020109	D2201107	415.1	12	2	10.00	10	10
102	6	2	624	AFM275yf5	D2S336	q37.3	642	AFM312ye1	D2S2338	q37.3	257.3	23.6	11.31	19	19
102	6	4		4PTEL04	D4S3360	p16.3		AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	6.25	10	10
102	6	4	325	AFM304wb9	D4S1604	q28.3	389	AFM295xd5	D4S1596	q31.1	157.2	22.5	30.66	55	55
102	6	9		AFM115yb4	D9S162	p22.2	93	AFMa044ta5	D9S1874	p11.1	47.9	27.0	27.29	37	37
102	6	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12		AFMc016xh9	D9S1863	q34.13	142.5	3.3	5.17	9	9
102	6	12	196	Mfd84	D12S43	q21.2	229	AFM337zh1	D12S1699	q21.33	87.5	14.0	18.53	29	29
102	7			AFM288vb9		q28.3		Mfd223		q31.1	157.0	19.8	23.18	37	37
102	7	16		ATA67B07	Unknown	p13.3		AFMb348wc9			10.4	8.7	17.43	27	27
102	7			AFM102we7	D16S517	q13		AFMa134xb5			95.5	74.1	76.69	118	118
102	/	20	07	AFM102xa7	D20S104	p11.22	14/	AFMc013yh9	D203899	q13.12	48.1	20.8	41.54	67	67
102	8	2	27	GAAT1A5	D2S423	p25.1	67	Mfd292	D2S220	p23.1	32.4	20.6	19.40	34	35
102	8	3		3PTEL25		p25.1 p26.3		AFMb296zf5	D3S3630	p25.1	6.0				8
102	8			AFM218xh8	D4S421	q22.1		GATA62A12	D4S2623	q25	110.5	7.2	8.12	14	14
102	8			AFM288vb9		q28.3		ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9				34
102	8			Mfd284	D6S361	q16.1		AFM119yb6	D6S1717	q21	104.7	5.1	9.89		19
102	8			UT923	D10S1143				D10S1681			22.0	38.16		62
102	8			Mfd84	D12S43	q21.2		AFM337zh1	D12S1699		87.5	14.0	18.53	29	29
102	8		106	AFM263yd1		q14.3		ATA32H12	D13S886	q31.3	59.2		29.00		68
102	8	15		UT477		q21.1				q21.2	46.3	12.1	30.86		41
102	8			ATA23G05		q21.2		AFM248yb9	D18S68	q22.1	88.4	16.1	10.36		16
102	8	20		AFM102xa7						q13.12	45.9				54
102	8	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	109	GATA70B08	D21S1446	q22.3	38.6	38.4	37.63	60	60
100	-	_	1.7	LIEZZOO	D001077	25.2		N 4 C 10 O C	Dagaaa	22.1	20.0	240	25.02	4.1	4.~
102	9	2		UT7580		p25.2		Mfd292	D2S220	p23.1	30.3	24.8	25.92	44	45
102	9			ATA22G02		q11.2		AFM182yc5	D3S1549	q22.1	133.6		57.35		95
102 102	9			GATA68C08		q13.3		GATA62A12	D4S2623	q25	103.8				48 34
102	9	4	334	AFM288vb9	D4S1586	q28.3	3//	ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	21.56	34	54

fam	ind			marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
102	9	6	255	Mfd284	D6S361	q16.1		Mfd97	D6S249	q16.3	103.4	2.5	9.48	18	18
102	9	9		AFM164xg7	D9S169	p21.3		AFM224zh10		q21.11	59.8	21.1	35.45	46	46
102	9	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12	297	AFMb001ve9	D9S1818	q34.3	145.9	10.1	11.53	17	17
102	9	10	285	UT923	D10S1143	q23.1	356	AFMa272zd1	D10S1681	q24.33	122.3	22.0	38.16	62	62
102	9	11	326	UT545	D11S965	q23.1	382	GATA72A01	D11S2367	q25	123.6	30.0	29.78	48	48
102	9	12	85	AFM163xb12	D12S1606	p12.3	167	AFM184yf2		q14.2	58.7	31.8	41.26	71	71
102	9	16	238	GATA86C08	Unknown	q24.3	258	AFM342xd9	D16S3121	q24.3	126.6	12.0	11.79	16	16
102	9	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	12.91	19	19
102	10	4		4PTEL04		p16.3	10	AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	6.25	10	10
102	10				D4S1604	q28.3		AFMa051wa9		q31.23	161.7	31.4	44.21	76	76
102	10	9	45	AFM115yb4	D9S162	p22.2	83	AFMb324xg1	D9S1845	p13.3	46.6	24.4	21.69	32	32
102	10	10	285	UT923	D10S1143	q23.1	356	AFMa272zd1	D10S1681	q24.33	122.3	22.0	37.54	61	61
102	10			UT545	D11S965	q23.1	351	AFMa225zf9	D11S4107	q23.3	113.8	10.5	13.86	21	21
102	10			AFM263yd1		q14.3	181	AFM218yf10		q31.1	58.5	20.5	26.27	61	64
102	10			AFMa132we9	D16S517	q13	218		D16S3049		77.8	38.6	52.29	85	85
102	10	17	149	UT8	D17S760	q12	262	AFMb021yf9	D17S1831	q24.3	79.8	35.6	52.73	87	87
102	10	20	95	Mfd134A	D20S65	p11.1	147	AFMc013yh9	D20S899	q13.12	53.7	9.6	26.81	45	45
102	11	3		3PTEL01		p26.3	9	AFMb296zf5	D3S3630	p26.3	5.4	10.7	6.39	7	7
102	11	4	351	AFM225zb2		q28.3	374	AFM036xg11	D4S393	q28.3	160.0	3.9	13.14	21	21
102	11	10		UT923	D10S1143	q23.1	314	AFM350wa5	D10S603	q23.33	117.5	12.4	13.44	23	23
102	11	12			D12S1606			GGAT2G06	D12S398	q13.12	55.5	25.4	36.04	57	57
102	11				D12S1722			AFM337zh1	D12S1699		88.3	12.4	14.93	24	24
102	11	16		16PTEL03	D16S3399			AFMb348wc9			7.4	14.8	18.75	28	28
102	11			UT5608	D17S1160			AFMb008yg1			88.2	15.6	21.64	40	40
102	11	21		AFM344wf5	D21S1914				D21S1446		38.6	38.4	36.91	60	60
102	11	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	13.61	20	20
102	12					q21.3		AFM182yc5		q22.1	147.7	7.6	17.37	25	25
102	12					q28.3			D4S3030	q31.23	161.7	31.4	44.21	76	76
102	12			UT545		q23.1		GATA72A01	D11S2367	_	123.6	30.0	30.15	49	49
102	12			AFM122xf6	D12S85	q12		AFM184yf2		q14.2	68.0	13.2	20.44	38	38
102	12	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	12.66	19	19
102	13	3	2	UT1360	D3S1539	p26.3	Q	AFMb296zf5	D3S3630	p26.3	8.1	5.2	6.39	7	7
102	13	4		4PTEL04	D4S3360	p16.3		AFM163yc1	D4S2925	p16.2	4.1	8.2	5.79	9	9
102	13		181			q12		AFM218xh8	D4S421	q22.1	93.3	27.2	38.93	57	57
102	13			AFM288vb9		q28.3		ATA27E06	D4S2398	q28.3	155.9	17.8	22.20	35	35
102	13				D9S290	q34.12			D9S1818	q34.3	145.9	10.1	10.84	16	16
102	_			UT2347		•			D13S886	•	66.5		11.99	26	27
102		16		ATA67B07		p13.3		AFMb348wc9		•	10.4		17.43	27	27
102				UT532		q24.3		AFMa134xb5			121.9		13.55	18	18
102		18		MS156		q12.3			D18S64	q21.2	71.6		47.54	77	77
102	13	20		AFM102xa7				AFMc013yh9		q13.12	48.1		43.28	70	70
102	13	22		ATA2G02		q11.23		AFM343ye9		q12.3	11.0			19	19
	-		-			*		- ,		4					
102	14					q37.3	642			q37.3	257.3	23.6	11.31	19	19
	14					q21.3	353			q22.1	146.6	9.7	17.82	26	26
102	14	4	351	AFM225zb2	D4S1556	q28.3	413	AFMa051wa9	D4S3030	q31.23	167.7	19.3	34.96	55	55
102	14	12		AFM163xb12	D12S1606	p12.3				q14.2	58.7	31.8	41.36	71	71
102	14					q14.3		AFMc021xg5			57.2	17.8	22.21	53	56
102	14	16	24	AFMa301wg9	D16S3058	p13.3	33	AFMb348wc9	D16S3108	p13.3	14.0	1.7	6.94	10	10
102	14	22	0	ATA2G02	Unknown	q11.23	26	AFMb320ve9	D22S1167	q13.1	12.4	24.7	14.13	21	21
102		2		UT7580		p25.2		Mfd292	D2S220	p23.1	30.3	24.8	25.92	44	45
102						q37.3		AFM312ye1		q37.3	257.3			19	19
102	15			AFM094vc5		q21.1		AFM182yc5	D3S1549	q22.1	140.3	22.4	40.07	63	63
102	15	4	181	GC	Unknown	q12	256	AFM248zg9	D4S1564	q25	96.2	32.9	46.14	69	69

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
102	15	4	280	UT1337	D4S1522	q26	306	GATA51D07	D4S2420	q28.1	127.6	9.0	11.18	18	18
102	15	4	368	AFMa054td5	D4S3033	q28.3	413	AFMa051wa9	D4S3030	q31.23	169.2	16.3	23.94	40	40
102	15	6	253	GATA74B03	D6S1274	q16.3	272	Mfd97	D6S249	q16.3	103.1	3.2	10.27	19	19
102	15	9	278	AFMa131yg9	D9S290	q34.12	297	AFMb001ve9	D9S1818	q34.3	145.9	10.1	11.53	17	17
102	15			Mfd155A		•		AFM337zh1	D12S1699	q21.33	92.0	5.1	4.93	8	8
102	15				D13S1277			ATA32H12	D13S886	q31.3	67.0	6.2	10.51	24	25
102	15	15		AFMc029xc1					D15S198	q21.2	48.4	5.6	21.62	32	32
102	15			ATA55A11	D16S3396				D16S3139		76.0	24.4	37.55	60	60
						1				1					
102	16	4	280	UT1337	D4S1522	q26	306	GATA51D07	D4S2420	q28.1	127.6	9.0	10.38	17	17
102	16			AFMa052vd9				ATA32H12	D13S886	q31.3	65.0	10.3	14.19	29	30
102	16			AFMa132xg9		q23.1		AFMa134xb5			113.8	37.5	26.94	37	37
102	16	20		AFM102xa7		p11.22		AFMc013yh9		q13.12	48.1	20.8	42.07	69	69
102	10		0,	111111102.1417	D20010.	P11.22		11111101101119	D2000))	410.12	1011	20.0	.2.07	07	0,
884	1	4	342	AFMa045wg9	D4S3021	q28.3	391	AFM295ye5	D4S1597	q31.1	162.0	14.8	26.58	49	50
884	1					p21.1		AFMb283we9		p11.1	70.5	14.5	21.74	36	36
884	1					q16.1		AFM183yh4		q22.1	105.6	13.2	27.85	49	49
884	1			AFMb292yb5				Mfd327	D7S800	q32.3	134.2	12.8	20.18	38	38
884	1	11			D11S1794			AFMb036yh5		_	20.7	1.6	5.46	15	16
884	1					q24.21		Mfd353		q24.33	135.5	23.4	17.08	36	38
884	1			AFMb005wh1						q13.43	100.1	9.8	5.37	11	11
884	1	21		AFMb024yh5				AFMb298xd5			46.7	15.0	12.78	20	20
004	1	21	00	AFM0024yn3	D2131891	q22.3	108	AFM0298XU3	D2131897	q22.3	40.7	13.0	12.78	20	20
001	2	2	472	A EM242****	D201571	~20	100	A EM240v o 5	D201617	~20	106.2	4.0	5 52	0	0
884	2					q28		AFM349xc5	D3S1617	q28	196.2	4.9	5.53	9	9
884	2			GATA144E02		p11		Mfd74A	D4S189	q12	67.0	11.1	12.26	21	21
884	2					q11.2		AFM116xe1	D5S401	q14.1	82.9	29.8	46.21	77	77
884	2			AFM115xh10		q11.1		AFM162xc3	D6S278	q22.1	98.6	35.3	48.12	109	113
884	2					q22.3		UT1208	D8S385	q23.3	114.2	8.0	12.35	28	30
884	2			AFMa239xc5		q33.1		UT1231	D9S250	q33.3	128.9	6.5	9.53	18	18
884	2			249vf9				AFMb352yf5		_	74.9	11.3	21.82	43	43
884	2			AFM193xh10		q21			D16S3107	•	81.6	8.8	17.23	26	26
884	2					q21.1		GATA51E05	Unknown	q22.3	89.1	40.3	49.79	84	84
884	2	22	64	AFMb001vh5	D22S1156	q13.2	84	AFMa102wg1	D22S1179	q13.2	46.3	3.9	15.81	21	21
884	3			ATA29C07		q42.2		UT5170	D1S517	q43	255.1	15.7	7.58	14	14
884	3			UT5657		q25			D4S2975	q27	121.9	9.7	11.81	23	23
884	3	6			D6S410	p25.2			D6S1688	p22.2	24.8	18.8	12.07	30	31
884	3		189	AFMb291zb5		q11.1	212	AFM168xh10	D6S280	q12	84.1	6.3	9.30	22	23
884	3				D7S2453	q31.1	389	GATA104	Unknown	q35	135.5	39.1	49.61	92	93
884	3	8	75	UT800	D8S375	p12	113	AFM023xc1	D8S255	p11.21	62.5	4.3	18.70	38	38
884	3							AFMa222zc5			125.7		11.37	15	15
884	3				D13S176			AFMa061xc1			50.7		17.12	29	29
884	3	19	199	KLK	Unknown	q13.33	212	AFMc002yg9	D19S927	q13.41	84.8	9.9	7.32	14	14
884	4			AFMa203ye9		p32.2			D1S2770	p31.1	83.3	10.2	15.06	23	23
884	4	4	396			q31.1	420	AFM214xh10		q32.1	177.8		11.43	22	22
884	4	7	296	AFM199vb2	D7S501	q31.1	376	AFM168xc3	D7S495	q34	131.8		41.55	76	77
884	4	10	317	AFMa132yd9	D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	4	19		AFMb355yd1		p11		RYR		q13.2	55.8	14.6		64	65
884	5	3	17	AFMa303yb1	D3S3591	p26.2	30	AFM036yb8	D3S1259	p25.3	30.8	11.8	7.01	14	14
884	5			AFMb047xc1		p12.3		AFM023xg1	D3S1559	q11.2	108.7	14.2	21.18	43	44
884	5					q31.1				q32.1	126.7	15.7	33.25	58	58
884	5			UT2523						q13.41	83.9	11.7	6.75	18	19
884	5	22		AFMa102wg1					D22S1169	_	54.4	12.4	8.39	16	16
		_				1				1			,		
884	6	1	626	GATA44E05	D1S1656	q42.2	646	UT418	D1S1149	q43	254.0	17.9	11.21	19	19
884	6	3			D3S3591	p26.2		AFM036yb8	D3S1259	p25.3	30.8	11.8	6.64	13	13
884	6			GATA10A12		q28.1				q28.3	136.1		10.41	21	21
004	U	+	270	GATATUATZ	レーロムコリコ	420.1	J11	1 11 1V1047 (Ad)	シーロムグロジ	420.5	150.1	14.3	10.41	41	41

fam						band1		marker2		band2				nhomo	
884	6	6		AFM265zh9	D6S309	p25.2		AFM349xh5	D6S470	p25.1	16.1	4.2	5.02	9	9
884	6	6			D6S1711	q11.1		AFMa336zf9		q12	84.1	6.3	9.90		24
884	6	9		UT792		p11.2		AFM144ye9	D9S1674	q21.33	70.2	13.0	9.58	28	30
884	6	19	77	AFMb355yd1	D19S925	p11	142	RYR	Unknown	q13.2	55.8	14.6	32.20	63	64
884	6	19	199	KLK	Unknown	q13.33	212	AFMc002yg9	D19S927	q13.41	84.8	9.9	6.92	13	13
884	6	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	42	AFM147xb12	D21S260	q22.11	21.0	3.2	6.99	11	11
884	7	1	67	AFM113xc7	D1S458	p35.2	89	AFM240za9	D1S449	p35.1	54.7	4.0	12.03	21	21
884	7	1	173	AFMa203ye9	D1S2661	p32.2	187	AFMa052wc5	D1S2869	p31.2	82.5	8.5	8.84	14	14
884	7	1	626	GATA44E05	D1S1656	q42.2	646	UT418	D1S1149	q43	254.0	17.9	10.38	17	17
884	7	3	200	AFMb326xb5	D3S3653	p11.1	241	AFM023xg1	D3S1559	q11.2	111.5	8.6	18.65	38	39
884	7	5	445	AFM265vg5	D5S504	q35.2	459	AFM242xb10	D5S429	q35.3	177.2	3.8	6.17	15	15
884	7			AFM168xc3	D7S495	q34	388	GATA150C06	Unknown	q35	149.9	10.4	7.12	13	13
884	7				D10S1786	g22.3		AFMb362yg5		q23.1	106.7	6.6	17.25	25	25
884	7	19	193	Mfd232	D19S246	q13.33	212	AFMc002yg9	D19S927	q13.41	83.9	11.7	9.92	16	16
884	7	21		AFM344wf5	D21S1914				D21S1920		25.7	12.6	24.31	36	36
						-		,							
884	8	1	67	AFM113xc7	D1S458	p35.2	121	AFMb013we1	D1S2723	p34.1	59.1	12.8	29.92	52	52
884	8			AFMa203ye9		p32.2			D1S2770	p31.1	83.3	10.2	15.06		23
884	8			GATA65A05		q42.2		UT418	D1S1149	q43	254.0		11.21	19	19
884	8	3			D3S3591	p26.2		AFM036yb8	D3S1259	p25.3	30.8	11.8	7.01	14	14
884	8			AFMb047xc1		p12.3		AFM023xg1	D3S1559	q11.2	108.7	14.2	19.93	41	42
884	8				D4S1645	q12		U		q13.1	79.8	14.5	16.78	33	34
884	8			GATA10A12		q28.1		AFMb297xa5		q28.3	136.1	12.3	9.87	21	21
884	8				D4S1617	q31.1		AFM214xh10		q32.1	177.8	8.3	12.40	23	23
884	8	6			D6S410	p25.2		AFMa050zc1	D6S1688	p22.2	24.8	18.8			31
884	8			AFM115xh10		q11.1			D6S1596	q12	84.1	6.3	9.30	21	22
884	8	7		GATA13G11		p15.3		AFM077xc1	D7S2524	p15.2	55.1		12.56	20	20
884	8			AFM199vb2	D7S501	q31.1		GATA150C06		q35	137.0	36.2	46.18	86	87
884	8	8		UT800	D8S375	p12		AFM023xc1	D8S255	p11.21	62.5	4.3	18.28	36	36
884	8			AFMa132yd9		1			D10S1671	•	125.7	2.8	11.37	15	15
884	8			AFMa297wa9				UT5088	D10S1071	•	77.0		5.70		9
884	8	22		AFMa102wg1		-		UT580		q13.31	55.3	14.1	8.76		17
004	0	22	04	Al Maiozwgi	D2231179	q13.2	100	01360	D223320	q13.31	33.3	14.1	0.70	17	17
884	9	1	82	AFMb350zb1	D192787	p35.1	121	AFMb013we1	D1\$2723	p34.1	61.0	9.0	22.47	40	40
884	9	3		AFMb047xc1		p12.3			D3S1559	q11.2	108.7	14.2	22.47		46
884	9	6			D6S309	p25.2		U	D6S470	p25.1	16.1	4.2	5.02	9	9
884	9	7		AFMa230yc5		p15.3		AFM248ve5	D7S528	p15.2	54.0		5.37	11	11
884	9	7		AFM199vb2	D7S2232	q31.1		AFM310yf9	D7S681	q32.3	128.7	19.5	39.90	71	71
884	9			AFMa070xe9				AFMb362yg5			106.7	6.6	17.86		27
884	-			AFMb355yd1		p11				q23.1 q13.11	52.1		13.44		34
884	9			D19S206	D19S923			AFM186ye7	D19873	q13.11	89.8		6.03		11
004	9	17	203	D170200	D173200	415.55	213	ATMT00ye/	D120000	415.43	07.8	9.3	0.03	11	11
884	10	1	270	UT5657	D4S2297	a25	207	ATA80C09	Unknown	a29 1	123.5	12.9	14.25	27	27
884				AFMb291zb5		q25		AFM168xh10		q28.1	84.1	6.3	9.65		24
	10				D6S1628 D7S631	q11.1		AFM168Xn10		q12	144.8				17
884					D/S631 D10S1786	q32.3		AFMb017xc5 AFMb362yg5		q35					27
						-					106.7	6.6	17.86		
884	10			AFM190xa1	D13S162	q22.1		AFM095wh3	D13S157	q31.1	61.5	5.9	8.87	13	13
884	10	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	09	AFMa086yf9	D21S1920	<b>4</b> 22.2	25.7	12.6	24.56	35	35
004	11	1	<b>67</b>	AFN4112 7	D10450	25.0	101	A EN #1 012 1	D100702	24.1	50.1	12.0	22.40		
884		1		AFM:2020	D1S458	p35.2		AFMb013we1		p34.1	59.1	12.8	32.48		55
884					D1S2661	p32.2		AFM256yh5	D1S2770	p31.1	83.3	10.2	15.06		23
	11			ATA29C07	D1S3462	q42.2		UT418	D1S1149	q43	255.1	15.7	8.32	15	15
884				AFM345wh9	D4S1617	q31.1		AFM214xh10		q32.1	177.8				24
884	11	6			D6S410	p25.2		AFMa050zc1		p22.2	24.8				32
884					D6S414	q11.1		AFM168xh10		q12	83.9		9.92	24	25
884				UT526	D6S384	q22.2		GATA161A04		q22.31	123.0		10.87	18	18
	11	7		AFM311zc5	D7S683	p15.2		AFM350va9	D7S691	p12.3	58.2	11.0			29
884	11	7	296	AFM199vb2	D7S501	q31.1	389	GATA104	Unknown	q35	137.0	36.2	48.03	89	90

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
884	11	10	317	AFMa132yd9	D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	12	3	194	AFMb047xc1	D3S3614	p12.3	217	GATA121E06	Unknown	p11.1	106.2	9.3	11.29	22	22
884	12	4	395	UT513	D4S1502	q31.1	420	AFM214xh10	D4S2967	q32.1	176.7	10.4	11.96	22	22
884	12	6	189	AFMb291zb5	D6S1628	q11.1	212	AFM168xh10	D6S280	q12	84.1	6.3	11.77	22	22
884	12	9	5	AFM345ta9	D9S1871	p24.3	22	GATA175H06	Unknown	p24.1	13.2	9.7	9.04	17	17
884	12	11	195	AFMa297wa9	D11S4119	q14.1	203	AFMa115xf1	D11S4081	q14.2	77.0	1.7	5.00	7	7
884	12	19	194	UT2523	D19S550	q13.33	215	AFM186ye7	D19S880	q13.43	86.3	16.5	7.07	17	18
884	12	21	29	AFM344wf5	D21S1914	q22.11	69	AFMa086yf9	D21S1920	q22.2	25.7	12.6	23.79	32	32
884	13			GATA11F12		q12		AFM211yf6	D4S2963	q13.1	79.8	14.5	15.89	32	33
884	13	4	295	AFMa284wg5	D4S2938	q28.1	311	AFM273yg9	D4S1576	q28.2	132.5	6.2	5.85	14	14
884	13	4	395	UT513	D4S1502	q31.1	420	AFM214xh10	D4S2967	q32.1	176.7	10.4	12.54	24	24
884	13	6		AFM265zh9	D6S309	p25.2	25	AFM349xh5	D6S470	p25.1	16.1	4.2	5.02	9	9
884	13				D6S1628	q11.1			D6S280	q12	84.1	6.3	11.96	22	22
884	13	7	321	GATA44F09	D7S2847	q31.31	389	GATA104	Unknown	q35	140.1	30.0	36.61	64	64
884	13	19	194	UT2523	D19S550	q13.33	215	AFM186ye7	D19S880	q13.43	86.3	16.5	5.87	18	19
884	13	20	44	AFMa086we9	D20S917	p12.3	82	AFMa337zh9	D20S860	p11.21	32.6	15.9	22.83	37	37
884	13	22	84	AFMa102wg1	D22S1179	q13.2	100	UT580	D22S526	q13.31	55.3	14.1	6.59	15	15
884	14	1	97	AFMa244yd5	D1S2676	p34.3	121	AFMb013we1	D1S2723	p34.1	63.6	3.8	14.48	25	25
884	14	1	180	AFMa050zc5	D1S2867	p31.2	195	AFM256yh5	D1S2770	p31.1	87.0	2.7	11.39	16	16
884	14			AFMb047xc1	D3S3614	p12.3	241	AFM023xg1	D3S1559	q11.2	108.7	14.2	21.49	44	45
884	14	4	159	GATA70D04	Unknown	q12	195	AFM211yf6	D4S2963	q13.1	80.9	12.4	17.76	34	35
884	14			UT5657	D4S2297	q25	297	ATA80C09	Unknown	q28.1	123.5	12.9	13.19	26	26
884	14	4	301	AFM256za9	D4S429	q28.1	317	AFMb297xa5	D4S2965	q28.3	136.6	11.2	7.55	16	16
884	14	5	445	AFM265vg5	D5S504	q35.2	459	AFM242xb10	D5S429	q35.3	177.2	3.8	5.75	14	14
884	14	6	190	AFM115xh10	D6S1711	q11.1	213	AFMa336zf9	D6S1596	q12	84.1	6.3	9.90	23	24
884	14	7	92	AFM311zc5	D7S683	p15.2	121	UT7583	D7S1526	p12.3	59.1	12.9	13.22	28	29
884	14	8	75	UT800	D8S375	p12	113	AFM023xc1	D8S255	p11.21	62.5	4.3	18.50	37	37
884	14	10	258	AFMa070xe9	D10S1786	q22.3	284	AFMb362yg5	D10S1739	q23.1	106.7	6.6	17.86	27	27
884	14	10			D10S1266	q23.33	331	AFMa222zc5	D10S1671	q24.1	125.7	2.8	11.37	15	15
884	14	20	44	AFMa086we9	D20S917	p12.3	82	AFMa337zh9	D20S860	p11.21	32.6	15.9	22.83	37	37
884	15	5				p15.2			D5S1986	p13.3	36.7	16.0	18.40	33	33
884	15	11		AFMa134wh5				AFM218xe1	D11S1318	p15.5	2.4	4.8	5.41	6	6
884	15	18	0	AFM178xc3	D18S59	p11.32		ATA45G06	Unknown	p11.32	3.5	6.9	5.01	10	10
884	15	18	63	AFMb301ze5	D18S1124	q12.3	108	AFM070yd11	D18S455	q21.1	65.0	7.7	21.89	44	45
884	16	5	7	GATA145D10	D5S2849	p15.32	17	UT1993	D5S1390	p15.2	11.0	6.5	5.18	11	11
884	17			AFM063xg9	D1S196	q24.2			D1S2790	q24.3	186.2	9.5			17
884	17			AFM164ye7		_			D3S2415	q25.32	174.1	1.6		8	8
884	17			UT2081	D6S400	p21.1			D6S1710	q11.1	71.9	17.2		45	45
884	17			AFM114xe7		q12.1		AFM281wb1	D8S1795	q21.13	83.5	8.2	6.31	20	21
884	17			AFM331yh5		q21.11		GATA171A04		q22.1	76.1	11.6	10.92	20	20
884	17					q22.31		AFM347zf5	D9S287	q22.32	99.5	7.8		20	20
884	17	11	37	AFM283wg1	D11S1334	p15.3	59	AFMb326xf9	D11S4160	p15.2	20.7	1.6	12.86	23	23
884	18	3				p26.3			D3S1259	p25.3	22.0	29.3		25	25
884	18	5			D5S406	p15.31			D5S813	p14.3	24.6	25.5		49	51
884	18			AFMa290we5		q31.1		Mfd43	D5S207	q31.3	142.7	9.5		30	30
884	18	6		ATA6B05		p24.3			D6S1688	p22.2	28.7	11.0			29
884	18	10		10PTEL45	D10S2488			UT7760	D10S1172		11.1	22.3	13.93	32	33
884	18			AFMa297wa9				UT5088	D11S1909		77.0	1.7	6.10	10	10
884	18			AFMb019wb9					D12S1700		74.0	3.6	9.93	21	21
884	18			GATA30F02	Unknown				D13S1277	_	61.5	4.8	5.49	10	10
884	18	16	221	AFM350vd1	D16S516	q24.1	232	AFM296tb1	D16S505	q24.2	104.7	8.6	7.22	12	12

fam	ind	chr	n1	marker1	dnum1	band1	n2	marker2	dnum2	band2	midpt	length	lod	nhomo	ntyped
1331	1	17	172	AFM234td2	D17S806	q21.1	181	AFMb010xa5	D17S1827	q21.1	66.9	0.0	5.15	10	10
1331	8	19	34	UT1740	D19S403	p13.2	42	GATA134B01	Unknown	p13.2	34.6	3.3	5.31	8	8
1001	10	_		1 TO 51 04 5 15	D (01 (00	24.4	450	177.5005 11	D :000.7				4 - 54	25	25
1331	12	6	146	AFMb316yd5	D6S1638	p21.1	173	AFM206xc11	D6S295	p11.1	75.4	5.8	16.51	27	27
1331	14	19	10	ATA37G08	Unknown	p13.13	57	Mfd236	D19S244	p13.13	42.3	0.0	5.66	8	8
1331	17	1)	7/	717137000	Clikilowii	p13.13	31	WHU250	D175244	p13.13	72.3	0.0	3.00	0	0
1332	16	15	199	UT6886	D15S536	q26.3	207	AFMa140ye5	D15S966	q26.3	110.1	4.9	5.01	9	9
						•				•					
1347	1	18	150	AFM178xe3	D18S60	q22.1	161	GATA198A02	Unknown	q22.1	95.3	7.4	5.58	9	9
1347	11	1	385	UT864	D1S1156	q11	396	AFMa351wd1	D1S2714	q12	158.5	5.2	5.28	7	7
1347	13	2	118	AFMa298yg5	D2S2220	p16.3	123	AFM211zd10	D2S2272	p16.3	60.2	1.6	4.70	6	6
1347	13		110	Arwaz 76yg 5	DZSZZZO	p10.5	123	Arwizitzuto	D232212	p10.3	00.2	1.0	4.70	U	U
1362	4	11	278	AFMa226zh1	D11S4108	g22.3	286	AFMa126yf1	D11S1782	g22.3	99.0	0.0	5.27	9	9
						1		· · · ·		-					
1362	5	6	282	GATA164H01	Unknown	q21	288	AFM190yf10	D6S283	q21	109.2	0.0	4.86	7	7
1362	6	6	282	GATA164H01	Unknown	q21	288	AFM190yf10	D6S283	q21	109.2	0.0	4.86	7	7
1362	8	11	270	AFMa226zh1	D1104100	~22.2	206	AFMa126vf1	D11S1782	~22.2	99.0	0.0	5.27	9	9
1302	0	11	218	AFMa220ZIII	D1154108	q22.3	280	AFMa126y11	D1131782	q22.3	99.0	0.0	3.21	9	9
1362	10	6	282	GATA164H01	Unknown	q21	288	AFM190yf10	D6S283	q21	109.2	0.0	4.86	7	7
1362	10				D11S4108				D11S1782		99.0	0.0	4.75	8	8
						•				-					
1362	14	3	84	AFM220xg3	D3S1561	p22.1	91	AFMa190yf5	D3S3572	p21.32	62.3	1.6	5.28	8	8
1413	1	16	54	AFM088xc1	D16S3122	p13.3	63	AFMa305xb1	D16S3062	p13.2	23.9	6.3	5.38	9	9
1416	1	10	205	UT7742	D10S1173	a22 21	210	AFMb055zb9	D10S1710	a22 22	120.8	6.9	5.09	11	11
1410	1	10	303	017742	D1031173	q23.31	317	AIWIUUSSZUS	D1031710	q23.33	120.6	0.9	3.09	11	11
1416	2	4	192	AFMc017zf1	D4S3003	q13.1	201	AFMa240zb9	D4S2932	q13.2	88.7	3.2	4.77	10	10
						1				1					
1416	3	5	331	AFMa102wc5	D5S2115	q31.1	346	AFM196xc7	D5S479	q31.1	140.0	2.6	5.57	9	9
1416	5	5	331	AFMa102wc5	D5S2115	q31.1	346	AFM196xc7	D5S479	q31.1	140.0	2.6	5.57	9	9
1416	1.4	1	251	A EN 42 61 , 10	D10502	12.2	400	AFN 1244 C	D100044	24.2	160.0	20.5	21.74	~ ~	<i></i>
1416 1416					D1S502 D3S2335	p13.3		AFM344va9 AFMa176wc1	D1S2844	q24.2	160.8 53.8	28.5	31.74 4.73	55 8	55 8
1416	14	3		GATA186B06		p24.3 q24.3		GATA81B01	D6S1277	p23 q26	163.7	19.2	16.94	26	26
1416		18			D18S36	q24.3 q12.3			D18S1152		69.4		45.68	71	71