题目 Dimensionality Reduction

姓名 骆克云 学号 MG1633052 邮箱 streamer.ky@foxmail.com 联系方式18115128082

(南京大学 计算机科学与技术系, 南京 210093)

1 实现细节

1.1 读取文件,返回训练集、测试集的数据和标签(projectutil.py)

基本的 Python 读写文件:将每一行数据按逗号分隔,最后一个作为标签,前面的作为数据

```
def get reduction dataset(name="sonar", types="train"):
 获取数据集
 :param name: 数据名称: sonar/splice
 :param types:数据类型: train/test
 :return: 数据,标签
 file_train = get_dataset_dir() + name + "-train.txt"
 file_test = get_dataset_dir() + name + "-test.txt"
 file = file train if types == "train" else file test
 data = []
 label = []
 with open(file, "r", encoding="utf-8") as f:
   for line in f:
      line = line.split(",")
      data.append(line[:-1])
      label.append(line[-1].strip("\n"))
 return data, label
```

1.2 knn算法实现(assignment2/knn.py)

该文件主要将本次任务所使用的近邻算法独立出来实现共用。本文件实现了两个方法 knn 和 onenn。knn 可以实现 K 近邻,返回测试集的标签; onenn 则由于是特殊情况,中间结果不需要排序,速度快,故后面 PCA、SVD、ISOMAP 默认都是采用 onenn,但在 PCA 算法中测试了 knn 的正确性。

1.2.1 knn

对于测试集中的每一个点,寻找其在训练集中的 K 个近邻,并且将这 K 个近邻的标签累加,取最大的那个标签作为测试集中该点的预测值。

1.2.2 onenn

基本同 knn,不过由于是最近邻,取测试集中的点和训练集中与其最近的点的标签作为其标签。另外考

虑到通用性,将最终的结果输出也集成在这个方法中。

```
def onenn(projections, labels, name, algorithm):
 最近邻计算
 :param projections: projection_trains, projection_tests 元组
 :param labels: train_label, test_label
 :param name: 文件名
 :param algorithm: 使用的算法
 :return: 无
 .....
 print("====算法: %s ==== \n%s 文件测试结果: " % (algorithm, name))
 projection trains, projection tests = projections
 train_label, test_label = labels
 # 分三种情况(k=10,20,30)计算正确率
 for i in range(3):
   row_test, _ = projection_tests[i].shape
   row_train, _ = projection_trains[i].shape
   count = 0
   for row_index in range(row_test):
     dist_row = []
     for rowtrain in range(row_train):
        # 欧式距离
        dist row.append(np.linalg.norm(projection tests[i][row index] - projection trains[i][rowtrain]))
     # 取距离最短的点的标签
     result = train_label[dist_row.index(min(dist_row))]
     if result == test_label[row_index]:
        count += 1
   # 输出结果
   if i == 0:
     print("k=10,正确率: {0}/{1}={2}%".format(count, row_test, 1.0 * count / row_test * 100))
   if i == 1:
     print("k=20,正确率: {0}/{1}={2}%".format(count, row test, 1.0 * count / row test * 100))
   if i == 2:
     print("k=30,正确率: {0}/{1}={2}%".format(count, row_test, 1.0 * count / row_test * 100))
```

1.3 PCA算法 (assignment2/pca.py)

将高维数据投影到低维空间,使投影后的数据方差最大化或最小化投影误差。

数据为 N*M, M 个特征, 采样 N 次

基本步骤:

- 1) 计算样本数据中每一维的均值,然后让每个数据减去每一维的均值,去中心化
- 2) 对去中心化后的数据求解协方差矩阵,对协方差矩阵进行特征值分解
- 3) 得到特征值和特征向量后,对特征值从大到小排序,前 k 个特征值索引所对应的特征向量列组成投影向量
- 4) 投影训练数据,测试数据:即将原始数据乘上上述投影向量
- 5) 运行 onenn, 计算结果

伪代码:

- 1. self.train, self.train label, self.test, self.test label = get reduction dataset(filename)
- 2. meanVal=np.mean(self.train, axis=0), return self.train self.meanVal
- 3. cov_mat, eig_values, eig_vectors = np.linalg.eig(cov_mat)
- 4. Sort eig_values, select the k-largest: eig_values_index_sort = np.argsort(-eig_values), k_index = eig_values_index_sort[:k], projection_matrix.append(eig_vectors[:, k_index]), return projection_matrix
- 5. Projection: projection trains.append(self.train.dot(matrix)), projection tests.append(self.test.dot(matrix))
- 6. One-nn: onenn(projections, labels, self.name, "PCA")

```
train, train label, test, test label = get reduction dataset(name)
meanVal=np.mean(train, axis=0)
train zero = train - meanVal
cov mat = np.cov(train zero, rowvar=False)
eig values, eig vectors = np.linalg.eig(cov mat)
eig values index sort = np.argsort(-eig values)
projection matrix = []
for k in [10, 20, 30]:
   k index = eig values index sort[:k]
   projection_matrix.append(eig_vectors[:, k_index])
projection trains = []
projection tests = []
for matrix in projection matrix:
   projection trains.append(train.dot(matrix))
   projection tests.append(test.dot(matrix))
projections = (projection trains, projection tests)
labels = (train_label, test_label)
onenn(projections, labels, name, "PCA")
```

1.4 SVD算法 (assignment2/svd.py)

奇异值分解可以舍弃较小的奇异值(特征值)对应的特征向量实现降维。

数据为 N*M, M 个特征, 采样 N 次

基本步骤:

- 1) 将训练数据转置,进行奇异值分解,得到 u, sigma, vt, 然后进行奇异值的对角化,按照 k=10,20,30 保留分解结果。
- 2) 投影:对于训练集,使用 Sigma 矩阵乘 Vt 后转置即可得到投影后的数据,对于训练集,使用 U.T 矩阵乘测试集的转置,再将结果转置
- 3) 将投影后的训练集,测试集,标签传入 onenn 算法得出结果

(伪)代码如下:

```
train, train label, test, test label = get reduction dataset(name)
u, sigma, vt = np.linalg.svd(train.T)
S = np.zeros(self.train.shape)
sig shape = sigma.shape[0]
S[:sig shape, :sig shape] = np.diag(sigma)
projection_trains = []
projection_tests = []
for k in [10, 20, 30]:
    U = u[:, :k]
   Sigma = S[:k, :k]
   Vt = vt[:k]
    projection trains.append(np.dot(Sigma, Vt).T)
    projection tests.append(np.dot(U.T, self.test.T).T)
projections = (projection trains, projection tests)
labels = (train label, test label)
onenn(projections, labels, name, "SVD")
```

1.5 ISOMAP算法(assignment2/isomap.py)

ISOMAP 等距映设算法使用测地距离解决流式空间欧氏距离不准确的问题,使得降维后的点两两之间的 距离和原始空间点的距离尽可能小。

基本步骤:

- 1) 获取数据集:将训练集和测试集融合,得到总数据。
- 2) 计算欧式距离:对总数据集计算两两之间的欧式距离矩阵。
- 3) 构建图模型: 初始化图矩阵为无穷大,选取每个点的 K(k_nn+1,包括自身)个近邻,其距离作为图 矩 阵 的 距 离 , 并 且 将 图 矩 阵 对 称 化 , 即 graph_matrix[i, j] = graph_matrix[j, i] = min(graph matrix[i, j] ,graph matrix[j, i])。
- **4)** 计算任意两点间的距离:使用 Floyd 算法,并利用 numpy 优化简化计算: graph_matrix = np.minimum(graph_matrix, np.add.outer(graph_matrix[:, i], graph_matrix[i, :]))。

- 5) 计算 MDS: 首先要消除不连通分量,否则无法进行特征值分解,即图矩阵中存在的无穷大值,无穷大值表示这两个点之间没有连接,很有可能是孤立点。具体做法是找到图矩阵中最大的连通行,保存连通的索引和非连通索引,将图矩阵中所有的非连通索引对应的行和列去除,得到连通的图矩阵: conn_graph_matrix, 对连通的图矩阵计算距离矩阵 D= -0.5 * conn_graph_matrix**2,中心矩阵 H = np.eye(N) np.ones((N, N)) / N,进而计算出映设矩阵 S = H.dot(D).dot(H),对其进行对称矩阵特征值分解,得到特征值和特征向量,对特征值和特征向量进行从大到小排序,返回特征值,特征向量,非连通索引。
- 6) 投影: 首先判断非连通索引是否为空,如果不为空,判断其在训练集和测试集中的位置,在训练集和测试集中剔除这些数值和标签,得到新的数据集。在新的数据集中,令 U 为特征向量的前 k 列,delta 为前 k 列特征值对角化后的矩阵,则总投影矩阵为 Y = U.dot(delta),训练集投影为 Y[train len],测试集投影为 Y[train len]。
- 7) 运行 onenn, 计算结果。

代码含注释,顺序执行即可:

```
class ISOMAP:
 """ISOMAP 流式学习降维算法"""
 def init (self, name="sonar", k nn=4):
   """初始化: 输入文件名: sonar/splice"""
   data train, label train = get reduction dataset(name, "train")
   data_test, label_test = get_reduction_dataset(name, "test")
   self.name = name
   self.k nn = k nn
   self.train = np.array(data train).astype(float)
   self.train label = np.array(label train).astype(int)
   self.test = np.array(data_test).astype(float)
   self.test label = np.array(label test).astype(int)
   self.data = np.append(self.train, self.test, axis=0)
   self.length = len(self.data)
 def distance_matrix(self):
    """计算原始点之间的距离矩阵"""
   dis points = np.zeros((self.length, self.length))
   for i, line i in enumerate(self.data):
      for j, line j in enumerate(self.data):
         dis_points[i, j] = np.linalg.norm(line_i-line_j) if i != j else 0
   return dis_points
 def build graph(self):
    """构建图模型:每个点和其周围最近的 k 个点有连接"""
   # 点到自身的距离为 0,故 k+=1
   k = self.k_nn + 1
   N = self.length
   dis matrix = self.distance matrix()
```

```
# 图矩阵,初始化为无穷大
  graph_matrix = np.full((N, N), fill_value=np.inf, dtype=float)
  # 计算 K 近邻,并且对称化
  for i in range(N):
    index_sort = np.argsort(dis_matrix[i])
    for j in index_sort[:k]:
       graph_matrix[i, j] = dis_matrix[i, j]
  return np.minimum(graph_matrix, graph_matrix.T)
def shortest_path(self, algorithm="floyd"):
  floyd 任意两点间距离
  采用 numpy 外积运算
  graph_matrix = self.build_graph()
  for i in range(self.length):
    graph_matrix = np.minimum(graph_matrix, np.add.outer(graph_matrix[:, i], graph_matrix[i, :]))
  return graph_matrix
def mds(self):
  经典 MDS 算法:
  S= -1/2*H*D*H
  H = I - 11^T/N
  :return: eig_vectors:特征向量, eig_values: 特征值
  graph_matrix = self.shortest_path()
  # 消除不连接分量
  isINF = np.less(graph_matrix,np.inf)
  MAX = [-np.inf, -1]
  connected = []
  for i in range(len(graph_matrix)):
    conn = np.nonzero(isINF[i])[0]
    connected.append(conn)
    if MAX[0] < len(conn):
      MAX = [len(conn), i]
  connected_index = connected[MAX[1]]
  # 非连通量
```

```
erase_value = [index for index, _ in enumerate(connected_index) if index not in connected_index]
  # 全连通距离矩阵
  conn_graph_matrix = np.take(np.take(graph_matrix, connected_index, 0), connected_index, 1)
  #print(graph_matrix[0])
  N = len(conn_graph_matrix)#self.length
  D = -0.5 * conn_graph_matrix**2
  # 中心矩阵
  H = np.eye(N) - np.ones((N, N)) / N
  S = H.dot(D).dot(H)
  # 对称矩阵特征值分解
  eig_values, eig_vectors = np.linalg.eigh(S)
  # 对特征值,特征向量排序
  indexes = np.argsort(- eig_values)
  eig values = eig values [indexes]
  eig_vectors = eig_vectors[:, indexes]
  return eig_values, eig_vectors, erase_value
def projection(self):
  """投影训练集,测试集"""
  projection_trains = []
  projection_tests = []
  eig_values, eig_vectors, erase_value = self.mds()
  # 仅使用正的特征值计算坐标
  indexes, = np.where(eig_values > 0)
  if len(indexes) < 30:
    print("!!!正的特征值不足三十个,无法进行纵向比较!!!")
    return -1, -1
  # 判断非连通量,即孤立噪声点所在的数据集
  train_len = len(self.train)
  erase_train = []
  erase_test = []
  if len(erase_value) != 0:
    for i in erase_value:
      if i < train_len:</pre>
        erase_train.append(i)
      else:
        erase_test.append(train_len-i)
    train_len -= len(erase_train)
    print("===ISOMAP 文件:%s:出现孤立点===" % self.name)
```

```
print("训练集位置:%s,测试集位置:%s" % (str(erase_train), str(erase_test)))
  for k in [10, 20, 30]:
     U = eig_vectors[:, indexes[:k]]
     delta = np.diag(np.sqrt(eig_values[indexes[:k]]))
     Y = U.dot(delta)
     projection_trains.append(Y[:train_len])
     projection_tests.append(Y[train_len:])
  return projection_trains, projection_tests, erase_train, erase_test
def run(self):
  project = self.projection()
  projections = project[:2]
  erase_train, erase_test = project[2:]
  if projections[0] != -1:
    train_label = np.delete(self.train_label, erase_train)
     test_label = np.delete(self.test_label, erase_test)
     labels = (train_label, test_label)
     onenn(projections, labels, self.name, "ISOMAP-k"+str(self.k_nn))
```

1.6 运行

对于每个文件("sonar", "splice"),分别运行 PCA, SVD, ISOMAP(k_nn=4,6,8,10)。

```
def run():
    for file in ["sonar", "splice"]:
        pca = PCA(file)
        pca.run()
        svd = SVD(file)
        svd.run()

        isomap = ISOMAP(file, 4)
        isomap.run()
        isomap = ISOMAP(file, 6)
        isomap.run()
        isomap = ISOMAP(file, 8)
        isomap.run()
        isomap = ISOMAP(file, 10)
        isomap = ISOMAP(file, 10)
        isomap.run()
```

2 结果

2.1 实验设置

数据来源: BinaryDatasets,包含如下文件: sonar-test.txt, sonar-train.txt, splice-test.txt, splice-train.txt 数据预处理: projectutil.py 中 get_reduction_dataset(name="sonar", types="train")可给定文件名返回数据及标签。

2.2 实验结果

1. 正确率比较

	PCA	SVD	ISOMAP-k4	ISOMAP-k6	ISOMAP-k8	ISOMAP-k10
K=10(sonar)	58.25%	59.22%	46.60%	41.75%	45.63%	52.43%
K=20(sonar)	56.31%	58.25%	54.37%	41.75%	46.60%	51.46%
K=30(sonar)	56.31%	56.31%	54.37%	43.69%	45.63%	54.37%
K=10(splice)	75.82%	75.86%	68.97%	67.31%	68.41%	68.83%
K=20(splice)	76.28%	76.41%	68.82%	69.89%	69.84%	69.89%
K=30(splice)	73.56%	74.80%	68.46%	72.06%	70.16%	70.02%

2. 使用 sklearn 对比

本实验中我同时使用了 sklearn 中的相关算法做了对比,差别不大,结果如下:

	PCA(实际上 为 SVD)	TruncatedSV D	ISOMAP-k4	ISOMAP-k6	ISOMAP-k8	ISOMAP-k10
K=10(sonar)	58.25%	59.22%	45.63%	41.75%	45.63%	52.43%
K=20(sonar)	56.31%	58.25%	56.31%	41.75%	46.60%	51.46%
K=30(sonar)	56.31%	56.31%	55.34%	43.69%	45.63%	54.37%
K=10(splice)	75.91%	75.82%	67.95%	67.90%	67.72%	69.19%
K=20(splice)	75.54%	76.23%	69.28%	68.83%	68.92%	70.21%
K=30(splice)	73.56%	74.67%	68.55%	69.75%	70.11%	69.61%

3. ISOMAP 说明

ISOMAP-k4 "sonar"文件中出现了孤立点(训练集位置:[83, 84, 85, 86, 87, 88],测试集位置:[]),无法进行对称矩阵特征值分解,故投影时舍弃了这几个值以及对应的标签。

4. 结果反思

利用降维算法与近邻算法进行分类的结果好坏与数据集密切相关,降维后保留的维数越多并不能保证结果更好。在本次数据集中 SVD 分解总体好于另两个算法。

ISOMAP 中构建图时 k 近邻过少会导致图不连通, k 越大, 连通性增强, 但准确率没有显著增加。

ISOMAP中出现异常点直接删除了,本题中刚好出现在训练集中,对测试集影响不大,若出现在测试集中,则未找到比较好的度量方法。并且该算法运行缓慢,运行一次6分钟左右,有待优化。

注意:

- 1. 最终提交的报告最好保存为 pdf 格式
- 2. 压缩格式为 zip 格式,请勿使用需要安装特定软件才能打开的压缩方式
- 3. 作业的文件夹目录请按照网页要求,代码、结果放在不同子文件夹中。作业网页上给出的数据不需要再次提交