

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8	T cells CD4 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 T memory activated	T cells follicular helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Macrophages resting	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Pearson Correlation	Absolute score
MB.0316	0.027	0	0.246	0.139	0	0	0.009	0.135	0.015	0.079	0	0.119	0.011	0.011	0.263	0.096	0	0	0.064	0	0	0	0.000	0.511	1.481
MB.0658	0.063	0	0	0.163	0	0.019	0.011	0.071	0.009	0.135	0	0.083	0.042	0.272	0.285	0.16	0.016	0	0.106	0	0	0	0.000	0.482	1.437
MB.0420	0.023	0	0	0.01	0	0.079	0	0.033	0.031	0.018	0	0.011	0.041	0.288	0.071	0.440	0	0	0	0.042	0	0	0.000	0.489	1.118
MB.0157	0	0.053	0.042	0.239	0	0	0.037	0.071	0	0.039	0	0.151	0.006	0.213	0.300	0.241	0	0.004	0.04	0	0	0	0.000	0.452	1.440
MB.0292	0.013	0.013	0	0.045	0	0.008	0	0.013	0.068	0.024	0	0	0	0.413	0.044	0.308	0.031	0	0.003	0.115	0	0	0.010	0.297	1.101
MB.0401	0.009	0	0.006	0.043	0	0.114	0	0.072	0.001	0.019	0	0.074	0.036	0.253	0.097	0.144	0.002	0	0.089	0.001	0	0	0.000	0.302	1.160
MB.0372	0.001	0	0	0.176	0	0.017	0	0.114	0.046	0.054	0	0.182	0	0.019	0.056	0.32	0.122	0.034	0.059	0	0	0.005	0.040	0.213	1.206
MB.0164	0.01	0	0.008	0.067	0.01	0.024	0	0.037	0.007	0.031	0	0.02	0.071	0.344	0.024	0.117	0	0.011	0	0.154	0	0	0.000	0.487	1.270
MB.0516	0	0	0.003	0.031	0	0.064	0.01	0.066	0.004	0	0	0.08	0.095	0.127	0.128	0.314	0.013	0.1	0	0.073	0	0.009	0.000	0.317	1.117
MB.0494	0	0	0.077	0.09	0	0.039	0.025	0.01	0	0	0	0.058	0.048	0.089	0.159	0.301	0	0	0.005	0.02	0	0	0.000	0.426	1.372
MB.0400	0.006	0	0.014	0.042	0	0.009	0	0.056	0	0.069	0	0.075	0	0.1	0.135	0.360	0.004	0	0	0.062	0	0	0.000	0.359	1.142
MB.0581	0.071	0	0.17	0	0	0.069	0	0.1	0.027	0.007	0	0.059	0	0.216	0.052	0.101	0	0.03	0	0.126	0	0.011	0.050	0.160	1.040
MB.0664	0	0.018	0	0.042	0	0.072	0	0.115	0	0.006	0	0.057	0	0.407	0.079	0.209	0	0.05	0	0.078	0	0	0.010	0.267	1.143
MB.0446	0	0	0.029	0.008	0	0.077	0	0.054	0	0.021	0	0.081	0.25	0.275	0.202	0.173	0	0	0.036	0	0	0	0.000	0.401	1.206
MB.0115	0.03	0	0.036	0	0	0.052	0.021	0.123	0	0.125	0	0.076	0	0.313	0.233	0.015	0	0	0	0	0	0	0.000	0.411	1.206
MB.0354	0.055	0	0.025	0.179	0	0	0.112	0.174	0	0.282	0	0.107	0.014	0.178	0.202	0.178	0.009	0	0.276	0	0	0	0.000	0.537	1.789
MB.0481	0.003	0	0	0.161	0	0.025	0	0.173	0.009	0.107	0	0.116	0.015	0.111	0.173	0.233	0.059	0	0	0.024	0	0	0.010	0.285	1.208
MB.0238	0.045	0	0.113	0.047	0.059	0	0.016	0.174	0.007	0.103	0.009	0.029	0.074	0.159	0.239	0.188	0.006	0	0.127	0	0	0	0.000	0.438	1.451
MB.0525	0	0	0.029	0	0	0.069	0	0.106	0	0	0.017	0.016	0	0.303	0.039	0.229	0.007	0	0.152	0.071	0	0	0.050	0.174	1.087
MB.0869	0.021	0	0	0.059	0	0.003	0.095	0.147	0	0.082	0	0.04	0	0.304	0.184	0.135	0.023	0	0	0.025	0	0.012	0.000	0.377	1.188
MB.4622	0.023	0	0.073	0	0	0.04	0.047	0.057	0.024	0.246	0	0.082	0.027	0.407	0.156	0.073	0	0	0.045	0	0	0	0.010	0.301	1.381
MB.4717	0.034	0	0	0.054	0	0	0	0.05	0.07	0	0	0.096	0	0.303	0.043	0.181	0	0	0	0.106	0	0.003	0.050	0.203	1.042
MB.4757	0.011	0	0.036	0.032	0.047	0.094	0	0.126	0.011	0.035	0	0.087	0.027	0.153	0.238	0.245	0.005	0	0.089	0	0	0	0.030	0.238	1.237
MB.4715	0	0	0.03	0.085	0	0	0.014	0.151	0.033	0.046	0	0.061	0	0.303	0.224	0.171	0.015	0	0	0.013	0	0	0.000	0.327	1.195
MB.5281	0	0	0.025	0	0	0.081	0	0.077	0.043	0	0	0.033	0	0.1	0.053	0.188	0	0	0.05	0.007	0	0	0.050	0.175	1.031
MB.5323	0.047	0.064	0.016	0.131	0.102	0.116	0	0.11	0.041	0.094	0	0.167	0.071	0.258	0.195	0.131	0	0	0.109	0	0	0	0.000	0.565	1.650
MB.4911	0.044	0	0.083	0.074	0	0	0	0.096	0.012	0	0	0.116	0.016	0.156	0.133	0.175	0	0	0	0.265	0	0.005	0.050	0.174	1.174
MB.4888	0.062	0	0.14	0.069	0	0.102	0	0.052	0	0.021	0	0	0.011	0.310	0.174	0.129	0.018	0	0.032	0	0	0	0.000	0.587	1.323
MB.4945	0.01	0	0.093	0.091	0.029	0.132	0	0.097	0.022	0.032	0	0.019	0.017	0.313	0.163	0.085	0.094	0	0.063	0	0	0	0.010	0.281	1.186
MB.5072	0	0.047	0	0.062	0	0.153	0	0.011	0	0	0	0.072	0.017	0.19	0.057	0.274	0.016	0	0.149	0	0	0	0.060	0.137	1.048
MB.5115	0.03	0	0.029	0	0.059	0.003	0	0.11	0.042	0.044	0.057	0	0.023	0.301	0.257	0.136	0	0	0.029	0	0	0	0.000	0.309	1.169
MB.4733	0.148	0	0	0.228	0	0.025	0.061	0.155	0.022	0	0	0.104	0.023	0.223	0.205	0.203	0	0	0.125	0	0	0	0.000	0.533	1.520
MB.4758	0.066	0	0.013	0.038	0	0.006	0	0.083	0.005	0	0.024	0	0	0.401	0.013	0.205	0	0.03	0	0.071	0	0.007	0.000	0.369	0.969
MB.4732	0	0	0.071	0.189	0	0	0.007	0.1	0.002	0.008	0	0.13	0.05	0.259	0.235	0.136	0.012	0.003	0.017	0	0	0	0.000	0.446	1.219
MB.5236	0.149	0	0.047	0.119	0.225	0	0	0.101	0.021	0	0.055	0.025	0.019	0.223	0.121	0.115	0	0	0.014	0	0	0	0.010	0.293	1.336
MB.4993	0.013	0	0.024	0	0.048	0	0	0.08	0.027	0.035	0.009	0.025	0.019	0.303	0.087	0.193	0	0	0.068	0	0	0	0.010	0.262	1.174
MB.5232	0.006	0	0.03	0.147	0	0.103	0	0.175	0.077	0.073	0	0.034	0.046	0.227	0.187	0.123	0.016	0	0.039	0	0	0	0.000	0.317	1.263
MB.5126	0.111	0	0.017	0.073	0.12	0.054	0	0.05	0.095	0.074	0	0.086	0	0.275	0.186	0.134	0	0	0.034	0	0	0	0.000	0.386	1.309
MB.4938	0.006	0	0.024	0.015	0	0.172	0	0.045	0.031	0	0.003	0.027	0.03	0.303	0.065	0.211	0.002	0	0	0.121	0	0	0.080	0.116	1.117
MB.5070	0	0	0.401	0.01	0	0.137	0.005	0.088	0	0.06	0	0.041	0	0.15	0.141	0.193	0.007	0	0.019	0	0	0	0.000	0.480	1.331
MB.5138	0.079	0	0.109	0.085	0.062	0	0.038	0.114	0.003	0.017	0	0.119	0	0.272	0.225	0.107	0	0	0.13	0	0	0	0.000	0.382	1.427
MB.5258	0.005	0	0	0.03	0	0.07	0	0.016	0.002	0	0.013	0.009	0.013	0.313	0.113	0.098	0	0	0	0.071	0	0	0.000	0.658	1.070
MB.5421	0.029	0	0	0	0.097	0	0	0.102	0.029	0.041	0	0.022	0.002	0.303	0.107	0.117	0.016	0.006	0.038	0	0	0	0.070	0.133	1.133
MB.5348	0.008	0.01	0.078	0.066	0.011	0	0	0.139	0.048	0.103	0	0.168	0	0.308	0.186	0.096	0	0	0.043	0	0	0	0.000	0.456	1.351
MB.5100	0.026	0.015	0	0.137	0.124	0.111	0.043	0.145	0.001	0	0	0.116	0.021	0.155	0.180	0.109	0	0	0.133	0	0	0	0.000	0.613	1.517
MB.5446	0.008	0	0.026	0	0	0.16	0	0.058	0.063	0	0	0.061	0	0.303	0.115	0.178	0	0	0.044	0.017	0	0	0.040	0.215	1.095
MB.5427	0.152	0	0.017	0.162	0	0	0	0.126	0.012	0	0	0.304	0	0.301	0.093	0.05	0	0	0.008	0	0	0.002	0.110	0.110	0.997
MB.5209	0	0.017	0.258	0.251	0	0	0.111	0.139	0.092	0.041	0	0.1	0.019	0.268	0.079	0.008	0	0	0.003	0.002	0	0	0.000	0.343	1.388
MB.5231	0.063	0	0.004	0.227	0	0.127	0.063	0.084	0	0.08	0	0.027	0.068	0.171	0.218	0.179	0	0	0.165	0	0	0	0.000	0.514	1.476
MB.5616	0	0.004	0.197	0.136	0.045	0.033	0	0.187	0	0	0	0.197	0.047	0.223	0.212	0.108	0	0.011	0.034	0	0	0	0.000	0.467	1.434
MB.5602	0.011	0.031	0.066	0.098	0.071	0.017	0	0.017	0.044	0.125	0	0.139	0.004	0.27	0.224	0.15	0.043	0	0.117	0	0	0	0.000	0.435	1.428
MB.5634	0.016	0	0.213	0.04	0.011	0.04	0.009	0.05	0.031	0.012	0	0.092	0.007	0.31	0.158	0.074	0	0	0.069	0	0	0	0.000	0.543	1.373
MB.5548	0.057	0	0.001	0.021	0.121	0.033	0	0.092	0	0.055	0	0.063	0.032	0.16	0.311	0.247	0.014	0	0.074	0	0	0	0.000	0.442	1.287
MB.5526	0.102	0	0.																						

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 memory activated	T cells CD4 T helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Pearson Correlation	Absolute score		
MB_7145	0	0.007	0.012	0.03	0	0.025	0.002	0.056	0.096	0	0.034	0.056	0.254	0.1	0.246	0	0	0.017	0	0	0.050	0.183	1.091		
MB_7155	0.001	0.012	0.027	0.067	0	0.096	0.069	0.204	0.003	0.07	0	0.124	0.002	0.085	0.211	0.138	0.008	0.011	0.119	0	0.040	0.219	1.248		
MB_3218	0.023	0	0.026	0.005	0	0.232	0.006	0.072	0	0.213	0	0.095	0.021	0.035	0.228	0.287	0.025	0	0.075	0	0.000	0.458	1.343		
MB_7270	0	0.012	0.016	0	0.054	0.14	0.006	0.147	0.023	0.182	0	0.055	0.098	0.053	0.237	0.129	0.008	0.01	0.106	0	0.010	0.271	1.276		
MB_7008	0	0	0.004	0.113	0	0.123	0	0.000	0.006	0.037	0	0.094	0.043	0.022	0.124	0.153	0.071	0	0.122	0	0.010	0.296	1.214		
MB_7009	0	0	0.007	0.023	0	0.134	0.004	0.068	0.022	0.023	0	0.027	0.04	0.047	0.083	0.215	0.019	0	0.144	0.019	0.030	0.226	1.177		
MB_3153	0.019	0	0.027	0	0.03	0	0.023	0.261	0.009	0.082	0	0.008	0	0.289	0.238	0.096	0	0.018	0.101	0	0.000	0.342	1.197		
MB_3211	0.013	0	0.132	0.092	0	0	0	0.198	0.042	0.056	0	0.191	0.048	0.123	0.162	0.151	0.008	0	0.033	0	0.010	0.262	1.250		
MB_7081	0	0.011	0.151	0.116	0	0.088	0.103	0.055	0.012	0.118	0	0.191	0.07	0.206	0.264	0.229	0.007	0	0.099	0	0.000	0.442	1.719		
MB_7055	0.035	0	0	0.000	0	0.102	0	0.133	0	0.000	0.02	0	0	0.041	0.052	0.165	0	0	0.004	0	0.000	0.494	0.956		
MB_7121	0.025	0	0.245	0.097	0.021	0.238	0.026	0.147	0	0.104	0	0.078	0.057	0.215	0.243	0.087	0.007	0	0.067	0	0.000	0.548	1.658		
MB_7158	0.014	0	0.000	0.062	0.008	0.058	0	0.161	0	0.031	0	0.089	0.023	0.000	0.148	0.094	0	0	0.035	0	0.000	0.584	1.613		
MB_7258	0	0	0.002	0.21	0	0	0	0.166	0.078	0	0.11	0	0.141	0.101	0.157	0.007	0	0.042	0	0	0.060	0.138	1.014		
MB_2993	0.028	0.003	0.017	0.091	0.007	0.079	0.011	0.144	0	0.047	0.094	0	0.002	0.175	0.202	0.277	0.02	0	0.122	0	0.000	0.351	1.318		
MB_2904	0.027	0	0.092	0.217	0	0	0.048	0.083	0.014	0	0	0.15	0.005	0.221	0.134	0.249	0.023	0.001	0.104	0	0.000	0.413	1.370		
MB_7154	0	0	0.017	0.000	0	0	0.081	0.17	0	0.026	0	0.123	0	0.025	0.100	0.039	0.003	0	0.088	0	0.000	0.511	1.245		
MB_7165	0.057	0	0.075	0.023	0	0.033	0.033	0.031	0	0.016	0.03	0.037	0.01	0.200	0.133	0.068	0	0.13	0.047	0	0.030	0.236	1.214		
MB_2850	0.01	0	0.064	0.127	0	0.174	0	0.233	0	0.113	0	0.123	0.006	0.200	0.204	0.133	0.035	0	0.048	0	0.000	0.514	1.680		
MB_7052	0.029	0	0.062	0.013	0	0.173	0.022	0.22	0.029	0.07	0	0.099	0	0.243	0.22	0.17	0.069	0.006	0.023	0	0.000	0.369	1.447		
MB_7090	0.052	0	0.118	0.041	0	0	0.035	0.156	0	0.019	0	0.023	0	0.000	0.072	0.139	0	0.013	0.05	0	0.006	0.270	0.603	1.035	
MB_7087	0	0.003	0.011	0.048	0	0	0.06	0.165	0	0	0.006	0.168	0.077	0.134	0.234	0.147	0	0.019	0.079	0	0.000	0.307	1.149		
MB_7025	0.001	0.022	0	0.079	0	0.274	0	0	0.039	0.027	0.004	0.062	0.055	0.113	0.165	0.113	0	0	0.112	0	0.000	0.590	1.575		
MB_7036	0.001	0	0.022	0.128	0	0	0.02	0.172	0.018	0.07	0	0.101	0.034	0.278	0.17	0.149	0	0.118	0	0	0.000	0.359	1.281		
MB_4769	0.019	0	0	0.077	0	0	0	0.137	0.015	0.012	0	0.046	0.027	0.000	0.156	0.121	0	0	0.003	0	0.000	0.482	1.083		
MB_4793	0.049	0	0.013	0.028	0	0	0.02	0.201	0.023	0.039	0.015	0.042	0.115	0.218	0.100	0.116	0	0	0.026	0	0.000	0.313	1.205		
MB_4679	0.031	0	0.000	0.171	0	0	0.25	0.187	0.034	0	0.022	0.1	0	0.277	0.153	0.033	0	0.001	0.124	0	0.014	0.000	0.375	1.396	
MB_4660	0.054	0	0.036	0.147	0	0	0	0.161	0.078	0	0	0.073	0.013	0.221	0.17	0.000	0.007	0	0.085	0	0.080	0.119	1.048		
MB_6248	0.017	0	0.213	0	0	0.12	0	0.09	0	0.094	0	0.075	0.101	0.224	0.118	0.107	0	0	0.031	0	0.000	0.367	1.299		
MB_6280	0.013	0	0.052	0.01	0.003	0.007	0	0.099	0.022	0.026	0	0.029	0.078	0.403	0.195	0.241	0	0	0.014	0	0.000	0.344	1.223		
MB_6098	0	0	0.02	0.097	0.062	0	0	0.008	0	0	0.028	0.011	0.017	0.404	0.236	0.13	0	0	0	0.051	0.000	0.348	1.094		
MB_4974	0.01	0	0.025	0.107	0	0	0.025	0.077	0.032	0.126	0	0.156	0.05	0.000	0.154	0.175	0	0	0.035	0	0.000	0.467	1.360		
MB_4696	0.01	0	0.082	0.025	0	0.051	0	0.072	0.024	0.088	0	0.009	0	0.200	0.109	0.091	0.034	0	0.024	0	0.000	0.462	1.198		
MB_4881	0.092	0	0.042	0.000	0	0	0.024	0.138	0.018	0	0	0.028	0	0.263	0.187	0.073	0.011	0	0.029	0	0.050	0.175	1.187		
MB_4865	0.015	0	0.231	0.169	0	0	0.008	0.137	0.011	0	0.03	0.036	0	0.000	0.106	0.187	0	0	0.022	0	0.000	0.526	1.292		
MB_4416	0.021	0	0.068	0.225	0.003	0	0.077	0.159	0.079	0.02	0.018	0.024	0	0.400	0.15	0.138	0	0	0.052	0	0.000	0.400	1.380		
MB_4407	0	0.003	0.002	0	0	0	0.078	0.054	0.111	0.037	0.01	0.001	0	0.000	0.028	0.074	0	0.03	0.057	0	0.000	0.351	1.032		
MB_4621	0.002	0	0.009	0	0	0.134	0	0.047	0.051	0.017	0.081	0.078	0	0.203	0.023	0.205	0	0	0.03	0	0.006	0.000	0.431	1.010	
MB_4983	0.06	0	0	0.255	0.037	0.011	0.054	0.088	0.035	0.112	0	0.032	0.054	0.000	0.228	0.19	0	0	0.088	0	0.000	0.608	1.536		
MB_4792	0.000	0	0.003	0.028	0	0	0	0.16	0.057	0.02	0	0.046	0	0.000	0.086	0.199	0	0	0	0.019	0	0.003	0.000	0.665	1.077
MB_5008	0.089	0	0.015	0.042	0	0	0.015	0.141	0.033	0	0.066	0.025	0	0.166	0.16	0.092	0.003	0	0.197	0	0	0.560	0.010	1.042	
MB_5295	0.017	0	0.018	0.132	0	0	0	0.134	0.047	0	0.033	0	0.023	0.000	0.18	0.137	0.007	0	0.026	0	0.001	0.180	0.095	1.093	
MB_6058	0.017	0	0.085	0.204	0	0	0.068	0.079	0	0.056	0	0.047	0.000	0.197	0.100	0.135	0.06	0	0.09	0	0.000	0.461	1.344		
MB_6052	0.033	0	0.102	0.111	0	0.237	0	0	0	0.171	0	0.053	0	0.2	0.19	0.084	0	0	0.211	0	0.000	0.428	1.392		
MB_5335	0.008	0	0	0.037	0	0.087	0	0.094	0.086	0.019	0	0.049	0.08	0.000	0.136	0.057	0.018	0	0	0.078	0	0.190	0.090	1.039	
MB_5135	0.019	0	0	0.006	0	0.057	0	0.099	0.000	0.01	0.063	0	0	0.000	0.068	0.099	0	0	0.188	0	0.190	0.091	0.995		
MB_5057	0.029	0	0.014	0.126	0	0.125	0	0.074	0	0.033	0	0.008	0.017	0.000	0.18	0.123	0	0	0.014	0	0.000	0.363	1.241		
MB_5102	0.014	0	0.041	0.009	0	0	0.019	0.233	0.012	0.068	0	0.072	0	0.25	0.158	0.242	0	0	0.019	0	0.010	0.255	1.137		
MB_6272	0.07	0	0.001	0.022	0	0.06	0.018	0.11	0.004	0.012	0	0.133	0	0.259	0.103	0.111	0	0	0.126	0	0.000	0.434	1.276		
MB_6245	0.049	0.006	0	0	0.15	0.083	0	0.075	0.112	0.08	0.005	0	0	0.100	0.236	0.007	0	0	0	0.015	0	0.000	0.407	1.172	
MB_4303	0.005	0	0.022	0.203	0	0	0.035	0.162	0.111	0	0.035	0.02	0	0.20	0.14	0.059	0	0.009	0.052	0	0.000	0.358	1.143		
MB_6336	0.057	0	0.036	0.183	0.054	0	0.01	0.191	0.025	0	0.005	0.079	0	0.267	0.100	0.05	0	0	0.028	0	0.000	0.496	1.317		
MB_5208	0.066	0	0.009	0.041	0	0.086	0	0.054	0.057	0.088	0	0.055	0	0.100	0.196	0.19	0	0	0.01	0	0.000	0.414	1.171		
MB_5440	0.014	0	0.009	0.107	0	0	0.132	0.109	0.044	0.08	0	0.186	0.033	0.000	0.226	0.126	0	0	0.044	0	0.000	0.453	1.398		
MB_5346	0	0	0.031	0.08	0	0	0.117	0.157	0	0.031	0	0.06	0	0.000	0.146	0.121	0	0	0.03	0	0.130	0.108	1.115		
MB_6178	0.055	0	0.215	0.101	0	0.066	0.012	0.136	0	0.011	0.024	0	0.008	0.228	0.274	0.095	0.006	0	0	0	0.000	0.550	1.230		
MB_4417	0.028	0	0	0	0	0.007	0.103	0.177	0.034	0.111	0	0.06	0	0.100	0.176	0.065	0.013	0.017	0.087	0	0.010	0.258	1.237		
MB_4332	0	0	0.052</																						

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8	T cells CD4 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 memory activated	T cells CD4 memory follicular helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes	Macrophages M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Pearson Correlation	Absolute score
MB 5547	0	0.011	0.007	0.021	0	0	0.009	0.188	0.024	0.059	0.038	0	0	0.408	0.094	0.078	0	0	0.023	0	0	0	0.280	0.061	1.020
MB 5465	0.091	0	0.018	0.025	0	0.081	0	0.084	0	0.043	0	0.042	0.004	0.331	0.202	0.128	0.023	0	0.029	0	0	0	0.040	0.212	1.111