

```

library(readxl)
semilla <- read_excel("data_semillas.xlsx")

# Realizamos el modelo
ajuste <- aov(y ~ tratamiento + fila + columna, data = semilla)

# Para mostrar la tabla ANOVA con anova()
anova(ajuste)

## Analysis of Variance Table
##
## Response: y
##          Df Sum Sq Mean Sq F value    Pr(>F)
## tratamiento  3  78.19   26.063  11.2703 0.0070517 **
## fila         3 329.69  109.896  47.5225 0.0001419 ***
## columna      3   3.69    1.229   0.5315 0.6771834
## Residuals    6  13.88    2.313
## ---
## Signif. codes:  0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1

```