Câu 1: Phân phối Bernoulli và Multinomial

Cho tập dữ liêu Education.csv

[https://drive.google.com/file/d/1Gn6YWHXRuPbTUXY5HFxM5C_t]HuZxCka/view?usp=sharing]

- Trong đó:
 - Text: Chứa đoạn văn bản liên quan đến chủ đề giáo dục.
 - Label: Chứa nhãn cảm xúc của văn bản [Tích cực (Positive)/Tiêu cực (Negative)].
- Yêu cầu: Áp dụng thuật toán Naive Bayes (phân phối bernoulli và phân phối Multinomial) để dự đoán cảm xúc của văn bản là tích cực hay tiêu cực và so sánh kết quả của hai phân phối đó.

```
In [1]:
import pandas as pd
from sklearn.feature extraction.text import TfidfVectorizer
from sklearn.model selection import train test splitt
from sklearn.naive bayes import BernoulliNB, MultinomialNB
from sklearn.preprocessing import LabelBinarizer
from sklearn.metrics import accuracy score, classification report
# Tải tập dữ liệu (thay thế bằng đường dẫn tệp cục bộ)
dataset = "D:\\hoc máy và ứng dụng\\Nguyenphamthanhhuan-
197ct09716 lab2\\Education.csv"
data = pd.read csv(dataset)
print("Dữ liệu đầu tiên để kiểm tra:")
print(data.head())
# LabelBinarizer chuyển đổi 'Dương'/'Âm' thành giá trị nhị phân (1 cho
'Dương', 0 cho 'Âm')
label binarizer = LabelBinarizer()
y = label binarizer.fit transform(data['Label']).ravel() # .ravel() chuyển
đổi vector cột thành mảng 1 chiều
# Sử dụng TfidfVectorizer để trích xuất tính năng
tfidf vectorizer = TfidfVectorizer()
X = tfidf vectorizer.fit transform(data['Text']) # Chuyển đổi văn bản thành
các tính năng số
# Chia dữ liệu thành các tập training và test
X train, X test, y train, y test = train test split(X, y, test size=0.2,
random state=42)
# Train và dự đoán bằng Bernoulli Naive Bayes
bernoulli nb = BernoulliNB()
bernoulli nb.fit(X train, y train)
y_pred_bernoulli = bernoulli nb.predict(X test)
# Đánh giá mô hình
print("\nBernoulli Naive Bayes Results:")
print("Accuracy:", accuracy score(y test, y pred bernoulli))
print("Classification Report:")
print(classification report(y test, y pred bernoulli))
# Train và dự đoán bằng cách sử dụng Multinomial Naive Bayes
multinomial nb = MultinomialNB()
multinomial nb.fit(X train, y train)
```

```
y pred multinomial = multinomial nb.predict(X test)
# Đánh giá Multinomial Naive Bayes model
print("\nMultinomial Naive Bayes Results:")
print("Accuracy:", accuracy score(y test, y pred multinomial))
print("Classification Report:")
print(classification report(y test, y pred multinomial))
# kết quả
print("\nSo sánh kết quả giữa Bernoulli và Multinomial Naive Bayes:")
print(f"Bernoulli Naive Bayes Accuracy: {accuracy score(y test,
y pred bernoulli) }")
print(f"Multinomial Naive Bayes Accuracy: {accuracy score(y test,
y pred multinomial) }")
Dữ liệu đầu tiên để kiểm tra:
                                                    Label
O The impact of educational reforms remains unce... positive
1 Critics argue that recent improvements in the ... negative
2 Innovative teaching methods have led to unexpe... positive
3 Despite budget constraints, the school has man... positive
4 The true effectiveness of online learning plat... negative
Bernoulli Naive Bayes Results:
Accuracy: 0.6363636363636364
Classification Report:
             precision recall f1-score support
          Ω
                 0.50 1.00
                                   0.67
                                                 4
                 1.00
                          0.43
                                    0.60
          1
                                                7
                                    0.64
                                                11
   accuracy
  macro avg
                0.75
                          0.71
                                   0.63
                                                11
                0.82
                                   0.62
weighted avg
                          0.64
                                                11
Multinomial Naive Bayes Results:
Accuracy: 0.6363636363636364
Classification Report:
             precision recall f1-score support
          0
                         1.00
                                    0.67
                0.50
                                                 4
                1.00
                          0.43
                                    0.60
                                    0.64
                                                11
   accuracy
                 0.75
                          0.71
                                    0.63
  macro avg
                                                11
weighted avg
                 0.82
                          0.64
                                   0.62
                                                11
```

So sánh kết quả giữa Bernoulli và Multinomial Naive Bayes: Bernoulli Naive Bayes Accuracy: 0.6363636363636364
Multinomial Naive Bayes Accuracy: 0.6363636363636364

Câu 2: Phân phối Gaussian

Cho tập dữ liệu Drug.csv

[https://drive.google.com/file/d/1 G8oXkLlsauQkujZzJZJwibAWu5PgBXK/view?usp=sharing]

- Trong đó:
 - Age: Tuổi của bệnh nhân
 - Sex: Giới tính của bệnh nhân
 - BP: Mức huyết áp
 - Cholesterol: Mức cholesterol trong máu
 - Na_to_K: Tỷ lệ Natri và Kali trong máu
 - Drug: Loại thuốc [A/B/C/X/Y]
- Yêu cầu: Áp dụng thuật toán Naive Bayes (phân phối Gaussian) để dự đoán kết quả loại thuốc phù hợp với bệnh nhân.

In [3]:

import pandas as pd from sklearn.model selection import train test split from sklearn.preprocessing import LabelEncoder from sklearn.naive bayes import GaussianNB from sklearn.metrics import accuracy score, classification report # Tải tập dữ liệu (thay thế bằng đường dẫn tệp cục bộ) dataset = "D:\\hoc máy và ứng dụng\\Nguyenphamthanhhuan-197ct09716 lab2\\drug200.csv" data = pd.read csv(dataset) print("Dữ liệu đầu tiên để kiểm tra:") print(data.head()) # Tiền xử lý: Chuyển đổi các tính năng phân loại thành các giá trị số label encoder = LabelEncoder() # Mã hóa 'Sex', 'BP', 'Cholesterol' và 'Drug' data['Sex'] = label encoder.fit transform(data['Sex']) data['BP'] = label encoder.fit transform(data['BP']) data['Cholesterol'] = label encoder.fit transform(data['Cholesterol']) data['Drug'] = label encoder.fit transform(data['Drug']) print("\nDữ liệu sau khi mã hóa nhãn:") print(data.head()) # Chia tách các tính năng (X) và mục tiêu (y) X = data[['Age', 'Sex', 'BP', 'Cholesterol', 'Na_to_K']] # Đặc trung y = data['Drug'] # Biến mục tiêu: Thuốc X train, X test, y train, y test = train test split(X, y, test size=0.2, random state=42) # Áp dụng Gaussian Naive Bayes gnb = GaussianNB() gnb.fit(X_train, y train) # Train cái model y pred = gnb.predict(X test) # Dự đoán trên tập kiểm tra # Đánh giá mô hình Gaussian Naive Bayes print("\nGaussian Naive Bayes Results:") print("Accuracy:", accuracy score(y test, y pred)) print("Classification Report:") print(classification report(y test, y pred)) Dữ liệu đầu tiên để kiểm tra:

| | Age Sex | | BP Choles | | holest | ero | L Na_to_K | Drug |
|----|---------|-----|-----------|------|--------|----------|-----------|-------|
| 0 | 23 | F | HIGH | | HIG | £ 25.355 | DrugY | |
| 1 | 47 | M | LOW | | | HIG | 13.093 | drugC |
| 2 | 47 | M | LOW | | | HIG | 10.114 | drugC |
| 3 | 28 | F | NORMAL | | | HIG | T.798 | drugX |
| 4 | 61 | F | L | OW | | HIG | 18.043 | DrugY |
| | | | | | | | | |
| Dữ | liệu | sau | khi | mã h | óa nhâ | ín: | | |
| | Age | Sex | BP | Cho | lester | col | Na_to_K D | rug |
| 0 | 23 | 0 | 0 | | | 0 | 25.355 | 0 |
| 1 | 47 | 1 | 1 | | | 0 | 13.093 | 3 |
| 2 | 47 | 1 | 1 | | | 0 | 10.114 | 3 |
| 3 | 28 | 0 | 2 | | | 0 | 7.798 | 4 |
| 4 | 61 | 0 | 1 | | | 0 | 18.043 | 0 |

Gaussian Naive Bayes Results:

Accuracy: 0.925

Classification Report:

| | precision | recall | f1-score | support |
|--------------|-----------|--------|----------|---------|
| 0 | 1.00 | 0.80 | 0.89 | 15 |
| 1 | 0.86 | 1.00 | 0.92 | 6 |
| 2 | 0.75 | 1.00 | 0.86 | 3 |
| 3 | 0.83 | 1.00 | 0.91 | 5 |
| 4 | 1.00 | 1.00 | 1.00 | 11 |
| accuracy | | | 0.93 | 40 |
| macro avg | 0.89 | 0.96 | 0.92 | 40 |
| weighted avg | 0.94 | 0.93 | 0.92 | 40 |