

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8 naive	T cells CD4 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 T memory activated	T cells CD4 T follicular helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Pearson Correlation	Absolute score	
MB.0316	0.027	0	0.245	0.14	0	0.006	0.013	0.075	0.006	0.139	0	0.087	0.042	0.278	0.287	0.159	0.017	0	0.107	0	0	0.000	0.531	1.487	
MB.0658	0.064	0	0	0.174	0	0.006	0.013	0.075	0.006	0.139	0	0.087	0.042	0.288	0.287	0.159	0.017	0	0.107	0	0	0.000	0.479	1.455	
MB.0420	0.023	0	0	0.007	0	0.078	0	0.036	0.031	0.017	0	0.006	0.042	0.288	0.072	0.471	0	0	0.044	0	0	0.000	0.494	1.121	
MB.0157	0	0.057	0.042	0.243	0	0	0.036	0.07	0	0.039	0	0.152	0.008	0.216	0.303	0.24	0	0.004	0.04	0	0	0.000	0.473	1.449	
MB.0292	0	0.013	0.006	0.021	0	0.066	0	0.043	0.001	0.011	0.003	0	0	0.4	0.054	0.351	0.03	0	0.013	0.079	0	0.006	0.318	1.097	
MB.0401	0.008	0	0.006	0.043	0	0.113	0	0.072	0	0.018	0	0.073	0.036	0.253	0.098	0.148	0.002	0	0.09	0	0	0.006	0.311	1.159	
MB.0372	0.001	0	0	0.177	0	0.013	0	0.114	0.044	0.057	0	0.18	0	0.017	0.056	0.119	0.122	0.034	0.059	0	0.006	0.029	0.199	1.200	
MB.0164	0.01	0	0.008	0.066	0.012	0.024	0	0.035	0.006	0.033	0	0.022	0.073	0.243	0.024	0.105	0	0.011	0	0.15	0	0.000	0.489	1.263	
MB.0516	0	0	0.003	0.031	0	0.059	0.009	0.066	0.002	0	0	0.077	0.094	0.125	0.124	0.114	0.012	0.102	0	0.076	0	0.009	0.006	0.314	1.104
MB.0494	0	0	0.078	0.094	0	0.038	0.031	0.01	0	0	0	0.058	0.051	0.207	0.161	0.400	0	0.023	0	0	0	0.001	0.449	1.379	
MB.0400	0	0.009	0	0.009	0	0.087	0.012	0.049	0	0.072	0	0.016	0.014	0.302	0.144	0.241	0.014	0	0	0.081	0	0.003	0.367	1.139	
MB.0581	0.069	0	0.167	0.028	0	0.071	0	0.097	0.005	0	0	0.068	0	0.211	0.052	0.112	0	0.028	0	0.116	0	0.012	0.053	0.158	1.036
MB.0664	0	0.02	0	0.042	0	0.071	0	0.117	0	0.004	0	0.057	0	0.211	0.077	0.207	0	0.053	0	0.077	0	0.009	0.283	1.140	
MB.0446	0	0	0.029	0.005	0	0.079	0	0.054	0	0.021	0	0.084	0.247	0.27	0.201	0.174	0	0.04	0	0	0	0.002	0.405	1.203	
MB.0315	0.029	0	0.036	0	0	0.055	0.021	0.121	0	0.125	0	0.079	0	0.219	0.239	0.018	0	0.094	0	0	0	0.001	0.422	1.205	
MB.0354	0.058	0	0.026	0.177	0	0	0.118	0.172	0	0.099	0	0.096	0.012	0.178	0.204	0.176	0.008	0	0.209	0	0	0.000	0.552	1.791	
MB.0481	0.005	0	0	0.158	0	0.03	0	0.174	0.011	0.103	0	0.117	0.015	0.115	0.178	0.227	0.059	0	0.022	0	0	0.009	0.281	1.215	
MB.0238	0.044	0	0.114	0.053	0.058	0	0.013	0.178	0.007	0.11	0.002	0.031	0.082	0.155	0.236	0.191	0.006	0	0.13	0	0	0.001	0.435	1.472	
MB.0525	0	0	0.03	0	0	0.076	0	0.104	0	0	0.017	0.019	0	0.307	0.038	0.228	0.007	0	0.154	0.067	0	0.036	0.180	1.086	
MB.0869	0.021	0	0	0.058	0	0.003	0.096	0.146	0	0.083	0	0.041	0	0.203	0.184	0.137	0.023	0	0.026	0	0.012	0.002	0.372	1.196	
MB.4622	0.024	0	0.072	0	0	0.04	0.047	0.053	0.027	0.251	0	0.084	0.026	0.201	0.155	0.074	0	0.049	0	0	0	0.008	0.289	1.394	
MB.4717	0.038	0	0	0.056	0	0	0	0.05	0.068	0	0	0.095	0	0.219	0.209	0.041	0.178	0	0	0.108	0	0.003	0.029	0.200	1.035
MB.4757	0.011	0	0.036	0.029	0.048	0.095	0	0.128	0.011	0.035	0	0.085	0.027	0.152	0.238	0.243	0.004	0	0.088	0	0	0.013	0.238	1.228	
MB.4715	0	0	0.03	0.095	0	0	0.022	0.155	0.03	0.041	0	0.056	0	0.203	0.221	0.167	0.015	0	0	0.012	0	0.006	0.311	1.203	
MB.5281	0	0	0.028	0	0	0.076	0	0.091	0.044	0	0	0.093	0	0.403	0.054	0.186	0	0.05	0.009	0	0	0.041	0.175	1.033	
MB.5323	0.07	0.038	0.054	0.141	0.019	0.083	0	0.184	0.005	0	0	0.146	0.052	0.273	0.17	0.146	0.007	0	0.065	0	0	0.000	0.566	1.657	
MB.4911	0.043	0	0.083	0.072	0	0	0	0.095	0.012	0	0	0.114	0.016	0.157	0.133	0.18	0	0	0.256	0	0.005	0.042	0.170	1.168	
MB.4888	0.062	0	0.14	0.078	0	0.092	0	0.052	0	0.012	0.01	0	0.013	0.219	0.176	0.128	0.018	0	0.032	0	0	0.000	0.587	1.321	
MB.4945	0.006	0	0.093	0.093	0.042	0.129	0	0.097	0.022	0.03	0	0.019	0.018	0.219	0.161	0.087	0.005	0	0.063	0	0	0.009	0.279	1.195	
MB.5072	0.008	0	0	0.041	0	0.137	0	0.02	0	0.058	0	0.057	0	0.158	0.069	0.239	0.028	0	0.135	0	0.004	0.061	0.146	1.051	
MB.5115	0.03	0	0.029	0	0.057	0.006	0	0.106	0.044	0.043	0.057	0	0.026	0.203	0.256	0.135	0	0.029	0	0	0	0.006	0.305	1.166	
MB.4733	0.154	0	0	0.236	0	0.018	0.059	0.156	0.014	0	0	0.106	0.023	0.224	0.204	0.203	0	0.126	0	0	0	0.000	0.539	1.524	
MB.4758	0.065	0	0.012	0.036	0	0.005	0	0.084	0.005	0	0.024	0	0	0.413	0.013	0.203	0	0.029	0	0.071	0	0.006	0.003	0.364	0.967
MB.4732	0	0	0.071	0.187	0	0	0.009	0.101	0.002	0.014	0	0.125	0.056	0.257	0.234	0.135	0.012	0.003	0.014	0	0	0.001	0.451	1.222	
MB.5236	0.148	0	0.046	0.123	0.237	0	0	0.107	0.022	0	0.054	0.027	0.02	0.22	0.121	0.115	0	0.014	0	0	0	0.007	0.292	1.338	
MB.4993	0.013	0	0.024	0	0	0.045	0	0.081	0.028	0.036	0.01	0.025	0.034	0.044	0.088	0.183	0	0	0.07	0	0	0.010	0.274	1.174	
MB.5232	0.006	0	0.029	0.145	0	0.101	0	0.174	0.086	0.084	0	0.034	0.044	0.224	0.187	0.127	0.016	0	0.038	0	0	0.006	0.314	1.277	
MB.5126	0.116	0	0.017	0.073	0.114	0.045	0	0.069	0.091	0.076	0	0.083	0	0.271	0.182	0.129	0	0.034	0	0	0	0.003	0.355	1.300	
MB.4938	0.008	0	0.024	0.016	0	0.172	0	0.046	0.031	0	0.002	0.025	0.03	0.303	0.065	0.209	0.002	0	0.124	0	0	0.094	0.115	1.116	
MB.5070	0	0	0.141	0.015	0	0.131	0.004	0.088	0	0.062	0	0.047	0	0.151	0.142	0.192	0.007	0	0.022	0	0	0.000	0.484	1.345	
MB.5138	0.08	0	0.111	0.085	0.061	0	0.045	0.115	0.008	0.021	0	0.109	0	0.272	0.222	0.104	0	0.021	0.127	0	0	0.002	0.400	1.435	
MB.5258	0.005	0	0.003	0.029	0	0.07	0	0.016	0.002	0	0.012	0.008	0.011	0.151	0.109	0.098	0	0	0.072	0	0	0.000	0.642	1.062	
MB.5421	0.031	0	0	0	0	0.094	0	0.102	0.028	0.04	0	0.024	0.002	0.219	0.108	0.117	0.016	0.003	0.039	0	0	0.117	0.102	1.135	
MB.5348	0.005	0.013	0.078	0.066	0.011	0	0	0.14	0.049	0.102	0	0.169	0	0.288	0.186	0.094	0	0.043	0	0	0	0.001	0.458	1.352	
MB.5100	0.022	0.011	0	0.137	0.137	0.102	0.046	0.145	0.002	0	0	0.123	0.021	0.152	0.173	0.107	0	0.041	0	0	0	0.000	0.603	1.520	
MB.5446	0.007	0	0.025	0	0	0.161	0	0.057	0.065	0	0	0.058	0	0.303	0.114	0.178	0	0.043	0.019	0	0	0.023	0.217	1.092	
MB.5427	0.151	0	0.017	0.162	0	0	0	0.126	0.012	0	0	0.004	0	0.203	0.091	0.051	0	0.007	0	0	0.002	0.103	0.109	0.992	
MB.5209	0	0.018	0.26	0.248	0	0	0.116	0.138	0.097	0.038	0	0.096	0.019	0.204	0.08	0.007	0	0.004	0.001	0	0	0.004	0.336	1.408	
MB.5231	0.061	0	0.004	0.231	0	0.131	0.059	0.087	0	0.067	0	0.032	0.069	0.166	0.212	0.176	0	0.162	0	0	0	0.000	0.511	1.457	
MB.5616	0	0.007	0.196	0.136	0.048	0.027	0	0.186	0	0	0	0.198	0.046	0.224	0.211	0.108	0	0.011	0.033	0	0	0.000	0.476	1.430	
MB.5602	0.004	0.039	0.063	0.098	0.078	0.006	0	0.013	0.044	0.126	0	0.138	0.003	0.259	0.221	0.161	0.043	0	0.116	0	0	0.001	0.424	1.414	
MB.5634	0.027	0	0.137	0.041	0.007	0.044	0.009	0.042	0.035	0.011	0	0.092	0.008	0.401	0.154	0.072	0	0.068	0	0	0	0.000	0.540	1.371	
MB.5548	0.05	0	0	0.021	0.126	0.027	0	0.096	0	0.058	0	0.055	0.03	0.156	0.113	0.259	0.014	0	0.066	0	0	0.001	0.434	1.270	
MB.5526	0.102	0	0.141	0.04	0	0.174	0.038	0.134	0	0.102	0	0.073	0	0.221	0.208	0.083	0.048	0	0.034	0	0	0.003	0.356	1.397	
MB.5531	0.003	0.011	0.073	0.065	0.012																				

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8 naive	T cells CD4 memory resting	CD4 T cells memory activated	T cells CD4 T cells follicular helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Macrophages resting	Dendritic cells activated	Dendritic cells resting	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Pearson Correlation	Absolute score	
MB_7145	0	0.007	0.012	0.035	0	0.026	0	0.055	0.093	0.054	0	0.039	0.055	0.251	0.1	0.244	0	0	0.019	0	0	0	0.045	0.166	1.090
MB_7155	0.002	0.012	0.027	0.061	0	0.097	0.069	0.202	0.004	0.074	0	0.124	0.001	0.09	0.216	0.128	0.011	0.007	0.115	0	0	0	0.023	0.207	1.240
MB_3218	0.023	0	0.025	0.001	0	0.231	0.002	0.074	0	0.211	0	0.097	0.022	0.037	0.23	0.281	0.032	0	0.075	0	0	0	0.001	0.459	1.341
MB_7270	0	0.012	0.016	0	0.061	0.135	0.009	0.151	0.023	0.187	0	0.046	0.098	0.053	0.242	0.128	0.008	0.008	0.106	0	0	0	0.013	0.238	1.283
MB_7008	0	0	0.002	0.113	0	0.122	0	0.003	0.008	0.036	0	0.09	0.044	0.024	0.126	0.131	0.072	0	0.122	0	0	0	0.007	0.303	1.211
MB_7009	0	0	0.007	0.023	0	0.136	0.004	0.069	0.023	0.021	0	0.028	0.041	0.14	0.083	0.214	0.019	0	0.143	0.021	0	0	0.025	0.204	1.170
MB_3153	0.02	0	0.027	0	0.008	0	0.032	0.18	0.009	0.083	0.006	0	0	0.285	0.251	0.097	0	0.018	0.099	0	0	0	0.003	0.359	1.215
MB_3211	0.014	0	0.126	0.09	0	0	0.205	0.042	0.053	0	0.19	0.044	0.12	0.156	0.149	0.009	0	0.047	0	0	0	0	0.010	0.258	1.244
MB_7081	0	0.009	0.15	0.111	0	0.091	0.106	0.053	0.012	0.126	0	0.19	0.068	0.205	0.263	0.232	0.006	0	0.104	0	0	0	0.000	0.490	1.725
MB_7055	0.032	0	0.001	0.005	0	0.093	0	0.138	0	0.008	0.018	0	0	0.411	0.057	0.165	0	0	0.003	0.001	0	0	0.000	0.492	0.958
MB_7121	0.026	0	0.246	0.097	0.02	0.241	0.028	0.15	0	0.108	0	0.078	0.054	0.216	0.243	0.091	0.007	0	0.067	0	0	0	0.000	0.542	1.674
MB_7158	0.015	0	0.006	0.065	0.009	0.057	0	0.166	0	0.032	0	0.086	0.016	0.203	0.154	0.102	0	0	0.031	0	0	0	0.000	0.590	1.620
MB_7258	0	0	0.001	0.209	0	0	0	0.165	0.079	0	0	0.108	0	0	0.142	0.102	0.161	0.007	0	0.041	0	0	0.072	0.137	1.017
MB_2993	0.028	0.003	0.016	0.09	0.007	0.078	0.013	0.143	0	0.048	0.094	0	0.011	0.174	0.2	0.276	0.021	0	0.119	0	0	0	0.004	0.337	1.320
MB_2904	0.026	0	0.093	0.221	0	0	0.046	0.08	0.017	0	0	0.153	0.005	0.224	0.136	0.252	0.024	0.001	0.106	0	0	0	0.001	0.410	1.384
MB_7154	0	0	0.017	0.001	0	0	0.082	0.169	0	0.027	0	0.122	0	0.026	0.153	0.038	0.003	0	0.089	0	0	0	0.000	0.513	1.246
MB_7165	0.067	0	0.073	0.021	0	0.012	0.04	0.184	0	0.02	0.027	0.037	0.012	0.203	0.131	0.069	0	0.133	0.05	0	0	0	0.021	0.219	1.204
MB_2850	0.009	0	0.064	0.137	0	0.171	0	0.235	0	0.111	0	0.132	0.005	0.101	0.225	0.135	0.034	0	0.039	0	0	0	0.000	0.526	1.696
MB_7052	0.086	0	0.021	0.109	0	0.011	0.1	0.159	0.035	0.127	0	0.073	0.043	0.222	0.197	0.144	0	0	0.12	0	0	0	0.003	0.352	1.447
MB_7090	0.06	0	0.117	0.049	0	0	0.034	0.154	0	0.015	0	0.025	0	0.088	0.072	0.136	0	0.012	0.049	0	0	0.007	0.256	0.063	1.038
MB_7087	0	0.004	0.011	0.044	0	0	0.058	0.16	0	0	0.007	0.169	0.075	0.131	0.234	0.15	0	0.019	0.077	0	0	0	0.006	0.317	1.138
MB_7025	0.005	0.018	0	0.076	0	0.271	0	0	0.041	0.029	0.002	0.062	0.054	0.113	0.164	0.121	0	0	0.111	0	0	0	0.000	0.595	1.573
MB_7036	0	0	0.022	0.127	0	0	0.02	0.173	0.019	0.07	0	0.101	0.034	0.278	0.167	0.148	0	0.123	0	0	0	0	0.003	0.367	1.284
MB_4769	0.01	0	0	0.075	0	0	0	0.14	0.014	0.015	0	0.047	0.028	0.171	0.159	0.12	0	0	0.002	0	0	0	0.000	0.479	1.081
MB_4793	0.049	0	0.013	0.027	0	0	0.02	0.199	0.026	0.036	0.02	0.041	0.116	0.218	0.1	0.118	0	0	0.026	0	0	0	0.005	0.327	1.209
MB_4679	0.03	0	0.001	0.16	0	0	0.265	0.189	0.04	0.005	0.024	0.095	0	0.27	0.156	0.032	0	0.002	0.125	0	0	0.013	0.002	0.396	1.408
MB_4660	0.052	0	0.036	0.147	0	0	0	0.156	0.077	0	0	0.085	0.013	0.221	0.169	0.008	0.008	0	0.08	0	0	0	0.089	0.121	1.048
MB_6248	0.017	0	0.113	0	0	0.122	0	0.091	0	0.095	0	0.077	0.1	0.22	0.12	0.103	0	0	0.032	0	0	0	0.003	0.368	1.301
MB_6280	0.02	0	0.054	0.009	0.004	0.009	0	0.095	0.016	0.026	0	0.028	0.078	0.403	0.194	0.241	0	0	0.014	0	0	0	0.003	0.349	1.218
MB_6098	0	0	0.021	0.096	0.063	0	0	0.008	0	0	0.026	0.012	0.016	0.402	0.237	0.127	0	0	0.051	0	0	0	0.003	0.365	1.089
MB_4974	0.011	0	0.025	0.115	0	0	0.022	0.081	0.027	0.125	0	0.16	0.051	0.113	0.155	0.174	0	0	0.033	0	0	0	0.000	0.474	1.353
MB_4696	0	0	0.101	0	0	0	0.014	0.07	0.053	0.126	0	0.025	0.009	0.103	0.08	0.142	0.016	0	0.02	0	0	0	0.001	0.411	1.204
MB_4881	0.086	0	0.041	0.01	0	0	0.024	0.137	0.017	0	0	0.032	0	0.264	0.191	0.071	0.011	0	0.028	0	0	0	0.032	0.194	1.183
MB_4865	0.014	0	0.238	0.173	0	0	0.007	0.136	0.009	0	0.028	0.038	0	0.008	0.103	0.188	0	0	0.023	0	0	0	0.000	0.530	1.293
MB_4416	0.022	0	0.068	0.23	0.004	0	0.08	0.155	0.079	0.017	0.019	0.023	0	0.101	0.151	0.138	0	0	0.053	0	0	0	0.001	0.411	1.396
MB_4407	0	0.003	0.002	0	0	0	0.077	0.056	0.11	0.037	0.013	0	0	0.343	0.028	0.076	0	0.03	0.057	0	0	0	0.003	0.357	1.037
MB_4621	0.002	0	0.007	0	0	0.115	0	0.066	0.041	0.036	0.061	0.082	0	0.008	0.025	0.204	0	0	0.04	0	0	0.004	0.001	0.426	1.007
MB_4893	0.061	0	0	0.123	0.019	0.014	0.056	0.095	0.033	0.084	0	0.038	0.047	0.002	0.23	0.194	0	0	0.093	0	0	0	0.000	0.614	1.534
MB_4792	0.007	0	0.004	0.026	0	0	0.004	0.158	0.058	0.019	0	0.047	0	0.001	0.085	0.203	0	0	0	0.019	0	0.002	0.000	0.670	1.078
MB_5008	0.045	0	0.012	0.035	0	0	0.012	0.163	0.052	0.026	0.002	0.06	0.007	0.17	0.132	0.082	0.029	0	0.219	0	0	0	0.701	0.002	1.044
MB_5295	0.02	0	0.019	0.129	0	0	0	0.138	0.049	0	0.027	0	0.024	0.009	0.18	0.138	0.014	0	0.026	0	0	0.001	0.135	0.098	1.098
MB_6058	0.018	0	0.085	0.21	0	0	0.071	0.076	0	0.055	0	0.043	0.001	0.194	0.106	0.139	0.061	0	0.09	0	0	0	0.001	0.458	1.350
MB_6052	0.033	0	0.1	0.111	0	0.232	0	0	0	0.177	0.02	0	0.058	0	0.2	0.191	0.082	0	0.215	0	0	0	0.001	0.430	1.399
MB_5335	0	0	0.021	0.058	0	0.069	0	0.181	0.039	0.015	0	0.003	0.006	0.003	0.172	0.076	0	0	0.027	0	0	0	0.097	0.114	1.036
MB_5135	0.02	0	0	0.006	0	0.055	0	0.099	0.005	0.009	0.063	0	0	0.176	0.064	0.096	0	0	0.189	0	0	0	0.204	0.076	0.992
MB_5057	0.027	0	0.014	0.126	0	0.133	0.001	0.074	0	0.035	0	0.004	0.017	0.001	0.176	0.12	0	0	0	0.018	0	0	0.003	0.350	1.232
MB_5102	0.011	0	0.041	0.807	0	0	0.017	0.232	0.011	0.068	0	0.074	0	0.256	0.156	0.236	0	0	0.03	0	0	0	0.010	0.254	1.139
MB_6272	0.07	0	0.001	0.022	0	0.061	0.018	0.114	0.004	0.008	0	0.135	0	0.252	0.112	0.112	0	0	0.127	0	0	0	0.001	0.433	1.275
MB_6245	0.051	0.007	0	0	0.144	0.085	0	0.08	0.112	0.078	0.005	0	0	0.103	0.236	0.008	0	0	0	0.012	0	0	0.001	0.409	1.177
MB_4303	0.004	0	0.022	0.206	0	0	0.037	0.164	0.11	0	0.035	0.02	0	0.201	0.141	0.062	0	0.01	0.053	0	0	0	0.003	0.364	1.154
MB_6336	0.054	0.005	0.036	0.182	0.055	0	0.01	0.196	0.027	0	0.005	0.079	0	0.278	0.106	0.05	0.001	0	0.014	0	0	0	0.000	0.494	1.327
MB_5208	0.065	0	0.008	0.039	0	0.094	0	0.053	0.056	0.088	0	0.053	0	0.103	0.197	0.191	0	0	0.009	0	0	0	0.001	0.417	1.172
MB_5440	0.015	0	0.009	0.113	0	0	0.134	0.105	0.045	0.077	0	0.186	0.033	0.204	0.226	0.124	0	0	0.043	0	0	0	0.001	0.461	1.395
MB_5346	0	0	0.031	0.077	0	0																			

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8 naive	T cells CD4 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 memory activated	T cells follicular helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes	Macrophages M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Pearson Correlation	Absolute score	
MB 5547	0	0.013	0.006	0.018	0	0	0.007	0.186	0.024	0.06	0.04	0	0	0	0.479	0.094	0.079	0	0	0.022	0	0	0	0.281	0.059	1.021
MB 5465	0.089	0	0.018	0.023	0	0.082	0.002	0.084	0	0.047	0	0.039	0.003	0.333	0.202	0.124	0.021	0	0.031	0	0	0	0	0.023	0.209	1.111