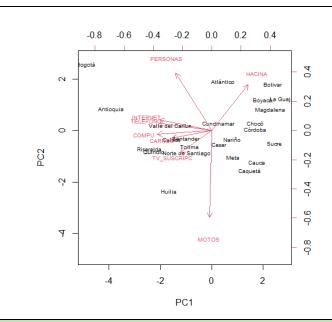
MÉTODOS ESTADÍSTICOS

```
Nombre(s): Equipo 4:
     Diana Zepeda Martínez
      José Juan García Romero
Nº 24
           Realizar los ejercicios en Rstudio aplicando la teoría de PCA
          Incluir la descripción de nuevas funciones y una interpretación general.
a) Preparación de la base de datos
  datos <- Base de datos de colombia tv internet[2:9]
  row.names(datos)<-Base de datos de colombia tv internet$DEPTO
 Actividad 24.R* × Base_de_datos_de_colombia_tv_internet ×
 Run 2 1 Source -
     library(psych)
library(readxl)
     datos <- Base_de_datos_de_colombia_tv_internet[2:9]
row.names(datos)<-Base_de_datos_de_colombia_tv_internet$DEPTO
datos</pre>
  Console Terminal ×
                    Jobs
  > # Diana Zepada Martinez
 > # ACTIVIDAD 24 EQUIPO 4
 > # a) Preparación de la base de datos
 > library(psych)
 > library(readxl)
   Base_de_datos_de_colombia_tv_internet <- read_excel("C:/Users/josej/Do
 cuments/Universidad/Métodos Estadisticos/R/Base_de_datos_de_colombia_tv_
 internet.xlsx
 > View(Base_de_datos_de_colombia_tv_internet)
 > datos <- Base_de_datos_de_colombia_tv_internet[2:9]
> row.names(datos)<-Base_de_datos_de_colombia_tv_internet$DEPTO</pre>
 Warning message:
 Setting row names on a tibble is deprecated.
 > datos
 # A tibble: 24 x 8
PERSONAS HACINA INTERNET COMPU TV_SUSCRIPC MOTOS CARROS TELEFONO
                       <db1> <db1>
                                                                       <db1>
      2<u>191</u>361 1 03
     4<u>962</u>749
                                                                         0.73
                                                                         0.32
      7<u>499</u>198 1.67
                                                                         0.7
      2<u>051</u>781
                 2.41
                                                                         0.16
   5
       <u>561</u>366
                                                                         0.09
       <u>657</u>223 1.52
                                                                         0.4
       <u>353</u>930
                 1.72
                                                                         0.09
                 1.58
  8
       443005
                                                                         0.22
       <u>354</u>942
                 1.99
  9
                                                                         0.32
 10
       <u>726</u>918
                 1.99
                                                                         0.14
        with 14 more rows
```

b) Análisis de correlación 18 19 correlacion<-round(cor(datos),2) #matriz de correlación entre variables 20 correlacion > # b) Análisis de correlación (Recomendado) > library(psych) > correlacion<-round(cor(datos),2) #matriz de correlación entre variables > correlacion PERSONAS HACINA INTERNET COMPU TV_SUSCRIPC MOTOS CARROS TELEFONO 0.36 1.00 -0.11 0.57 0.59 -0.11 1.00 -0.55 -0.71 0.26 -0.30 -0.35 -0.24 0.69 PERSONAS HACTNA -0.34 -0.54 0.57 -0.55 0.59 -0.71 0.26 -0.35 -0.30 -0.24 0.36 -0.34 0.69 -0.54 -0.55 -0.71 1.00 0.93 0.93 1.00 0.49 0.50 -0.10 0.04 0.64 0.69 0.92 0.91 0.49 -0.10 0.50 0.04 0.92 INTERNET 0.64 COMPU 0.69 0.91 1.00 0.14 0.14 1.00 0.23 0.14 0.44 0.05 TV_SUSCRIPC 0.23 0.44 0.14 MOTOS 0.05 CARROS 1.00 0.63 TELEFONO 0.63 1.00 c) ACP con función prcomp y con estandarización de datos 25 26 27 acp <- prcomp(datos, center = T, scale. = T)</pre> 28 29 acp 30 # c) ACP con función prcomp y con estandarización de datos Standard deviations (1, .., p=8): [1] 2.1086304 1.1768428 0.8853569 0.8045309 0.6714347 0.4719658 0.2096876 0.1415866 Rotation $(n \times k) = (8 \times 8)$: Rotation (n x k) = (8 x 8): PC1 PC2 PC3 PC4 PC5 PC6 PC7 PERSONAS -0.30856195 0.49161959 0.030657728 -0.30995665 -0.54267194 0.44617507 -0.13699552 HACINA 0.31039273 0.38991937 -0.067679971 -0.68604147 0.16868994 -0.41204332 -0.16043814 INTERNET -0.44739851 0.09085411 0.009560561 0.10595606 0.14703174 -0.56024043 -0.33297098 COMPU -0.46540046 -0.03122675 -0.045351492 0.13516400 -0.01627875 -0.01279607 -0.53018641 TV_SUSCRIPC -0.26914110 -0.18863292 0.799102875 -0.34027771 0.32404274 0.15652994 0.08971046 MOTOS -0.01667592 -0.74337487 -0.169970860 -0.45231866 -0.40754971 -0.09602948 -0.16507091 CARROS -0.34098450 -0.06764706 -0.565203102 -0.27915333 0.56734646 0.36567590 0.13206283 TELEFONO -0.45021929 0.06541239 -0.073629605 -0.07396156 -0.24936937 -0.38687580 0.71469404 PC8 PERSONAS -0.231848819 PERSONAS -0.231848819 HACINA 0.228930935 INTERNET -0.577844849 TV_SUSCRIPC MOTOS CARROS O. 693235083 TV_SUSCRIPC O. 008548706 -0.105198001 CARROS -0.093439064 TELEFONO 0.243898840 c.1) mostrar el porcentaje de varianza acumulada de los CP 33 34 35 summary(acp) 36 c.1) mostrar el porcentaje de varianza acumulada de los CP > summary(acp) Importance of components: PC1 PC2 PC3 PC4 PC5 PC6 PC7 PC8 Standard deviation 2.1086 1.1768 0.88536 0.80453 0.67143 0.47197 0.2097 0.14159 Proportion of Variance 0.5558 0.1731 0.09798 0.08091 0.05635 0.02784 0.0055 0.00251 Cumulative Proportion 0.5558 0.7289 0.82689 0.90780 0.96415 0.99200 0.9975 1.00000

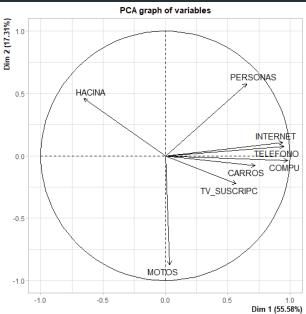
c.2) Gráfico de sedimentación de varianzas 38 39 40 41 42 43 44 text(acp\$sdev^2, #datos a escribir labels = round((acp\$sdev)^2,2), pos = 4, #Posición del texto cex = 0.4) #Tamaño del texto 45 46 cex = 0.447 48 > # c.2) Gráfico de sedimentación de varianzas > # c.2) Gráfico de sedimentación de varianzas > plot(acp, type="l", + col = "blue", + main = "Gráfico de sedimentación") text(acp\$sdev^2, #datos a escribir labels = round((acp\$sdev)^2,2), pos = 4, #Posición del texto cex = 0.4) #Tamaño del texto #valores a escribir Gráfico de sedimentación Variances N 0 c.3) Gráfico de variables e individuos 50 51 52 53 54 library(ade4) 55 library(grDevices) 56 57 58 biplot(acp, scale = 0, cex=0.6) > # c.3) Gráfico de variables e inidividuos > library(ade4) > library(grDevices) > biplot(acp, scale = 0, cex=0.6)



d) ACP con función PCA creando gráficos de variables e individuos

```
60
61 # d) ACP con función PCA creando gráficos de variables e individuos
62
63 library(FactoMineR)
64
65 acp_PCA <- PCA(datos, scale.unit = T, graph = T)
66
67
```

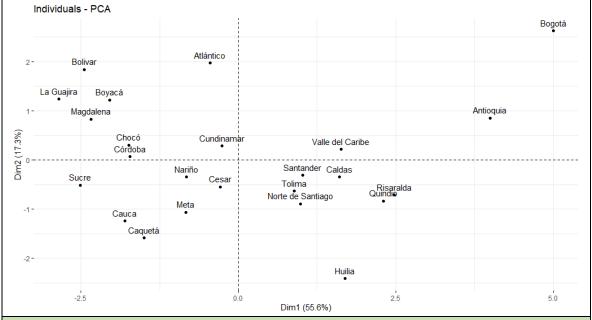
```
> # d.1) Gráfica de los porcentajes de varianzas de los componentes
>
> 
> # d) ACP con función PCA creando gráficos de variables e individuos
> 
> library(FactoMineR)
> acp_PCA <- PCA(datos, scale.unit = T, graph = T)
> |
```



d.1) Gráfica de los porcentajes de varianzas de los componentes

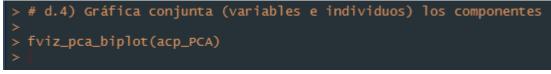
```
68
69 # d.1) Gráfica de los porcentajes de varianzas de los componentes
70 library(ggplot2)
71 library(factoextra)
72
73 fviz_eig(acp_PCA,addlabels = T, ylim = c(0,70))
74
```

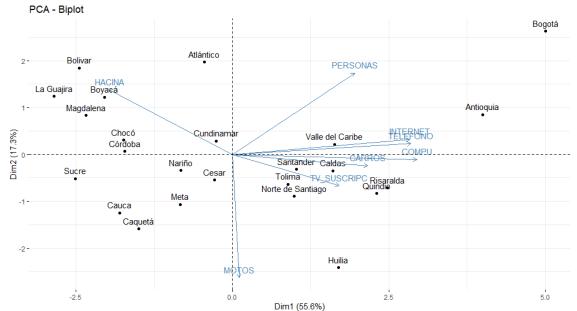
```
# d.1) Gráfica de los porcentajes de varianzas de los componentes
  # d.1) Gráfica de los porcentajes de varianzas de los componentes
library(ggplot2)
library(factoextra)
fviz_eig(acp_PCA,addlabels = T, ylim = c(0,70))
    Scree plot
           55.6%
Percentage of explained variances
                       17.3%
                                                                                   0.5%
                                                                                               0.3%
  d.2) Gráfica de las variables de los componentes
          76
77
78
79
                fviz_pca_var(acp_PCA)
          80
                  d.2) Gráfica de las variables de los componentes
               fviz_pca_var(acp_PCA)
                            Variables - PCA
                          1.0 -
                                                               PERSONAS
                                    HACINA
                                                                      HETERNET
                       Dim2 (17.3%)
                                                                 CARROS CÓMPU
                                                             TV_SUSCRIPC
                         -0.5 -
                                                   мотоѕ
                                        -0.5
                                                               0.5
                                                                          1.0
                                                0.0
Dim1 (55.6%)
  d.3) Gráfica de los individuos de los componentes
         83
         84
         85
               fviz_pca_ind(acp_PCA)
         86
                d.3) Gráfica de los individuos de los componentes
             fviz_pca_ind(acp_PCA)
```



d.4) Gráfica conjunta (variables e individuos) los componentes

```
89 # d.4) Gráfica conjunta (variables e individuos) los componentes
90
91 fviz_pca_biplot(acp_PCA)
92
```

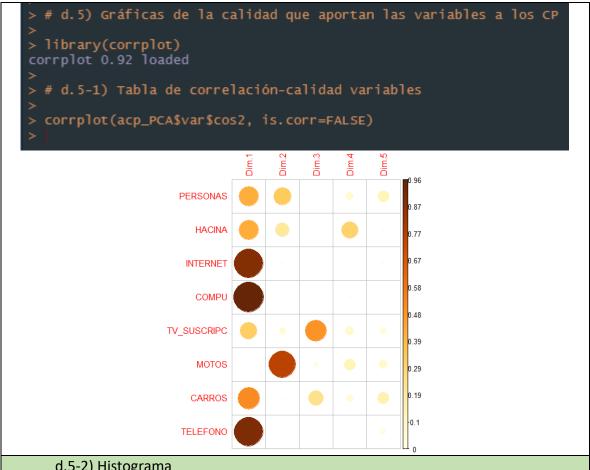




d.5) Gráficas de la calidad que aportan las variables a los CP

d.5-1) Tabla de correlación-calidad variables

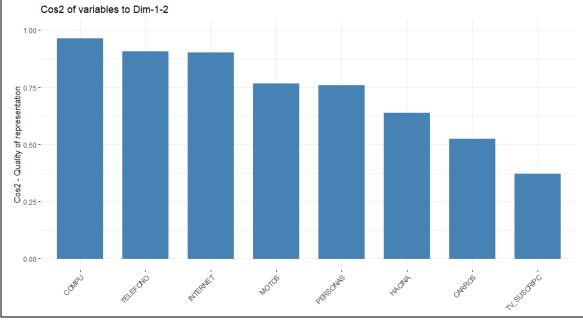
```
95 # d.5) Gráficas de la calidad que aportan las variables a los CP
96
97 library(corrplot)
98
99 # d.5-1) Tabla de correlación-calidad variables
100
101 corrplot(acp_PCA$var$cos2, is.corr=FALSE)
102
```

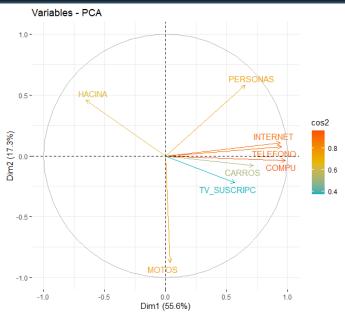


d.5-2) Histograma

```
105
106
     fviz_cos2(acp_PCA,
107
108
                choice = "var",
109
110
111
                axes = 1:2,
112
               ylim = c(0,1)
113
114
115
```

```
# d.5-2) Histograma
fviz_cos2(acp_PCA,
                            #variable a graficar
                            #número de dimensiones
          ylim = c(0,1)
```





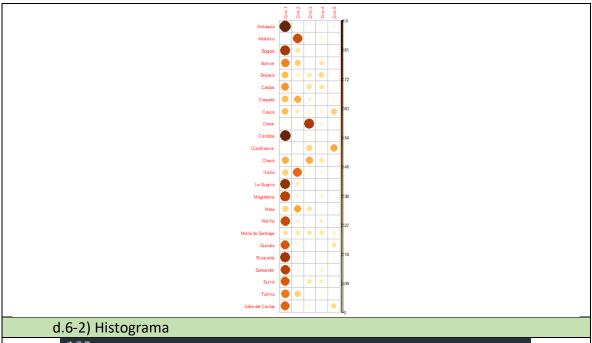
d.6) Gráficas de la calidad que aportan los individuos a los PCA

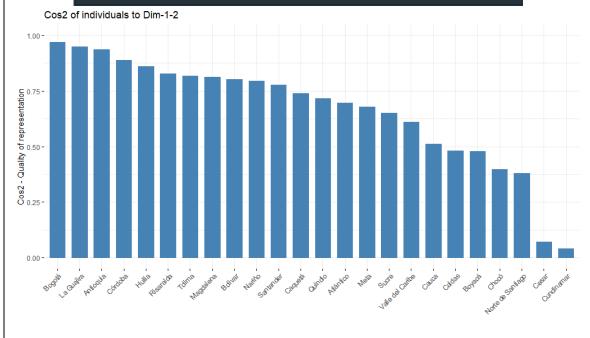
d.6-1) Tabla de correlación-calidad individuos

```
# d.6) Gráficas de la calidad que aportan los individuos a los PCA

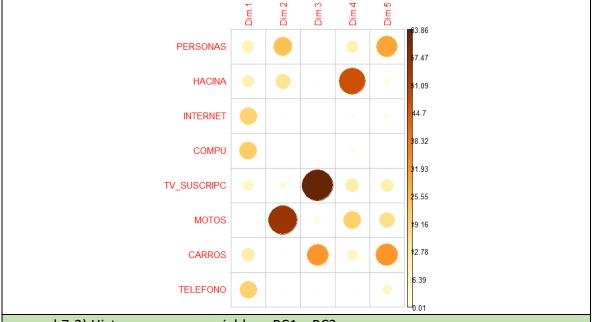
130
131 library(corrplot)
132
133 # d.6-1) Tabla de correlación-calidad individuos
134
135 corrplot(acp_PCA$ind$cos2, is.corr=FALSE, tl.cex = 0.5, cl.cex = 0.5)
136
137
```

```
> # d.6) Gráficas de la calidad que aportan los individuos a los PCA
>
> library(corrplot)
>
> # d.6-1) Tabla de correlación-calidad individuos
>
> corrplot(acp_PCA$ind$cos2, is.corr=FALSE, tl.cex = 0.5, cl.cex = 0.5)
> |
```





```
d.6-3) Individuos-PCA
151
152
     fviz_pca_ind(acp_PCA, col.ind = "cos2",
153
154
155
                     gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"),
156
157
                     repel = TRUE) # evita la superposición de texto)
158
    # d.6-3) Individuos-PCA
    fviz_pca_ind(acp_PCA, col.ind = "cos2",
                   gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"),
                   repel = TRUE) # evita la superposición de texto)
   Individuals - PCA
      Bolivar
     La Guajira
      Boyacá
                                                                           cos2
                                                                              0.75
                                                                              0.50
                                 Santander
                                                                              0.25
                       Cesar
                                               Risaralda
     Sucre
                                 Tolima
                      Meta
                              Norte de Santiago
           Cauca
             Caquetá
                                                                      5.0
                                  Dim1 (55.6%)
 d.7) Gráficas de la contribución que aportan las variables a los PCA
    d.7-1) Tabla de correlación-contribución variables
     # d.7) Gráficas de la contribución que aportan las variables a los PCA
162
163
164
165
     corrplot(acp_PCA$var$contrib, is.corr=FALSE)
    d.7) Gráficas de la contribución que aportan las variables a los PCA
> # d.7-1) Tabla de correlación-contribución variables
  corrplot(acp_PCA$var$contrib, is.corr=FALSE)
```



d.7-2) Histograma para variables - PC1 y PC2

```
# d.7-2) Histograma para variables - PC1 y PC2
170
171 fviz_contrib(acp_PCA, choice = "var", axes = 1:2, ylim = c(0,20))
172
```

```
> # d.7-2) Histograma para variables - PC1 y PC2
>
> fviz_contrib(acp_PCA, choice = "var", axes = 1:2, ylim = c(0,20))
> |
Contribution of variables to Dim-1-2
20

15

(%) guognous

to the property of the part of the
```

d.7-3) Variables-PCA

```
175 # d.7-3) Variables-PCA

176

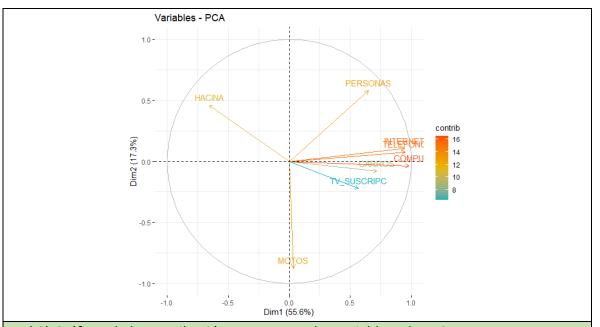
177 fviz_pca_var(acp_PCA, col.var = "contrib",

178

179 gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"))

180
```

```
> # d.7-3) Variables-PCA
>
> fviz_pca_var(acp_PCA, col.var = "contrib",
+
+ gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"))
> |
```

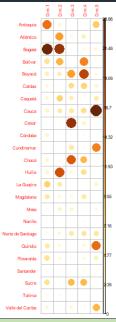


d.8) Gráficas de la contribución que aportan las variables a los PCA

d.8-1) Tabla de correlación-contribución variables

```
185 # d.8) Gráficas de la contribución que aportan las variables a los PCA
186 # d.8-1) Tabla de correlación-contribución individuos
187
188 corrplot(acp_PCA$ind$contrib, is.corr=FALSE, tl.cex = 0.5, cl.cex = 0.5)
189
```

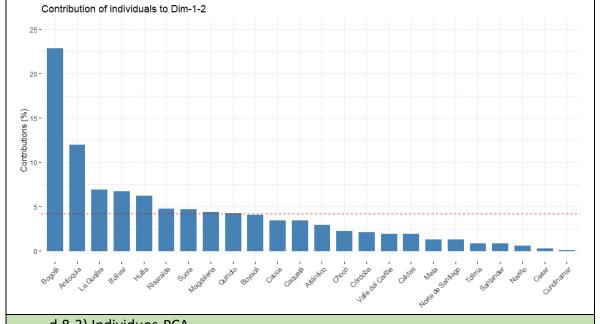
```
> # d.8) Gráficas de la contribución que aportan las variables a los PCA
> # d.8-1) Tabla de correlación-contribución individuos
>
> corrplot(acp_PCA$ind$contrib, is.corr=FALSE, tl.cex = 0.5, cl.cex = 0.5)
> |
```



d.8-2) Histograma para individuos - PC1 y PC2

```
192 # d.8-2) Histograma para individuos - PC1 y PC2
193
194 fviz_contrib(acp_PCA, choice = "ind", axes = 1:2, ylim = c(0,25))
195
196
```

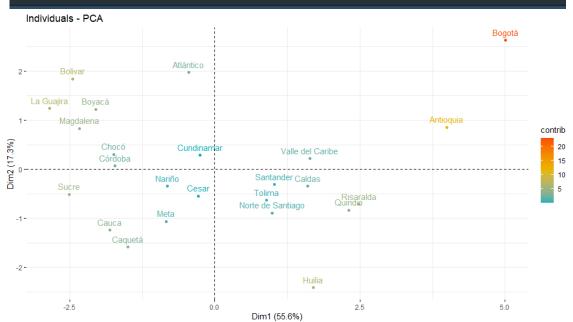
```
> # d.8-2) Histograma para individuos - PC1 y PC2
>
> fviz_contrib(acp_PCA, choice = "ind", axes = 1:2, ylim = c(0,25))
> |
```



d.8-3) Individuos-PCA

```
198
199
     fviz_pca_ind(acp_PCA, col.ind = "contrib",
200
201
202
                   gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"))
203
```

```
# d.8-3) Individuos-PCA
fviz_pca_ind(acp_PCA, col.ind = "contrib",
             gradient.cols = c("#00AFBB", "#E7B800", "#FC4E07"))
```



e) Obtener clusters jeráquicos con PCA

```
# e) Obtener clusters jeráquicos con PCA
207
     hcpc_BDColombia <- HCPC(acp_PCA, nb.clust = 0, graph = F)</pre>
208
209
```

```
# e) Obtener clusters jeráquicos con PCA
> hcpc_BDColombia <- HCPC(acp_PCA, nb.clust = 0, graph = F)
```

```
e.1) Clúster de individuos
212
213
214
215
       library(factoextra)
 216
217
      library(ggrepel)
 218
219
220
221
222
223
224
225
      fviz_cluster(hcpc_BDColombia,
                      repel=⊤,
                                    #para que no se traslapen las etiquetas
                      palette="lancet",
                      show.clust.cent = F, #que no muestre los centroides
 226
227
                      ggtheme = theme_minimal(), #fondo color blanco si no gris
 228
229
230
231
                      main = "Cluster de individuos"
  # e.1) Clúster de individuos
   library(factoextra)
   library(ggrepel)
fviz_cluster(hcpc_BDColombia,
                                  #para que no se traslapen las etiquetas
                   repel=T,
                   palette="lancet",
                   show.clust.cent = F, #que no muestre los centroides
                   ggtheme = theme_minimal(), #fondo color blanco si no gris
   Cluster de individuos
                         Atlántico
       Bolivar
      La Guajira
              Boyacá
Dim2 (17.3%)
              Chocó
                              Cundinamar
                                               Valle del Caribe
                                                                                        å 1
å 2
å 3
                 •
Córdoba
           Sucre
                      Nariño
                                       Tolima
                                             orte de Santiago
                 Cauca
                Caquetá
                                                                                 5.0
                                 0.0
                                        Dim1 (55.6%)
   e.2) Determinar las variables que describe más los clusters
   234
          # e.2) Determinar las variables que describe más los clusters
   235
         hcpc_BDColombia$desc.var$quanti.var
   236
```

237

```
> # e.2) Determinar las variables que describe más los clusters
        > hcpc_BDColombia$desc.var$quanti.var
                                         Eta2
                                                            P-value
                            0.8558251 1.473467e-09
0.8090155 2.821504e-08
0.7464341 5.532915e-07
0.7449181 5.890292e-07
0.4219089 3.169284e-03
       TELEFONO
       COMPIL
       PERSONAS
        INTERNET
       CARROS
        HACINA 0.3935501 5.240189e-03
TV_SUSCRIPC 0.3706515 7.733165e-03
       HACINA
     e.3) Determinar las variables más significativas de cada cluster
 240
          # e.3) <u>Determinar</u> las variables <u>más significativas</u> de <u>cada</u> cluster
 241
 242
          hcpc_BDColombia$desc.var$quanti
 243
     e.3) Determinar las variables más significativas de cada cluster
  hcpc_BDColombia$desc.var$quanti
                 HACINA
PERSONAS -2.003039
TV_SUSCRIPC -2.918359
CARROS
INTERNET
TELEFONO
COMPU
$`2`
                v.test Mean in category Overall mean sd in category Overall sd p.value 2.491096 0.31000 0.2483333 0.04415880 0.08394774 0.012734982 2.458161 0.37875 0.3170833 0.02847696 0.08507248 0.013965057 2.392181 0.75375 0.6450000 0.04525967 0.15416441 0.016748578 2.177763 0.41125 0.2929167 0.06660283 0.18426609 0.029423695 2.152711 0.15750 0.1212500 0.04408798 0.05710462 0.031341413 -2.576422 1.61875 1.7983333 0.07507288 0.23637306 0.009982877
INTERNET
TV_SUSCRIPC 2.392181
TELEFONO 2.177763
CARROS 2.152711
                                                                                 0.06660283 0.18426609 0.0294.50.
0.04408798 0.05710462 0.031341413
0.07507288 0.23637306 0.009982877
CARROS
HACINA
$'3'
v.test Mean in category Overall mean sd in category Overall sd p.value
PERSONAS 4.103018 6230973.500 1.431557e+06 1268224.500 1.691425e+06 4.077957e-05
TELEFONO 3.312229 0.715 2.929167e-01 0.015 1.842661e-01 9.255576e-04
COMPU 2.939107 0.490 3.170833e-01 0.020 8.507248e-02 3.291597e-03
INTERNET 2.698579 0.405 2.483333e-01 0.015 8.394774e-02 6.963613e-03
    e.4) Determinar los componentes que más se reflejan en cada clúster
246
         # e.4) Determinar los componentes que más se reflejan en cada clúster
247
         hcpc_BDColombia$desc.axes$quanti
248
249
   # e.4) Determinar los componentes que más se reflejan en cada clúster
   hcpc_BDColombia$desc.axes$quanti
             v.test Mean in category Overall mean sd in category Overall sd p.value
4.15446 -1.543786 -1.059338e-15 0.8424145 2.10863 3.260564e-05
 Dim.1 -4.15446
v.test Mean in category Overall mean sd in category Overall sd p.value
Dim.1 2.534510 1.5759611 -1.059338e-15 0.5574092 2.108630 0.01126048
Dim.2 -2.138274 -0.7420496 7.534482e-16 0.7151041 1.176843 0.03249450
             v.test Mean in category Overall mean sd in category Overall sd p.value
.087707 4.502659 -1.059338e-15 0.5039198 2.108630 0.00201707
.140050 1.741706 7.534482e-16 0.8896274 1.176843 0.03235072
                                                                                                                           p.value
Dim.1 3.087707
Dim.2 2.140050
    e.5) Individuos que más participan en cada clúster
           252
                         e.5) Individuos que más participan en cada clúster
           253
            254
                     hcpc_BDColombia$desc.ind$para # los 5 más altos
           255
```

f) Descripción de nuevas funciones

Read_excel: Lee archivos Excel para leer las bases de datos que contienen.

cor: Muestra la correlación de datos.

summary: Muestra un resumen estadístico.

biplot: Son un tipo de gráfico exploratorio usado en Estadística.

PCA: Se utiliza para reducir el número de variables de forma que pasemos a tener el mínimo número de nuevas variables y que representen a todas las antiguas variables de la forma más representativa.

fviz_eig: Representa por columnas los eigenvalues para cada una de las dimensiones **fviz_pca_var:** Representa las variables sobre las dos primeras componentes principales. **fviz_pca_biplot:** Genera un biplot.

Corrplot: Podemos visualizar las correlaciones entre las varibles mediante un correlograma que genera.

fviz_cos2: Visualiza la calidad de representación de filas y columnas. **fviz_contrib:** Representa la contribución de filas y columnas de un pca.

fviz_pca_ind: Representación de observaciones sobre componentes principales.

fviz_cluster: Visualiza los resultados de la agrupación en clústeres.

g) Interpretación general de los resultados

El Principal Component Analysis (PCA) es un método estadístico que permite simplificar la complejidad de espacios muestrales con muchas dimensiones a la vez que conserva su información, este método permite simplificar el análisis de grandes cantidades de datos asi mismo, podemos eliminar algunas de las variables con menos utilidad manteniendo la parte más importante todas las variables utilizadas.

Una de las aplicaciones de PCA es la reducción de dimensionalidad (variables), perdiendo la menor cantidad de información (varianza).