

Seminar – Maschinelles Lernen

Mining Closed and Maximal Frequent Subtrees from Databases of Labeled Rootet Trees

Referent: Moritz Huisman

Agenda





- Motivation
- Grundlagen
- Algorithmus
 - Mining frequent ordered Subtrees
 - Mining frequent unordered Subtrees
- Experimentelle Ergebnisse
- > Fazit

Agenda





Motivation

- Graphentheoretische Grundlagen
- Algorithmus
 - Mining frequent ordered Subtrees
 - Mining frequent unordered Subtrees
- Experimentelle Ergebnisse
- > Fazit

Die Motivation



- Bäume zur Datenrepräsentation
 - > XML-Dokumente
 - > Web-Access-Trees
 - Analyse molekularer Evolution

Die Motivation (2)



- > Anwendungen für häufige Teilbäume
 - > Indizierung & Zugriffsmethodendesign bei Datenbanken
 - Clustering & Klassifikation
 - > Gewinnung von allgemeinen Informationen

Agenda





> Motivation

Grundlagen

- Algorithmus
 - Mining frequent ordered Subtrees
 - Mining frequent unordered Subtrees
- Experimentelle Ergebnisse
- > Fazit

Grundlagen: Graphentheorie (1)



- ► Graph $G = [V, E, \Sigma, L]$ mit Labelfunktion $L : V \cup E \rightarrow \Sigma$
- > ungeordneter (Wurzel)Baum ist ein azyklischer Graph für den gilt:
 - > 3! spezieller Knoten ohne eingehende Kanten
 - > jeder andere Knoten hat genau eine eingehende Kante
 - > eindeutiger Pfad von der Wurzel zu jedem anderen Knoten
- > geordneter Baum: Definierte Ordnung über die Kinder

Grundlagen: Graphentheorie (2)



- > Baum t wird als Teilbaum von Baum s bezeichnet, gdw.
 - $\succ V_t \subseteq V_s$
 - $\succ E_t \subseteq E_s$
 - > Labels von E und V aus s werden in t erhalten
- > Wenn Anzahl der Knoten in t < der Knoten in s, bezeichnet man t als *echten* Teilbaum

Grundlagen: Mining häufiger Teilbäume



- > D bezeichnet eine Datenbank
- > Jede Transaktion s ϵ D ist ein gelabelter Baum
 - > s kann *geordnet* oder *ungeordnet* sein
- gelabelter Teilbäume (Muster) t, die abhängig von D geordnet oder ungeordnet ist
 - $> \sigma_t(s) = 1$ wenn t ein Teilbaum von s, sonst 0.
 - $\Rightarrow support(t) = \sum_{s \in D} \sigma_t(s)$
 - > t wird als häufig bezeichnet, wenn support(t) ≥ minsup

Grundlagen: Abgeschlossen & Maximal häufige Teilbäume



- häufiger Teilbaum t ist abgeschlossen, wenn keiner seiner echten Superbäume den gleichen support wie t hat
- häufiger Teilbaum t ist maximal, wenn keiner seiner echten Superbäume häufig ist

$$\rightarrow M \subseteq C \subseteq F$$

- Meist gibt es weniger abgeschlossen & maximal häufige Teilbäume als häufige Bäume
- > Durch das Mining nach abgeschlossen & maximal häufigen Teilbäumen geht "kaum" Information verloren
 - > die Gesamtanzahl von t ist nicht verfügbar

Agenda



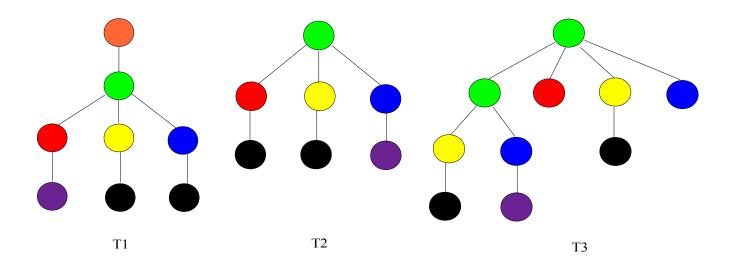


- > Motivation
- Graphentheoretische Grundlagen
- Algorithmus
 - Mining ordered Subtrees
 - Mining unordered Subtrees
- Experimentelle Ergebnisse
- > Fazit

Input



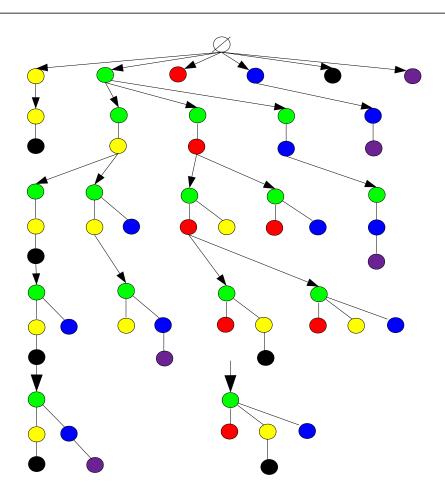
> Datenbank mit 3 Transaktionen:



> minsup = 2

Enumeration Tree



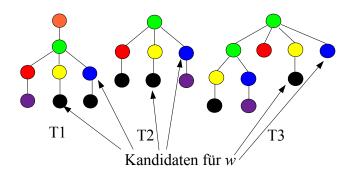


- dient der systematischen Aufzählung aller häufigen Teilbäume
- > Teilbaumkandidaten werden aus ihrem eindeutigen Elternknoten generiert
- dazu wird eine Rightmost Extension durchgeführt

Rightmost Extension







Es resultieren also folgende Nachfolger:



- > um Knoten w zu einem häufigen Teilbaum t hinzufügen zu können, muss der Elternknoten v von w auf dem rightmost path von t liegen
- > t' muss häufig sein

The Blanket



- Für einen häufigen Teilbaum t bezeichnen wir die Menge aller unmittelbaren, häufigen Nachfolger als B_t
 - $rac{rac}{t'} \in B_t$, mit genau einem Knoten mehr als t
- $\succ t' \setminus t$ bezeichne den zusätzlichen Knoten w, Label & Position

Maximalität & Abgeschlossenheit



- Definition von Maximalität und die Abgeschlossenheit häufiger Teilbäumen mit Hilfe der Blankets:
 - \succ ein häufiger Teilbaum ist maximal, gdw. $B_t = \varnothing$
 - Ein häufiger Teilbaum ist abgeschlossen, gdw. für jedes $t' \in B_t$ gilt: support(t') < support(t)
- > Abgeschlossenheit und Maximalität lassen sich also durch die Blankets bestimmen, anstatt eine Nachbearbeitung vorzunehmen

Das Pruning



- > nicht alle Zweige des Enumeration Trees enthalten abgeschlossen und/oder maximal häufige Teilbäume
- Occurrence–Matching:
 - Für ein $t' \in B_t$ werden t und t' als occurrence-matched bezeichnet, wenn für jedes Vorhandensein von t in einer Transaktion der Datenbank wenigstens ein zugehöriges Vorhandensein von t' besteht
- Transaction–Matching:
 - Für ein $t' \in B_t$ werden t und t' als transaktion-matched bezeichnet, wenn für jede Transaktion s $\in D$ mit $\sigma_t(s) = I$, dann $\sigma_{t'}(s) = I$

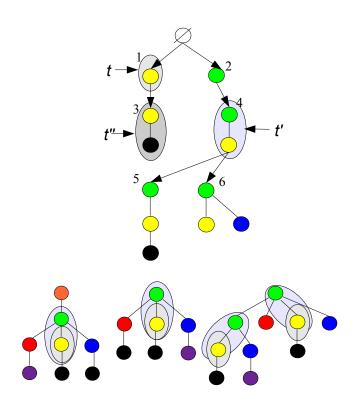
Left-Blanket Pruning



- > Blanket lässt sich in Left-Blanket $B_{\rm t_left}$ und Right-Blanket $B_{\rm t_right}$ unterteilen.
 - $Parabolaine B_{t \text{ right}} = \{t' \in B_t | t' \text{ ist ein Kind von t im Enumeration Tree}\}$
 - $PB_{t_left} = B_t \setminus B_{t_right}$
- Theorem 1: Wenn für einen häufigen Teilbaum t im Enumeration Tree ein $t' \in B_{t_left}$, so dass t und t' occurrence-matched sind, dann sind weder t noch dessen Nachfahren im Enumeration Tree abgeschlossen und deswegen kann t vom Enumeration Tree abgeschnitten werden.

Left-Blanket Pruning (2)



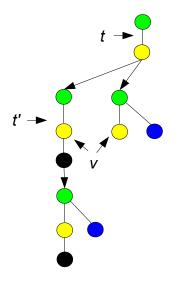


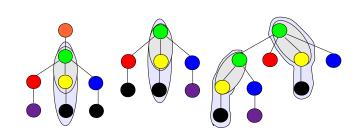
▶ Theorem 1 folgt aus Lemma 6:
If ∃ ein häufigen Teilbaum t im
Enumeration-Tree und ∃ t' ∈ B_{t_left}
existiert, so dass t und t'
occurrence-matchen, dann ist 1) t
nicht abgeschlossen und 2) für
jedes t" ∈ B_{t_right} existiert
wenigstens ein Superbaum t" ∈
B_{t''_left}, so dass t" und t"
occurrence-matchen

Right-Blanket Pruning (1)



- > wenn ein Occurrence-matching mit t' in B_{t_right} auftritt, kann t nicht gepruned werden
- > je nach Position von t'\t aber
 Kinder von t
- ➤ Theorem 2: Wenn für einen häufigen Teilbaum t im Enumeration-Tree ein t' ∈ B_{t_right} existiert, so dass t und t' occurrence-matched sind und der Vaterknoten von t'\t v ist, dann braucht t nicht um weitere rightmost Vertexes an echten Vorfahren von v erweitert werden

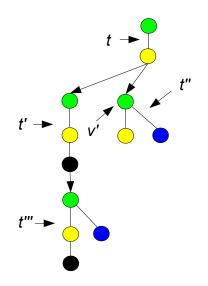


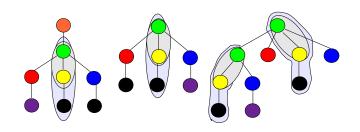


Right-Blanket Pruning (2)



Wenn nun $t'' \in B_{t_right}$ mit Vaterknoten v' von $t'' \setminus t$, der Vorfahr von v ist, existiert, dann ist v auf dem Leftmost-Path von t''. Da $t' \setminus t$ Kindknoten von v ist, ist er ebenso auf dem Leftmost-Path. Also muss ein $t''' \in B_{t''_left}$ existieren, so dass t'' und t''' occurrence-matchen





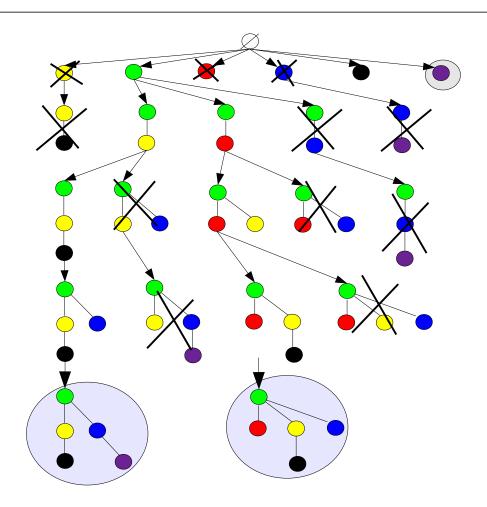
Teilmengen der Blankets



- \triangleright In machen Fällen wird nur eine Teilmenge von B_t benötigt
- Unterscheidung der Teilmengen
 - $> B_t^{OM} = \{t' \in B_t \mid t' \text{ und t sind occurrence-matched}\}$
 - $> B_t^{TM} = \{t' \in B_t \setminus B_t^{OM} \mid t' \text{ und } t \text{ sind transaktion-matched}\}$
 - $\triangleright B_{t}^{F} = B_{t} \setminus (B_{t}^{OM} \cup B_{t}^{TM})$
- Diese Mengen werden weiterhin in left und right eingeteilt, wie vorhin gesehen
- $ightharpoonup \exists t' \in B_{t \text{ left}}^{OM} \rightarrow t \text{ kann abgeschnitten werden}$
- $ightharpoonup \exists t' \in B^{\mathit{OM}}_{t_right}
 ightharpoonup \text{ evtl. können einige } t' \text{ abgeschnitten werden. Außerdem ist } t$ nicht abgeschlossen
- > Wenn $B_{\rm t}^{TM} = \emptyset$, dann ist t abgeschlossen
- \triangleright Wenn $B_t^F = \emptyset$, dann ist t maximal

Ergebnis des Algorithmus





Berechnung der Teilmengen



- > B_t^{OM} = Schnitt über alle Superbaumkandidaten aus jedem Auftreten von t
- > B_t^{TM} = Schnitt aus der Vereinigung der Superbaumkandidaten aus den Transaktionen
- $> B_t^F$ = Vereinigung aller Superbaumkandidaten
 - > außerdem muss der Support aller Kandidaten berechnet und gespeichert werden

Heuristische Berechnungsreihenfolge



- 1.Berechne B_t^{OM} . If $\exists t' \in B_{t_left}^{OM}$ then prune t else if $\exists t' \in B_{t_right}^{OM}$ then wende Theorem 2 an.

 2.If $B_t^{OM} = \emptyset$ berechne B_t^{TM} . $B_t^{TM} \neq \emptyset$ ist t nicht abgeschlossen (also muss B_t^F nicht berechnet werden) else ist t abgeschlossen
- 3. Untersuche t im Enumeration-Tree. If irgendein Kind t' von t häufig ist, muss B_t^F nicht berechnet werden, da t nicht maximal ist.
- 4.If $B_{\text{t_right}}^{OM} = \emptyset$ und $B_{\text{t}}^{TM} = \emptyset$ und keine Kinder von t im Enumeration-Tree häufig sind, berechne $B_{\text{t_left}}^F$. If $B_{\text{t_left}}^F = \emptyset$ then t ist maximal, else t ist closed

Agenda



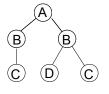


- > Motivation
- Graphentheoretische Grundlagen
- Algorithmus
 - Mining ordered Subtrees
 - Mining unordered Subtrees
- Experimentelle Ergebnisse
- > Fazit

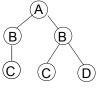
Depth-First Canonical Form



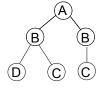
- Definition zweier Symbole für Depth-First String Encoding
 - ▶ \$ \(\preceq \) Backtrack
 - > # def Endeder Codierung
- Rekursive Definition der DFCF:
 - 1. Einzelner Knoten ist trivial
 - 2. Sei r die Wurzel des ungeordneten Baums t mit N Kindern r_1, \ldots, r_N . Zuerst DFCF's für die Teilbäume t_{r_1}, \ldots, t_{r_N} bestimmen. Diese werden von links nach rechts in lexikographischer Ordnung ihrer Depth-First String Encoding's" sortiert



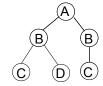
ABC\$\$BD\$C#



ABC\$\$BC\$D#



ABD\$C\$\$BC#

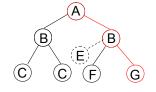


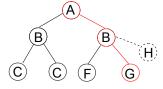
ABC\$D\$\$BC#

Anpassung des Blanket-Konzepts



- \succ Zuteilung zu $B_{\rm t\ left}$ und $B_{\rm t\ right}$ muss verfeinert werden
 - \succ neben der Position von $t' \setminus t$ ist dessen Label relevant





- dazu erfolgt Berechnung des Bereichs, den die Label annehmen können
- Diese Berechnung wird auch bei der Erweiterung von tim Enumeration-Tree benötigt

Erweitertes Right-Blanket Pruning



- Theorem 3: Wenn für einen häufigen Teilbaum t im Enumeration-Tree häufiger ungeordneter Teilbäume ein $t' \in B_{t_{right}}$ existiert, so dass t und t' occurrence-matched sind und v der Vaterknoten von $t' \setminus t$ ist, dann
 - 1. muss t nicht durch weitere Knoten an Vorfahren von v erweitert werden
 - 2. muss t nicht durch weitere Knoten an v erweitert werden, deren Label lexikographisch größer als $t' \setminus t$ ist

Agenda



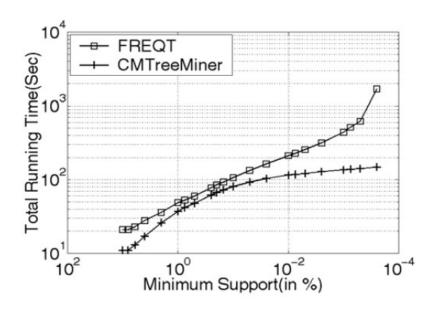


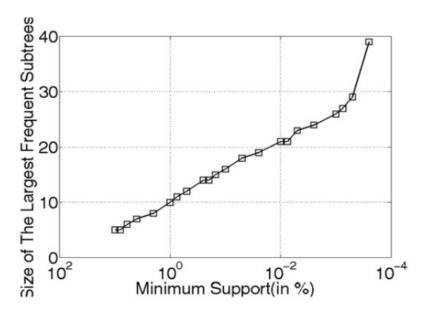
- > Motivation
- Graphentheoretische Grundlagen
- Algorithmus
- Experimentelle Ergebnisse
- > Fazit

Experimente mit geordneten Bäumen (1)



- > synthetische Daten
- Kosten für Nachbearbeitung bei FREQT werden vernachlässigt
- 1.000.000 Transaktionen; durchschnittlich 6,94 Knoten pro Baum; 100 verschiedene Knotenlabels

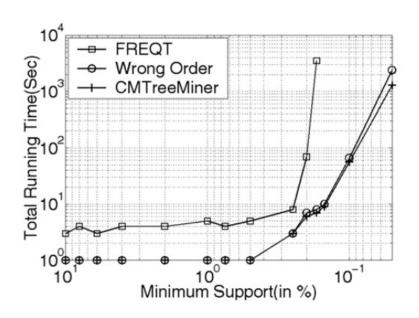


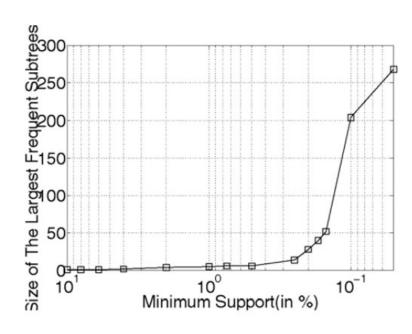


Experimente mit geordneten Bäumen (2)



- Zugriffsbäume der Nutzer der Website des Fachbereichs Informatik am RPI (Rensselaer Polytechnic Institute (RPI))
- > 59.691 User Access Trees, die 13.361 eindeutige Labels/Web Pages
- Durchschnittlich 12 Knoten pro Baum

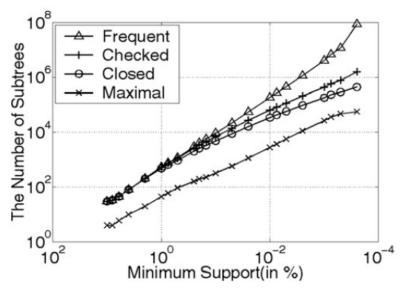


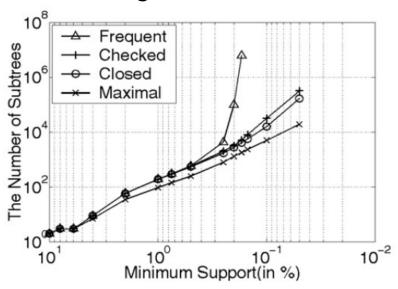


Steigende Anzahl häufiger Teilbäume bei sinkendem Minsup



- Zeiteinsparungen von CMTreeMiner lassen sich durch geringere Anzahl abgeschlossen häufiger Teilbäume gegenüber der Anzahl häufiger Teilbäume erklären
- Geringere Anzahl geschlossen häufiger Teilbäume können durch Korrelation zwischen den häufigen Teilbäumen erklärt werden. Diese Korrelationen bestehen in realen Anwendungen

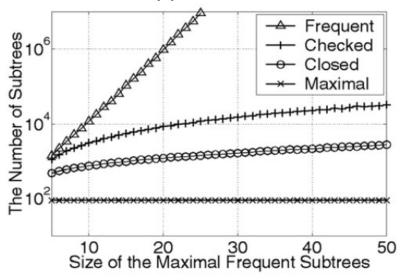


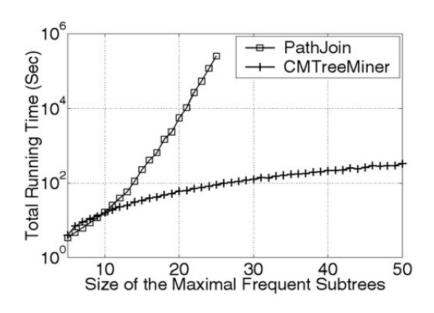


Experimente mit ungeordneten Bäumen (1)



- exponentieller Anstieg der Anzahl aller häufigen Teilbäume(untere Schranke für die Anzahl an Bäumen, die PathJoin überprüft)
- > Anzahl Teilbäume, die von CMTreeMiner überprüft werden wächst polynomial
- > synthetische Datenmenge: 100.000 Transaktionen á 50 Knoten
- Minimum Support = 1%

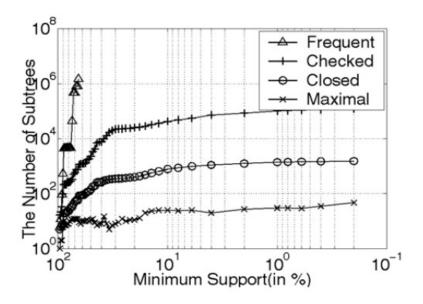


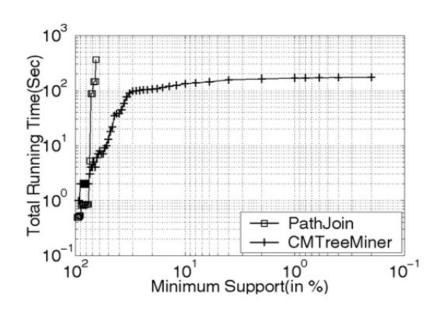


Experimente mit ungeordneten Bäumen (2)



- Daten bestehen aus IP Multicast-Trees, die während eines NASA Shuttlestarts gemessen wurden
- ➤ 1000 Transaktionen; 333 Knoten\Labels





Agenda





- Motivation
- Graphentheoretische Grundlagen
- Algorithmus
- Experimentelle Ergebnisse
- > Fazit

Fazit



- Erster Algorithmus, der statt einer Nachbearbeitung direkt das Mining abgeschlossener und maximal häufiger Teilbäume vornimmt
- Verwendung für geordnete und ungeordnete Bäume
- Pruning und heuristische Berechnungsreihenfolge verringern die Laufzeit des CMTreeMiner's insbesondere bei niedrigem minsup
- > Durch den geringeren Rechenaufwand ist CMTreeMiner Algorithmen überlegen, die alle häufigen Teilbäume minen



Vielen Dank für eure Aufmerksamkeit



Anhang

Der Pseudo-Code (1)



Algorithm *CMTreeMiner*(*D*, *minsup*)

1: $CL \leftarrow \emptyset$, $MX \leftarrow \emptyset$;

2: $C \leftarrow$ frequent 1-trees;

3: *CM-Grow*(*C*, *CL*, *MX*, *D*, *minsup*);

4: return *CL*, *MX*;

Der Pseudo-Code (2)



```
Subroutine CM-Grow(C, CL, MX, D, minsup)
1: for each t \in C do
2: E \leftarrow \emptyset;
3: compute B_t^{OM};
4: if B_t^{OM} = \emptyset then compute B_t^{TM};
5: if \exists t' \in B_{t \text{ left}}^{OM} then continue;
      else
         for each vertex v on the rightmost path of t do
         (in a bottom-up fashion)
            for each valid new rightmost vertex w of t do
                  t' \leftarrow t plus vertex w, with v as w's parent;
                   if support(t') \geq minsup then E \leftarrow E \cup t';
10:
            if \exists t' \in B_{t \text{ right}}^{OM} s.t. v is the parent of t' \setminus t then
12:
                break;
        if E \neq \emptyset then CM-Grow(E, CL, MX, D, minsup);
       if B_t^{OM} = \emptyset and B_t^{TM} = \emptyset then
15:
           CL \leftarrow CL \cup t;
16: if E = \emptyset then
        compute B_{t \text{ left}}^F;

if B_{t \text{ left}}^F = \emptyset then MX \leftarrow MX \cup t;
17:
19:
         break;
```

Enumeration DAG (Directed Acyclic Graph)



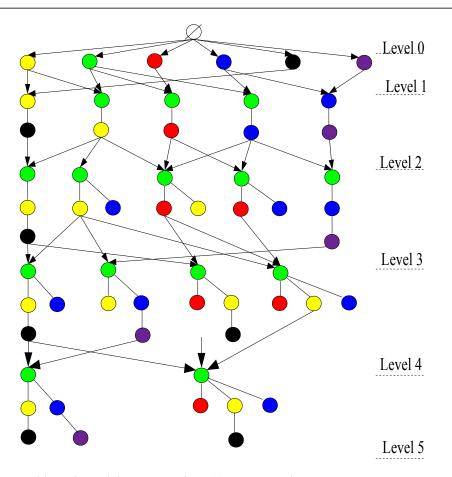


Abb. 2, in Anlehnung an Fig 2 (a) aus [1] Seite 4

- jedes Level enthält die häufigen Teilbäume der jeweiligen Größe
- gerichtete Kanten repräsentieren Teilbaum-Superbaum Beziehung, sie zeigen vom Teilbaum zum Superbaum
- Zusammenhang: Enumerationtree ist ein Spannbaum vom Enumeration DAG
- Kinder eines Teilbaums(Knotens) sind dessen Blanket

Speicherbedarf bei synthetischen Daten (ungeordnete Bäume)



> PathJoin

> |I| > 25 : 1GB HS ausgeschöpft

→ ~ 3 Tage Rechenzeit bei |I| = 25

CMTreeMiner

|I| = 26 : 302MB

| I | = 50 : 567MB

> 90 Sekunden Rechenzeit bei |I| = 25

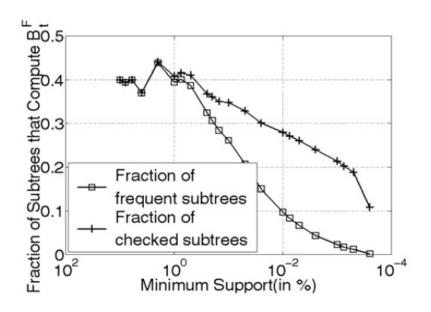


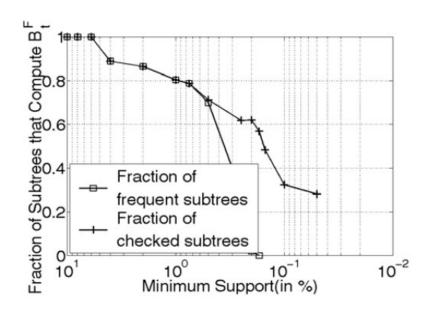
- Lemma 1: Jeder Teilbaum eines häufigen Baumes ist häufig und jeder Superbaum eines nicht häufigen Baumes ist nicht häufig
- ► Lemma 2: $M \subseteq C \subseteq F$
- Lemma 3: Aus M können alle häufigen Bäume extrahiert werden. Gleichermaßen können aus alle häufigen Bäume mit deren Support aus C extrahiert werden

Berechnung von $B_{\mathfrak{t}}^F$



- > sinkende Support-Thresholds führen zu einem geringeren Anteil an Teilbäumen, für die $B_{\scriptscriptstyle +}^{\scriptscriptstyle F}$ berechnet wird
- > Autoren führen dies auf auf ein Pruning nahe der Wurzel zurück





Speicherbedarf



Reale Datenmenge und Support-Threshold = 0.00025%

synthetische Daten und Support-Threshold = 0.17%

> FREQT

> ~254MB

> FREQT

> ~176MB

CMTreeMiner

> ~256MB

CMTreeMiner

> ~159MB

- > FREQT speichert nur das Auftreten des "rightmost-Vertex" pro häufigem Teilbaum
- CMTreeMiner speichert das Auftreten aller Knoten in allen häufigen Teilhäumen
- Performance von CMTreeMiner sollte bei sinkender Anzahl unterschiedlicher Labels sinken, da unterschiedliches Auftreten der gleichen Pattern Ansteigt und somit der Speicherbedarf