SCHOOL OF THE WAY SEE THE WAY	Input Sample	B cells naive		Plasma	T cells CD8	T cells CD4 memory	T cells CD4 memory activated	T cells follicular helper	regulatory	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	I Monocytes I	Macrophages M0	Macrophages M1	Macrophages	cells		Mast cells resting		Eosinonhile	Neutronhil	sP-yalue	Pearson Correlation	RMSE
Campa	TCGA.A2.A0YE	0.089	0	0.13	0.031		0	0.089	0.002	0	0	0.017	0		0.133	0.14	0.012	0	0.033	0	0	0	0.005	0.303	0.965
Series 18	TCGA.EW.A6SB	0.143	0.029			0 0.22					0.006	0.021	0	0.202			0.086	0.041	0.043	0	0	0			0.980
SCHOOL STATE			0	0.016		0 0.294		0.02	0.003	0.049		0	0.037	0.009			0.014	0	0.113	0	0	0.007			0.971
Column			0	0.007						0	0.007	0	0	0.31			0	0.046	0.029	0	0	0.003		0.410	0.913
Campaign	TCGA.BH.A0BG		0	0.071			_			0.007	0	0.035	0	0.093	0.246		0	0.025	0.006	0	0	0.008			0.919
Charles		0.099		0.367	0.106		0.007	0.009		0.011	0		0.006				0.005	0		0	0	0.003			0.883 1.012
Second Property of the prope		_	0.001	0			0.013			0	0.002	0	0			0.272		0	0	0.119	0.002	0.005			0.989
Column		_	0	0.028		0 0.355			0.017	0.032	0.026	0	0			0.224	0.011	0.011	0.016	0	0	0		_	0.927
Column			0	0.007			0.003			0	0.021	0.024	0.041	0.316			0	0.086	0	0.013	0	0.003			0.967 0.935
State 1988 1989 1984 1989		0.044	0	0.003	0.231	0 0.045	0.028		0.024	0.012	0	0.009	0	0.178	0.11	0.169	0.005	0		0	0		0.028	0.178	1.019
Marchan Marc	TCGA.D8.A1JG	0.043	0			0 0.19	0.055			0	0.009	0.021	0		0.096		0.009	0	0.057	0	0	0	0.011	0.242	0.984
Marchand			0	0.008			0.044		0.006 0.016	0	0.022	0.006 0.016	0.02			0.292 0.148	0.043	0.013		0	0.007	0.003			1.035 0.974
Mart		0.039	0	0.004		0 0.074					0 034		0.012				0.032	0 158		0	0	0			1.057 0.916
Mart		0.011	0	0.003	0.285	0 0				0.085	0		0		0.19	0.163	0	0.138		0	0	0.004	0.000	0.511	0.859
Martin		0.064	0.001	0			0.006	0.007	0.005	0.001	0.013	0		0.532			0.02	0	0	0.018	0	0.002			0.807 1.042
Column C		0 028	0	0.002		0 0.011				0.006	0.003	0.014	0.001					0.133		0	0	0			0.944
Common C	TCGA.A1.A0SP	0.053	0		0.04	0 0.149	0.003	0.049	0.036	0	0		0.012	0.293	0.064	0.087		0.004	0.033	0	0.01	0	0.017	0.211	1.002
Company		_	0	0			0.026			0	0	0.038	0.008	0.097			0.005	0	0.046	0.004	0	0			0.991 1.013
Column C		0.007	0			0 0			0.024	0		0.014	0	0.121	0.111			0.028		0	0	0			0.997 1.000
March Marc	TCGA.A2.A3XU	0.084	0		0.088	0 0	0	0.078		0	0		0	0.355	0.028	0.144	0.005	0	0	0	0	0	0.011	0.249	1.006
Column C			0	0.003			0.02			0.006	0.015	0	0.022	0.302			_	0.137	0.004	0	0	0			0.905 0.988
Campaign			0	0.009			0.024		0.014	0.036	0.017	0.024	0	0.51 0.233			0.013	0 0		0	0	0.002	0.0.0		1.071 1.045
Marchan Marc	TCGA.BH.A18V		0	0.006	0.006	0 0.119	0.001	0.056	0.03	0	0		0	0.443	0.106	0.157	0	0		0	0	0	0.002	0.362	0.949
Marchane Sept Marchane		0.003	0.019	0.028			0.002				0.011	0.044	0	0.098				0.107	0.001	0	0	0			1.038
MATERIAN 1985			0						0.014		0.018	0	0	0.262			0	0		0	0	0.014			1.003
Martine 1988			0	0		0 0.188			0.079	0.015	0	0.006	0					0		0	0	0			0.902
Marie Marie 1988 1988 1989		0.093	0.014				0.075			0	0.016	0	0.034	0.036		0.119		0.014		0	0	0	0.013		0.995
Section Color Co		0.059	0.018	0.005			0			0	0.013	0.005	0	0.591 0.549	0.005		0	0	0.004	0	0	0			1.088 0.915
Teachard 1988 1987 1988 1989 1988 1989 1988 1989 198										0.007	0	0.013	0				0.1	0.01		0	0	0.001			0.988
Commence Column	TCGA.LL.A441	0.287	0.037	0.053	0.091	0 0.089		0.062	0.074	0.028	0		0	0.135	0.073	0.051	0.002	0	0.013	0	0	0	0.000	0.634	0.784
MARLAMAN 1969		0.086	0.027			0 0.201	0.041			0.023	0.006	0.014	0.012				0.006	0.027		0	0	0		_	0.988
MARIAGRAPH 1969 1962 1963 1963 1968 1969 1968 1969 1968 1969 1968 1969 1		0 063	0.039	0 013		0 0.003	0 115		0.035	0 017	0	0.027	0	0.594	0.01		0 047	0.059	0 068	0.018	0	0			1.127
TRAIL PLANS 1888	TCGA.A2.A04T	0.106	0		0.181	0 0.025		0.099		0	0	0.013	0		0.082	0.1		0	0.009	0	0	0	0.002	0.367	0.931
TRAIL PLANS AND STATE AND		0.09	0.002	0	0.023		0.01			0	0.008	0	0	0.326			0.009	0		0	0	0			0.868
TROMANNIA 0139 0006 0.056 0.344 0.096 0.059 0.038 0.097 0.038 0.055 0.055 0.039 0.018 0.014 0.014 0.028 0.099 0.009 0.014 0.014 0.008 0.099 0.009 0.014 0.014 0.008 0.099 0.009 0.014 0.014 0.008 0.099 0.009 0.014 0.014 0.009 0.009 0.014 0.014 0.009 0.00			0.055	0,044						0.018	0	0.01	0.019					0.021		0	0	0			1.025 0.884
TOTAL PART COUNTY			0			0 0.212	0.014			0.011	0	0	0		0.131	0.074	0	0	0	0	0	0	0.001		0.925
Teach arms 0.00 10.00		0.041	0.031	0.016	0.058	0 0.138	0	0.03		0	0		0.01		0.068	0.164		0	0.06	0	0	0.009	0.106	0.099	1.045
TRIGALLAND 0.08	TCGA.D8.A1JL TCGA.EW.A3U0	0.101	0	0.004	0.157	0.161	0.05	0.050	0.012	0.004	0.036	0.03	0.004	0.294	0.103	0.126 0.076	0.017	0.017	0.043	0	0	0	0.030	0.150	0.870 1.025
TROLLAND 0.099			0	0.033	0.098	0 0.111	0	0.154	0	0	0	0.008	0.009					0		0	0	0		-	1.020
Techs Alson 0.056 0.034 0.202 0.011 0.018 0.047 0.01 0.018 0.017 0.018 0.019 0.018 0.018 0.018 0.019 0.018 0.018 0.017 0.017 0.018	TCGA.LL.A5YO	0.096	0							0.029	0	0	0.01		0.089	0.066		0		0	0	0	0.007	0.281	0.969
TICKALLAMA 0.022		_	0				0			0.003	0	0.034	0.019	0.265 0			0.168	0	0.106	0.003	0.004	0.004			1.000 0.999
TECHALAINS 0.112 0.000 0.018 0.000 0.018 0.005 0.054 0.033 0.018 0.005 0.054 0.033 0.018 0.005 0.054 0.033 0.018 0.006 0.053 0.007 0.011 0.034 0.033 0.164 0.038 0.011 0.034 0.038 0.038 0.022 0.03 0.008 0.012 0.007 0.008 0.011 0.034 0.033 0.164 0.038 0.012 0.007 0.008 0.011 0.034 0.033 0.164 0.007 0.002 0.031 0.007 0.008 0.011 0.034 0.033 0.164 0.035 0.008 0.009 0.008 0.009 0.009 0.009 0.009 0.0010 0.016 0.018 0.019 0.019 0.018 0.018 0.011 0		0.03	0	0	0.227					0.012	0	0.001	0	0.138			0.085	0.029		0	0	0		0.393	0.920 0.937
TICABLE AND 1 0.046 0 0.011 0.034 13 0.038 0 0.02 0.03 0 0.097 0 0.097 0 0.097 0 0.027 0.129 0.129 0.129 0.129 0.129 0.009 0 0	TCGA.AC.A2BK		0	0.01	0.267	0 0.078	0.014	0.058	0.004	0	0	0.053	0	0.037	0.088	0.224	0.007	0	0.079	0	0.003	0	0.106	0.100	1.049
TCGABLADES 0.14 9 0.033 0.178 9 0 0.057 0.082 0.008 9 0.019 0 0.019 0 0.025 0.083 0.069 0.053 0.041 0 0.0011 0 0 0.0013 0.234 0.97 0.042 0.067 0.068 0.077 0.079 0.068 0.079 0.042 0.068 0.055 0.015 0.052 0.088 0.055 0.012 0 9 0 0.027 0.068 0.088 0.123 0.041 0 0.0011 0 0 0 0 0.000 0.059 0.089 0.075 0.081 0.068 0.068 0.071 0.071 0.079 0.075 0.075 0.075 0.080 0.055 0.0157 0.0006 0.055 0.0157 0.0006 0.055 0.0157 0.0006 0.0007 0.00	TCGA.B6.A402		0			0.038	0.054		0.03	0.004	0.04	0	0	0.633	0.08		0	0	0	0.001	0.002	0	0.002	0.339	1.036 0.992
TCGALPAINT 0.076 6 0.036 0.209 0 0.029 0.042 0.031 0.052 0 0 0 0 0.022 0.088 0.123 0.041 0 0.011 0 0 0 0.050 0.005 0.298 0.9 TCGALPAINT 0.079 0.079 0.1 0.005 0.055 0.058 0.055 0.068 0.055 0.007 0.07 0.07 0.07 0.07 0.07 0.		0.14	0.003		0.009	0 0.094	0.004			0.008	0		0	0.252 0.318			0.129	0		0	0	0			1.062 0.997
TCGAMARID 0.161 0 0.027 0.075 0 0.157 0 0.000 0.18 0 0 0.007 0.007 0.013 0.084 0.009 0.167 0.012 0.028 0.035 0 0 0 0.100 0.125 0.088 1.0 0 0.024 0.016 0.000 0.000 0.18 0 0 0.0000 0.0000 0.0000 0.0000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.000 0.00	TCGA.E2.A1L7		0	0.036	0.209			0.031	0.052	0	0	0	0	0.082	0.088	0.123	0.041	0	0.011	0	0	0	0.005	0.298	0.965
TCGABBARDO 0.043 0 0.013 0.08 0 0.198 0.009 0.058 0.1 0 0 0.02 0 0.195 0.09 0.105 0.023 0 0.061 0 0 0.005 0.054 0.142 1.0 10 10 0.005 0.054 0.142 1.0 10 0.005 0.054 0.142 1.0 10 0.005 0.054 0.142 1.0 10 0.005 0.054 0.151 0.032 0.042 0.062 0.188 0 0.008 0.001 0.125 0.081 0.086 0 0 0.036 0 0 0 0.008 0.258 0.9 1 0.054 0.157 0 0.005 0.075 0.044 0.13 0 0 0 0 0 0.008 0.001 0.125 0.086 0 0 0.0086 0 0 0.0036 0 0 0 0.008 0.258 0.9 1 0.054 0.157 0 0.109 0.084 0.027 0.005 0.005 0.008 0 0.005	TCGA.AO.A12F	_	0.017	0	0.055		0.025	0.006	0.055	0.012	0.007	0.007	0.013	0.084	0	0.344	0.032		0.115	0	0.022	0.013	0.125	0.088	1.086 1.045
TCGALEMBI 0.07 0.02 0.034 0.234 0 0.151 0.032 0.042 0.062 0.018 0 0.008 0.091 0.125 0.081 0.086 0 0 0.036 0 0 0 0.008 0.258 0.99 TCGALEMBI 0.01 0 0.008 0.277 0 0.009 0.055 0.075 0.044 0.13 0 0 0 0 0 0 0.121 0.117 0.047 0.08 0 0.034 0 0 0.01 0.000 0.000 0.000 0.001 TCGALEMBI 0.079 0 0.004 0.157 0 0.109 0.084 0.027 0.005 0.0			0			0 0 0.198	0.003		0.1	0	0		0.01	0.223 0.195			0.012	0.026		0	0	0.005			1.047 1.031
TCGALZARDS 0.079 0 0.004 0.157 0 0.109 0.084 0.027 0.085 0.005 0.008 0 0.005 0.242 0.105 0.092 0.048 0 0.031 0 0 0 0.017 0.211 1.0 TCGALZARDS 0.02 0 0.001 0.015 0 0.084 0 0.082 0.035 0 0.002 0 0 0.015 0.163 0.124 0 0 0.038 0 0 0 0.000 0.544 0.8 TCGALZARDS 0.02 0 0.001 0.188 0 0.213 0.064 0.065 0.005 0 0.017 0.028 0.134 0.01 0.088 0.224 0 0.003 0.059 0 0 0 0.001 0.544 0.8 TCGALZARDS 0.02 0.051 0 0.086 0.084 0.044 0.04 0.04 0 0.019 0 0 0.025 0.019 0 0.022 0.041 0 0.008 0.027 0 0 0 0.013 0.230 0.9 TCGALZARDS 0.043 0 0.009 0.058 0 0.067 0.028 0.022 0.046 0 0 0.008 0 0.051 0.008 0 0.022 0.041 0 0.008 0 0.008 0 0.009 0.058 0 0.007 0.028 0.022 0.046 0 0 0.008 0 0.051 0.008 0 0.009 0.058 0 0.009 0.058 0 0.007 0.028 0.022 0.046 0 0 0.008 0 0.051 0.008 0 0.009 0.058 0 0.009 0.058 0 0.007 0.028 0.022 0.046 0 0 0.008 0 0.009 0.058 0 0.008 0 0.009 0.058 0 0.007 0.028 0.022 0.046 0 0 0.008 0 0.009 0.058 0 0.008 0 0.009 0.058 0 0.009 0.058 0 0.009 0.058 0 0.001 0.008 0 0.009 0.058 0 0.009 0.058 0 0.001 0.008 0 0.002 0.046 0 0.009 0.008 0 0.009 0.008 0 0.0008 0 0.0009 0.008 0 0.0009 0.008 0 0.0009 0.008 0 0.0009 0.008 0 0.0009 0.008 0 0.0009 0.008 0 0.0009 0.009 0.008 0 0.0009 0.009	TCGA.EW.A10V	0.07	0.02			0 0.151	0.032	0.042	0.062	0.018	0	0.008	0.001	0.125	0.081	0.086	0	0	0.036	0	0	0		0.258	0.985
TCGALAMOV 0.016 0 0.148 0 0.213 0.064 0.005 0.005 0 0.017 0.028 0.134 0.01 0.088 0.224 0 0.003 0.059 0 0 0 0.231 0.055 1.0 0.007 0.014 0.007 0.014 0.008 0 0.027 0 0 0 0.031 0.230 0.09 0.055 0.007 0.008 0 0.008 0 0.007 0 0.008 0 0.007 0 0.008 0 0.007 0 0.008 0 0.007 0 0.008 0 0 0.005 0 0.008 0 0 0.005 0 0.008 0 0 0.005 0.008 0 0.005 0.008 0 0.005 0.008 0 0.005 0.008 0 0.005 0.008 0 0.005 0.008 0 0.005 0.008 0 0.005 0.008 0 0.00	TCGA.A2.A0D2		0	0.008		0 0.109		0.027	0.005	0.005	0.008	0	0.005	0.121	0.105	0.092		0	0.031	0	0	0.001	0.017	0.211	1.002
TCGALPARVY 0.016 0 0.12 0.051 0 0.086 0.084 0.044 0.04 0 0.019 0 0 0.028 0.029 0.098 0 0.027 0 0 0 0.013 0.230 0.99 TCGALPARVY 0.008 0 0.009 0.058 0 0.067 0.028 0.022 0.046 0 0 0.008 0 0.011 0.023 0.041 0 0.005 0 0.008 0 0 0.005 0.294 1.0 TCGALPARVY 0.086 0 0.112 0.12 0 0.188 0.022 0.144 0.008 0.037 0 0.007 0 0.089 0.081 0.075 0.014 0 0.022 0 0 0 0 0.003 0.234 1.0 TCGALPARVY 0.086 0 0.112 0.12 0 0.188 0.022 0.144 0.008 0.037 0 0.007 0 0.089 0.081 0.075 0.014 0 0.021 0 0 0 0.007 0.268 0.99 TCGALPARVY 0.086 0 0.112 0.12 0 0.188 0.022 0.144 0.008 0.037 0 0.007 0 0.089 0.081 0.075 0.014 0 0.021 0 0 0 0.007 0.268 0.99 TCGALPARVY 0.086 0 0.112 0.12 0 0.188 0.022 0.144 0.008 0.037 0 0.007 0 0.089 0.081 0.075 0.014 0 0.021 0 0 0 0.007 0.268 0.99 TCGALPARVY 0.008 0 0 10 0.022 0 0.061 0 0.067 0.026 0.016 0 0.029 0 0.0111 0.062 0.082 0 0 0.005 0 0.004 0 0.063 0.133 1.1 TCGALPARVY 0.008 0 0 10 0.022 0 0.061 0 0.067 0.026 0.016 0 0.029 0 0.0111 0.062 0.082 0 0 0.005 0 0.004 0 0.063 0.133 1.1 TCGALPARVY 0.103 0 0.013 0.011 0 0.094 0.005 0 0 0 0 0.006 0.002 0 0.006 0.002 0 0.005 0 0.004 0 0.003 0.133 1.1 TCGALPARVY 0.103 0 0.013 0.011 0 0.094 0.005 0 0 0 0 0.006 0.002 0.11 0.009 0.107 0 0.0049 0 0 0 0.000 0.425 0.99 TCGALPARVY 0.008 0.009 0.112 0 0.019 0.005 0.005 0.008 0.004 0.008 0.009 0.107 0 0.009 0.009 0.000 0.004 0.000 0.425 0.99 TCGALPARVY 0.103 0.009 0.112 0 0.019 0.017 0.072 0.005 0 0 0 0 0.006 0.025 0.114 0.166 0 0 0.018 0 0 0.000 0.024 0.197 1.009 0.009 0.000 0.00		0.02	0	0.001 0.001			0.064	0.082	0.035	0	0.002	0.028	0.134	0.436			0	0.003		0	0	0			0.838 1.062
TCGALPANDA 0.086 0.012 0.068 0.012 0.068 0.012 0.068 0.012 0.068 0.012 0.068 0.012 0.068 0.012 0.068 0.012 0.068 0.087 0.087 0.087 0.081 0.087 0.081 0.087 0.081 0.075 0.014 0.0021 0.001 0.0021 0.001 0.0007 0.088 0.091 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.003 0.003 0.003 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.003 0.003 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.001 0.0022 0.0033 0.001 0.0023 0.0033 0.001 0.0023 0.0033 0.001 0.0021 0.0022 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0021 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0033 0.001 0.0021 0.0001	TCGA.A7.A6VY		0	0.12	0.051		0.084			0		0	0	0.281	0.099		0.008	0		0	0	0	0.013	0.230	0.996
TICGA DLAPO 0.008 0 008 0 000 0.002 0 0.061 0 0.067 0.026 0.016 0 0.029 0 0.062 0.082 0 0.082 0 0.008 0 0.004 0 0.063 0.133 1.1 TICGA DRAP 0.127 0 0.181 0.111 0 0.12 0.005 0.023 0.012 0.019 0 0 0 0.006 0.054 0.005 0.005 0.004 0 0.006 0.025 0.13 1.1 TICGA DRAP 0.127 0.103 0 0.013 0.011 0 0.094 0.005 0 0 0 0 0.000 0.000 0.000 0.005	TCGA.A7.A0DA	0	0.012	0.009	0.058	0 0.091	0	0.048		0	0	0.008	0	0.441	0.087	0.2	0	0.005		0.008	0	0	0.003	0.334	0.967
TCGADBAJF 0.127 0 0.181 0.111 0 0.12 0.005 0.023 0.012 0.019 0 0 0 0.006 0.002 15.71 0.039 0.107 0 0 0.049 0 0 0 0.000 0.425 0.99 TCGADBAJF 0.103 0 0.013 0.011 0 0.094 0.005 0 0 0 0 0 0.006 0.002 15.71 0.039 0.107 0 0 0.049 0 0 0 0.000 0.496 0.88 TCGAA2/805X 0.02 0.013 0.009 0.112 0 0.219 0.042 0.058 0.074 0.016 0 0 0 0.257 0.085 0.08 0.001 0.006 0.009 0 0 0 0.109 0.098 1.00 TCGAA1/805 0.102 6 0.037 0.041 0 0.197 0.017 0.017 0.072 0.005 0 0 0 0 0.255 0.114 0.146 0 0 0.018 0.00 0 0.000 0.000 0.000 TCGABA/WAIP7 0.12 0.088 0.074 0.131 0 0.236 0 0.056 0.039 0.024 0 0 0 0.111 0.048 0.044 0 0.01 0.019 0 0 0 0.000 0.424 0.99 TCGASIA/NIO 0.014 0.015 0.023 0.141 0 0.086 0.044 0.1 0.083 0 0 0.054 0 0.054 0 0.193 0.156 0.062 0 0 0.03 0 0 0 0.022 0.201 1.0		0.086	0	0.112			0.022		0.006 0.026		0	0.007	0	0.089			0.014	0	0.021	0	0.004	0		_	0.981 1.110
TCGANZAMOSK 0.02 0.013 0.009 0.112 0 0.219 0.042 0.058 0.074 0.016 0 0 0 0.257 0.085 0.08 0.001 0.006 0.009 0 0 0 0.109 0.098 1.0 1 0.041 0.039 0.017 0.072 0.005 0 0 0 0 0.25 0.114 0.146 0 0 0.018 0 0 0 0.024 0.197 1.0 1 0.088 0.074 0.011 0.088 0.074 0.011 0.088 0.074 0.011 0.088 0.074 0.011 0.088 0.074 0.011 0.012 0.005 0 0 0 0 0.25 0.114 0.146 0 0 0.018 0 0 0 0.024 0.197 1.0 1 0.014 0.015 0.023 0.141 0 0.025 0.044 0.1 0.083 0 0 0 0.054 0 0.013 0.056 0.092 0 0 0 0.002 0.001 0.002 0 0 0.002 0.001 0.	TCGA.D8.A1JF		0		0.111	0 0.12	0.005				0	0	0.002	0.13	0.064	0.154	0.005	0		0	0	0	0.000	0.425	0.906 0.875
TCGAEWARP7 0.12 0.088 0.074 0.131 0 0.236 0 0.056 0.039 0.024 0 0 0 0 0.11 0.048 0.044 0 0.01 0.019 0 0 0.000 0.424 0.9 TCGASSANIO 0.014 0.015 0.023 0.141 0 0.086 0.044 0.1 0.083 0 0 0.054 0 0.193 0.156 0.062 0 0 0.03 0 0 0 0.022 0.201 1.0	TCGA.A2.A0SX	0.02	0.013	0.009	0.112	0 0.219			0.074	0.016	0	0	0	0.257	0.085	0.08	0.001	0.006	0.009	0	0	0	0.109	0.098	1.060
TCGASSANIO 0.014 0.015 0.023 0.141 9 0.086 0.044 0.1 0.083 0 0 0 0.054 0 0.156 0.062 9 0 0.03 0 0 0 0 0.022 0.201 1.0			0.088			0 0.197 0 0.236	0.017		0.005	0.024	0	0	0	0.25 0.11			0	0.01		0	0	0			1.012 0.906
0.000 0.000	TCGA.S3.AA10	0.014			0.141			0.1	0.083	0	0 006	0.054	0		0.156	0.062	0 0.002	0		0	0	0.008	0.022	0.201	1.016 0.949
	rcon.co.AZ/B	3.042		0.000	0.1	0.039	5.039	5.033	0.000	5.020	0.000		-		J.117	5.000	J.002	0.015	5.01			3.000	3.002	J.344	0.343

Input Sample	B cells	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8	T cells CD4			follicular	regulatory	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes	Macrophage M0	sMacrophage M1	sMacrophage:		Dendritic cells activated		Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	:P-value	Pearson Correlation	RMSE
TCGA.D8.A1XK	0.083	0	0.045	0.053	0	0.131	0.071	0.024		0	0.015	0.002	0	0.386	0.062	0.09	0	0	0	0.033	0	0.005	0.016	0.220	1.009
TCGA.AQ.A54N	0.062	0	0.025	0.147	0	0.092	0	0.183	0.047	0	0	0.026	0.043	0.071	0.088	0.178	0	0.011	0.027	0	0		0.153	0.077	1.058
TCGA.A2.A0YM	0.03	0	0.004	0.032	0	0.089	0.009	0.036	0.019	0	0	0.01		0.536	0.086	0.082	0	0.068	0	0	0		0.000	0.620	0.784
TCGA.AR.A0TS	0.234	0	0.051	0.098	0	0.187	0.047	0.038	0.039	0	0.018	0		0.076	0.095	0.109	0		0.007	0	0		0.000	0.506	0.862
TCGA.E2.A1LS	0.097	0	0	0.111	0	0.17	0	0.113			0	0	0.055	0	0.164	0.195	0	0.095	0	0	0		0.383	0.025	1.097
TCGA.AQ.A04J	0.217	0	0.064	0.111	0	0.186	0.063	0.017			0.013	0	0.004	0.103	0.074	0.063	0.033	0.025	0.026	0	0		0.000	0.471	0.882
TCGA.AO.A0J2	0.058	0	0.009	0.121	0	0.112	0.084	0.096	0.028	0.001	0.058	0.001		0.11	0.136	0.13	0.023	0.003	0.031	0	0		0.004	0.312	0.957
TCGA.EW.A1PH	0.047	0	0.033	0.16	0	0.163	0.072	0.067			0.016	0		0.188	0.109	0.068	0.049	0.016	0.013	0	0		0.035	0.162	1.023
TCGA.C8.A1HJ	0.105	0	0.025	0.113	0	0.138	0.076	0.035		0.024	0.031	0		0.119	0.186	0.078	0	0.039	0.023	0	0		0.007	0.271	0.983
TCGA.D8.A147	0.166	0	0.015	0.04	0	0.205	0	0.059	0.027	0.007	0	0.002		0.265	0.065	0.105	0	0.035	0.01	0	0		0.000	0.420	0.907
TCGA.EW.A1OW	0.08	0	0.026	0.017		0.113	0.006	0.064	0.041	0.002	0.007	0			0.094	0.083	0.043	0	0.024	0	0		0.013	0.233	1.006
TCGA.A7.A26I	0.117	0	0.014	0		0.199	0	0.014	0.037	0	0	0.021		0.308	0.014	0.228	0	0	0.049	0	0		0.008	0.257	0.989
TCGA.AC.A6IW	0.02	0	0	0.116	0	0.069	0.046	0.12	0.065	0	0	0.019	0.027	0.016	0.128	0.155	0.193	0	0.026	0	0		0.001	0.373	0.928
TCGA.GI.A2C9	0.011	0	0	0.031	0	0.094	0	0.034	0.025	0	0	0.019		0.207	0.047	0.263	0.12	0.068	0.075	0	0	0.005	0.003	0.335	0.949
TCGA.OL.A5D7	0.071	0	0.031	0.144	0	0.16	0.096	0.07	0.111	0	0	0		0.094	0.132	0.074	0	0	0.016	0	0		0.011	0.244	0.993
TCGA.C8.A26Y	0.103	0	0	0.02	0	0.067	0	0.106	0.038	0.013	0	0		0.471	0.069	0.113	0	0	0	0	0		0.002	0.352	0.955
TCGA.E2.A1LH	0.026	0.012	0.032	0.189	0	0.161	0.022	0.062	0.045	0.009	0	0.015		0.181	0.112	0.088	0.012	0	0.034	0	0		0.072	0.127	1.043
TCGA.BH.A0B3	0	0.02	0.087	0.119	0	0.014	0.092	0.069	0.051	0	0	0.023	0.029	0.124	0.183	0.107	0.04	0	0.039	0	0		0.026	0.191	1.013
TCGA.AO.A129	0.111	0	0.099	0.128	0	0.172	0.031	0.076	0.026	0	0	0.009		0.122	0.131	0.079	0	0	0.016	0	0		0.002	0.351	0.942
TCGA.AN.A0G0	0.017	0	0.003	0.041	0	0.105	0.045	0.088	0.02	0	0.063	0		0.361	0.08	0.156	0.004	0	0.014	0	0		0.339	0.032	1.098
TCGA.OL.A5RW	0.014	0.036	0	0		0.141	0	0.073	0.04	0	0	0		0.285	0.133	0.139	0	0.104	0.034	0	0		0.026	0.190	1.027
TCGA.A2.A0CM	0.015	0	0.002	0.158	0	0.156	0.075	0.075	0.042	0	0	0.013		0.215	0.132	0.084	0		0.032	0	0		0.022	0.205	1.012
TCGA.A2.A0D0	0.056	0	0.003	0.179	0	0.111	0.055	0.073	0.032	0	0.01	0.013		0.243	0.082	0.098	0.045	0	0	0	0		0.011	0.243	0.991
TCGA.EW.A1PB	0.005	0	0	0.132	0	0.046	0.041	0.042	0.027	0	0.017	0.028		0.082	0.326	0.213	0.001	0	0.041	0	0		0.000	0.450	0.906
TCGA.A2.A3XT	0.048	0	0.013	0.002		0.112	0.024	0.024	0.023	0.017	0.004	0		0.515	0.101	0.063	0.02	0	0.033	0	0		0.001	0.408	0.925
TCGA.AO.A1KR	0.032	0	0.013	0.25		0.054	0.073	0.181	0.065	0.017	0	0.012		0.034	0.153	0.044	0.006	0.032	0.033	0	0		0.078	0.119	1.067
TCGA.A7.A0CE	0.058	0	0.042	0.086	0	0.013	0	0.072	0.04	0	0.007	0.008		0.298	0.105	0.123	0	0.079	0.069	0	0		0.013	0.233	0.998
TCGA.GM.A2DB	0.111	0.053	0.021	0.096	0	0.098	0	0.07	0.065	0	0	0		0.258	0.135	0.068	0.004	0	0.023	0	0		0.002	0.356	0.940
TCGA.D8.A27H	0.084	0	0.003	0.021	0	0.155	0.001	0.041	0.031	0	0	0		0.3	0.092	0.177	0.005	0	0.085	0	0	0.004	0.033	0.165	1.028
TCGA.C8.A26X	0	0.011	0.111	0.108	0	0	0.055	0.058	0.036	0.044	0.023	0		0.262	0.117	0.133	0.011	0	0.032	0	0		0.022	0.201	1.010
TCGA.AR.A1AY	0.006	0	0.003	0.035	0	0.067	0	0.015	0.017	0	0	0.046		0.64	0.047	0.115	0	0	0.01	0	0		0.002	0.367	0.976
TCGA.A7.A4SD	0.045	0	0.066	0.122	0	0.133	0.015	0.06	0.084	0	0.033	0		0.198	0.11	0.054	0	0.048	0.029	0	0		0.022	0.204	1.007
TCGA.BH.A0E0	0.033	0	0	0.045	0	0.127	0.004	0.084	0.117	0	0	0.015	0.007	0.01	0	0.087	0.346	0.09	0.031	0	0	0.003	0.024	0.196	1.006
TCGA.D8.A143	0.062	0	0.035	0.11	0	0.193	0.041	0.071	0.023	0	0.006	0		0.157	0.093	0.162	0.025	0	0.023	0	0		0.047	0.150	1.025