Programación – Certamen 3 – Semestre 2, 2017			P	AR/	\LE					
NOMBRE		ROI						_	-]

1. [20%] Una línea de buses mantiene información de sus viajes en dos archivos, uno llamado viajes.txt, en formato: IDVIAJE#RUTA#HORA#CAPACIDAD, donde IDVIAJE corresponde a un identificador único, RUTA el orden en que visita ciudades, HORA la hora del viaje en formato hh:mm y CAPACIDAD que corresponde a la cantidad de asientos del bus. El otro archivo es compras.txt en formato: IDVIAJE:CANTIDAD:RUTCOMPRA, donde IDVIAJE es el identificador único, CANTIDAD es el número de asientos comprados y RUTCOMPRA, el rut de la persona que los compró.

```
TB2456#Santiago-ElTabo#16:00#30
CB4390#Arica-Pta.Arenas#00:00#20
```

TT7399#Temuco-Santiago#23:00#25 DF1298#Santiago-ElTabo#16:00#25

viajes.txt

. . .

La función informar (viajes, compras) recibe los nombres de los dos archivos descritos y escribe la ruta, la hora y cupos disponibles de cada viaje en el archivo informe.txt. Para cumplir con esto, utiliza la función disp(IDVIAJE, cap, compras), donde IDVIAJE es el identificador del viaje, cap es un entero con la capacidad del bus y compras el nombre del archivo de compras realizadas. Esta función debe retornar la disponibilidad de asientos en el bus. A continuación se encuentran ambas funciones desordenadas, usted debe ordenarlas e indentarlas para que funcionen en Python:

```
return cap
cap -= int(cant)
v.close()
v=open(compras)
if IDVIAJE == id:
id, cant, rut=linea.strip().split(':')
def disp(IDVIAJE, cap, compras):
for linea in v:
```

```
cap = int(cap)
def informar(viajes, compras):
nline=texto.format(ruta,hora,cupos)
cupos = disp(id,cap,compras)
viaj.close()
infor.close()
infor=open('informe.txt','w')
texto='{0}#{1}#{2}\n'
infor.write(nline)
viaj=open(viajes,'r')
for linea in viaj:
linea=linea.strip().split('#')
id,ruta,hora,cap=linea
```

Nota: Los archivos de ejemplo tienen más líneas.

compras.txt

TB2456:4:11111111-1 CB4390:6:12345678-9 CB4390:3:14375988-4 TT7399:25:15489685-5

Programación – Certamen 3 – Semestre 2, 2017

2. [40%] Los tomodatchi son mascotas virtuales que deben ser alimentadas constantemente o sino pueden morir. Como ejemplo, suponga que tiene la siguiente colección de tomodatchis en un archivo llamado tomodatchi.txt y los alimentos que pueden comer en el archivo comidas.txt. Notar que los dos números contiguos a un tomodatchi o alimento corresponden a la felicidad y satisfacción respectivamente:

pedrotchi;5;5
javiertchi;0;3
nicolatchi;3;0
cristophertchi;4;4
viktortchi;2;1
...

comidas.txt

sopaipa;1;2
tocomple;2;1
susushi;1;1
supapajohns;3;3
sumaruchan;1;0
...

Nota: Los archivos de ejemplo tienen más líneas.

a.- Desarrolle la función status (tomo, arch), donde tomo es un string con el nombre del tomodatchi y arch un string con el nombre del archivo de tomodatchis. La función retorna un diccionario con la felicidad y satisfacción de dicho tomodatchi. Si la felicidad o la satisfacción es cero, entonces retorna False (tomodatchi muerto). Asuma que el tomodatchi siempre existirá en el archivo. Guíese por el ejemplo.

```
>>status('pedrotchi','tomodatchi.txt')
{'feliz': 5, 'satisfecho': 5}
>>status('javiertchi','tomodatchi.txt')
False
```

b.- Desarrolle la función alimento (ali, arch) donde ali es un string con el nombre del alimento y arch un string con el nombre del archivo de alimentos. La función retorna un diccionario con la felicidad y satisfacción que tiene dicho alimento. Si no lo encuentra retorna False. Guíese por el ejemplo.

```
>>alimento('tocomple','comidas.txt')
{'feliz': 2, 'satisfecho': 1}
>>alimento('salchipapa','comidas.txt')
False
```

c.- Desarrolle la función alimentar (tomo, ali, arch1, arch2), donde tomo es el nombre del tomodatchi, ali es el nombre del alimento, arch1 es el nombre del archivo con los tomodatchis y arch2 el nombre del archivo con los alimentos. En el caso de que el tomodatchi esté vivo y que el alimento exista, la función retorna un diccionario con los datos actualizados (sumándole la cantidad de satisfacción y felicidad correspondiente al alimento). Si el tomodatchi está muerto, la función retorna un string 'x.x', exista o no el alimento. Finalmente, si el tomodatchi está vivo y el alimento no existe, la función retorna un string 'no existe alimento'. Asuma que el tomodatchi siempre existirá en el archivo. Guíese por el ejemplo:

```
>>alimentar('pedrotchi','tocomple','tomodatchi.txt','comidas.txt')
{'feliz': 7, 'satisfecho': 6}
>>alimentar('javiertchi','tocomple','tomodatchi.txt','comidas.txt')
X.X
>>alimentar('viktortchi','salchipapa','tomodatchi.txt','comidas.txt')
no existe alimento
```

Programación – Certamen 3 – Semestre 2, 2017

3. [40 %] PyLab es un laboratorio que está desarrollando vacunas para 2 tipos de enfermedades. Cada mes **algunos** pacientes son inyectados con vacunas experimentales y se mide la presencia de 3 sustancias en su cuerpo: BR1, BR2 y KR.

En un archivo (datos.txt) se guardan los resultados tras probar una nueva vacuna. La información de un paciente estará en una línea del tipo: CP;G;BR1;BR2;KR, donde CP es el código del paciente, G es el género del paciente (1: femenino, 0: masculino) y BR1, BR2 y KR son las 3 sustancias que, cuando están presentes, tienen un 1 y sino un 0. Por ejemplo la paciente JP87 solo presenta la sustancia KR. Notar que entre dos pacientes siempre hay una línea en blanco.

La probabilidad de desarrollar la enfermedad 1 está dada por:

$$Enfermedad-1 = 10 \cdot KR + 30 \cdot BR2 + 4$$

JP87;1;0;0;1

datos.txt

AY0231;0;1;1;0 DR762399;0;0;0;0

ED235;1;0;0;1

W4350;1;0;1;1

La probabilidad de desarrollar la enfermedad 2 depende del género y está dada por:

Enfermedad-2 =
$$\begin{cases} 15 \cdot BR1 + 65 \cdot BR2 + 3 & \text{si} \quad G == 1, \\ 5 \cdot BR1 + 8 \cdot BR2 + 6 & \text{si} \quad G == 0. \end{cases}$$

Por otro lado se cuenta con el archivo histórico de pacientes en el formato CP; PE1; PE2, donde CP es el código del paciente, PE1 es la probabilidad de desarrollar la enfermedad 1 y PE2 la enfermedad 2. Notar que después de cada; existe un espacio en blanco en el archivo histórico.

Escriba la función actualizar (ad, ah, ah2), donde ad es el nombre de un archivo de datos tras probar una nueva vacuna (como datos.txt), ah es el nombre de un archivo de tipo histórico (como historico.txt) y ah2 es el nombre del nuevo archivo donde se escribirá la información actualizada considerando los dos archivos anteriormente descritos (el de datos y el histórico).

historico.txt

JP87; 4%; 3% KL898989; 4%; 14% AY0231; 4%; 6% DR762399; 34%; 11% ED235; 14%; 3% W4350; 14%; 68% historico2.txt

JP87; 14%; 3% KL898989; 4%; 14% AY0231; 34%; 19% DR762399; 4%; 6% ED235; 14%; 3% W4350; 44%; 68%

Por ejemplo al ejecutar actualizar ('datos.txt','historico.txt','historico2.txt'), se generá el archivo historico2.txt como se ve en el ejemplo anterior.

El archivo ah2 será un **nuevo** archivo histórico en donde, si el paciente existía y se probó la vacuna en él, se reemplazan las probabilidades de las enfermedades según el archivo de datos (ad). Si el paciente no exisitía, lo agrega en cualquier lugar y finalmente si el paciente existía, pero no se probó la vacuna sobre él, es decir, el paciente no está en el archivo ad, lo copia directo en el archivo ah2. Guíese por el ejemplo.

Nota: Los archivos de ejemplo tienen más líneas. Recuerde que puede crear todas las funciones auxiliares que estime conveniente.

Programa	ción – Certamen 3 – Semestre 2, 2017	7	PAR	ALELO
NOMBRE		ROL		

Programa	ción – Certamen 3 – Semestre 2, 2017	7	PA	RALELO	э 🎞	
NOMBRE		ROL				