

# Shift-Robust Molecular Relational Learning with Casual Substructure

Domain	Molecular
i≡ tag	
© Conference / Journal	KDD
■ Publish year	2023
ᇒ 정리 날짜	@2024년 2월 10일

# **Summary**

# **Background & Motivation**

# Molecular relational learning

- Predict interaction behavior between molecular pairs
  - 。 e.g. 약이 어떤 하위 물질로 분해될지
  - drug combintation이 어떤 부작용을 일으킬지
  - 。 화학물질이 어떤 색을 띌 지
- 기존의 trial-error 기반은 한계 있음
  - 。 모든 조합 실험하기 빡셈
  - 。 Lab 환경은 error에 취약
  - 。 인간에 실험필요한 경우 위험

- ⇒ GNN이 molecular property prediction에서 대성공함
- 하지만, GNN의 real-world 적용엔 redundant/noise 등으로 useful info capture 어려움
  - 최근 연구는 그래프의 기능과 상당한 관련성 가진 core substructure 발견에 포커스
  - 다른 원자에 관계없이 어떤 core substructure 가지는 경우 chemical property 결 정하기도
    - 화학물질의 성질이나 반응 예측을 용이하게 함
    - 이 core substructure은 realtional learning과도 연관이 있음
- Core substructure learning의 challenge는 data 수집과정의 불예측성으로부터 기인 한 bias
  - meaningless substructure가 label과 우연한 연관성 있을 수 있음
    - 관련 없는데 shortcut 제공하여 core substructure 확인 없이 학습하는 경우
    - Shortcut에 의지하는 경우 Generalization 어렵게 함
- Molecular interaction prediction
  - 화학 반응으로 생성된 분자들의 성질을 학습
    - 새 분자 디자인/발견할 때 필수적
    - e.g. Delfos: recurrent NN과 attention mechanism으로 solvation free energy 예측
    - CIGIN: 분자를 그래프 구조로 모델링하여 solvaiton free energy 예측
      - co-attention map 활용: pairwise importance
  - o DDI
    - combination of drugs의 부작용 예측
    - 기존 ML기반: drug fingerprint의 similarity 비교 등
    - MHCADDI: 그래프 co-attention mechanism
    - SSI-DDI: 각 drug의 substructure간의 co-attention
    - MIRACLE: drug간의 link prediction: multi-view graph
  - 。 기존 방법들의 한계

- casual substructure가느이 causal relationship 고려 X
- specific task에만 타겟해 일반화 어려울 것

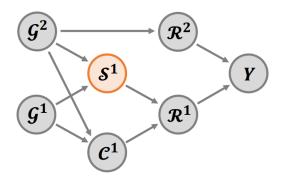
### SCM 기반

- Biased graph에서 casual substructrue을 SCM기반으로 찾아 학습하는 방법 많이 제시됨
  - o e.g. rationale extraction, graph classification, DIR, CAL
  - DIR: interventional rist간의 variance 줄여 causal substructure 찾아내 GNN prediction에 invariant explantion 제시
  - CAL: 다양한 bias level에 따라 coree substructure 학습해 synthetic graph classification
  - DisC: biased color background에서 causal substructure 찾아냄

# Methodology

### CMRL

- Robust to distributional shift in molecular relational learning by detecting the core substructure that is causally related to chemical reactions
  - 분자과학의 domain knowledge 기반 인과 relationship 가정하여 SCM(Structural Causal Model) 구축해 variable간 relationship 표현
- causal substructure를 분자 자체 외에도 pair molecule 고려해 결정
  - $\circ~$  reveals the causal relationship between a pair of molecules  $\mathcal{G}^1~\&~\mathcal{G}^2$
  - SCM기반으로 molecular relational learning을 위한 conditional intervention framework 제시



 $G^1$ : Molecule 1  $G^2$ : Molecule 2

 $\mathcal{C}^1$ : Causal Substructure in Molecule 1  $\mathcal{S}^1$ : Shortcut Substructure in Molecule 1

 $\mathcal{R}^1$ : Molecule 1 Representation  $\mathcal{R}^2$ : Molecule 2 Representation

Y: Target Value

- $\circ$   $\mathcal{C}^1$ 의 intervention space가 pair molecule  $\mathcal{G}^2$ 에 conditioned됨
  - 이 confounding effect를 conditional intervention framework로 제거
- target variable Y에 대해 발견한 causal feature  $\mathcal{C}^1$ 의 causal effect를 최대화하여 두 분자간 상호 작용을 예측
  - $\circ$  shortcut feature를 masking하여  $\mathcal{G}^2$ 에 영향받는  $\mathcal{S}^1$ 으로부터 casual substructure  $C^1$ 을 찾음

## **Questions**