Minimale Aufspannende Bäume - Minimum Spanning Trees (MST)

Definition

Sei G = (V, E) ein ungerichteter Graph mit reellen Kantengewichten $w : E \to \mathbb{R}$.

Ein Teilgraph ohne Zyklen heißt *Wald*. Seine Zusammenhangskomponenten heißen *Bäume*.

Ein maximaler Teilgraph ohne Zyklen heißt *aufspannender Wald*, bzw. *aufspannender Baum*, falls er nur aus einer Komponente besteht.

Ein aufspannender Baum (bzw. Wald) mit minimaler Kantengewichtssumme heißt *minimaler aufspannernder Baum* (MST), bzw. *minimaler aufspannender Wald*.

MST

Grundbegriffe

- ▶ Schnitt: Eine Partition von V in $S \dot{\cup} V \setminus S$ mit $1 \leq |S| < n$.
- ► Kreuzen: Liegt für $\{u, v\} \in E$ ein Endpunkt in S und der andere in $V \setminus S$, so kreuzt $\{u, v\}$ den Schnitt.
- Respektieren: Eine Kante, die einen Schnitt nicht kreuzt, respektiert ihn.
- Leichte Kante: Eine Kante, die den Schnitt kreuzt und minimales Gewicht hat.

Eigenschaften des MST

Eigenschaft des Schnitts:

Sei S eine Menge von Knoten von G mit |S| > 1 und |S| < n. Jeder minimale aufspannende Baum von G enthält eine leichte Kante $\{u, v\}$ mit u in S und v in $G \setminus S$.

Keine Zyklen:

Sei c ein einfacher Zyklus in G, und sei $\{u, v\}$ die Kante in c, die das höchste Gewicht hat. Dann ist $\{u, v\}$ nicht Teil eines minimalen aufspannenden Baums.

Grundidee der folgenden Algorithmen:

Wiederholtes Einfügen von leichten Kanten

Kruskal Algorithmus

Algorithm 1: Kruskal Algorithmus zum Finden eines MST:

```
A = \emptyset
2 for alle Knoten v von G do
      Speichere Knoten v als separaten Baum
4 end
  Sortiere die Kanten von G in aufsteigender Reihenfolge (Gewicht)
  for alle Kanten {u, v} von G in aufsteigender Reihenfolge do
      if u und v sind in in zwei verschiedenen Bäumen then
          A = A \cup \{u, v\}
 8
          Verbinde den Baum, der u enthält mit dem Baum, der v
 9
           enthält, mit Kante {u, v}
      end
10
11 end
```

12 Ergebnis: A

Kruskal Algorithmus

Der Algorithmus verwaltet einen Wald. Anfangs ist jeder Knoten ein Baum. Es werden immer wieder zwei Bäume vereinigt. Der Algorithmus muss feststellen können, ob zwei Knoten im gleichen Baum des derzeitigen Waldes liegen.

Darstellung der Bäume:

- Jeder Baum hat einen eindeutigen id zwischen 1 und n. Jeder Knoten v speichert den id B[v] seines Baumes.
- ► Für jeden Baum können die Knoten in linearer Zeit aufgezählt werden (z.B. mit verketteter Liste) und jeder Baum speicher seine Größe.
- ► Test, ob u, v im gleichen Baum: B[u] = B[v]? (O(1) Zeit)
- Zwei Bäume zusammenfügen: Setze die B[]-Werte im kleineren Baum auf den B[] Wert des anderen. (insgesamt höchstens Zeit O(n log n), weil jeder Knoten höchstens log₂ n mal einen neuen B[]-Wert bekommen, da sich jedesmal die Baumgröße mindestens verdoppelt.

Damit Laufzeit des Kruskal Algorithmus $O(n \log n + m \log m)$.

Prim Algorithmus

- Beginnend mit Startknoten s lässt man einen Baum wachsen, indem man immer wieder eine leichte Kante findet, die aus diesem Baum herauskreuzt.
- Min-Priority Queue Q enthält Knoten v, die noch nicht im wachsenden Baum liegen, mit Priorität k[v], nämlich der kürzesten Kante, die von v zum wachsenden Baum kreuzt.
- Algorithmus und Laufzeitanalyse ähnlich zu Dijkstra Algorithmus.
- Mit Verwendung von Hollow Heaps erzielt man eine Laufzeit von $O(m + n \log n)$.

Prim Algorithmus

Algorithm 2: Prim Algorithmus zum Finden eines MST:

```
for alle Knoten u von G do
      k[u] = \infty
    \pi[u] = NULL
4 end
5 k[s] = 0
6 Füge alle Knoten von G in Q ein
  while Q \neq \emptyset do
       u = EXTRACT-MIN(Q)
8
       for jeden Nachbarn v von u in G do
9
           if v \in Q und w(\{u, v\}) < k[v] then
10
               DECREASE-KEY(Q, v, w(\{u, v\}))
11
               \pi[v] = u
12
           end
13
14
       end
15 end
16 Ergebnis: Kanten \{\{v, \pi[v]\} \mid v \in V \setminus \{s\}\}
```