作业六. PyTorch下的神经网络训练用于AGAC的实体识别(BERT+CRF)

生信1802-余思克-2018317220208

实验目的

PyTorch—个开放源代码的机器学习框架,可加快从研究原型到生产部署的过程。本实验将采用 BERT+CRF模型,使用python中的PyTorch框架搭建的神经网络进行模型的训练从而实现AGAC语料库的 实体识别。

实验步骤

1. PyTorch框架的的安装

PyTorch安装指引: https://pytorch.org/get-started/locally/

根据自己电脑的系统、语言环境、CUDA版本等属性,选择合适的PyTorch版本进行安装。

```
pip3 install torch==1.8.1+cu111 torchvision==0.9.1+cu111 torchaudio===0.8.1 -f https://download.pytorch.org/whl/torch_stable.html # 安装windows版本的torch 1.8
```

通过进入python环境,加载 torch 框架,使用简单的torch方法验证安装是否成功。

2. 实验数据及代码的获取

通过 git clone 命令从GitHub上获取本次实验所需的AGAC数据以及相关代码文件。

```
git clone https://github.com/bionlp-hzau/BERT-CRF-for-BioNLP-OST2019-AGAC-
Task1.git # 获取实验数据及代码文件
```

3. 相关python依赖包的安装

为了完成本实验的分析任务,除了PyTorch框架之外,还需要安装一系列python包(numpy、transformers、TorchCRF),它们的名称以及版本罗列在了requirements.txt 文件中,使用 pip install 命令即可从该文件中提供的信息安装相应的依赖包。

```
pip3 install -r requirements.txt # 安装python依赖包
```

4. 模型的训练与评估

安装好所需的框架与包之后,运行主函数即可进行模型的训练与评估。其中, [label.txt 包含数据集中 涉及的所有标签,以及与[CLS], [SEP]和[Padding]对应的标签; [train_input.txt],

test_input.txt, train_input.txt, test_input.txt 文件包含BIO格式的训练数据和测试数据。模型评估使用的是 Conlleval.pl 脚本。由于笔记本算力不足,耗时较长,固修改了模型训练的参数,将epoch修改为20。

```
self.num_train_epochs = 5 # 对config.py第44行的epoch参数修改为10
```

```
python3 main.py # 模型的训练与评估
```

实验结果

1. 第一轮训练结果

第一轮训练之后,正确预测的标签数目为184个,准确度为93.45%,非-O标注下的准确度为8.47%, FB1值为19.32%。

```
processed 43128 tokens with 1610 phrases; found: 295 phrases; correct: 184.
                          8. 47%; (non-0)
    accuracy:
                          93.45%; precision:
                                                                 62.37%; recall:
                                                                                                   11.43%; FB1:
                                                                                                                               19.32%
    accuracy:
                        CPA: precision: 0.00%; recall: 0.00%; recall:
                                                                  0.00%; recall:
                                                                                                    0.00%; FB1:
                                                                                                                                0.00
                                                                                                     0.00%; FB1:
                                                                                                                                 0.00
                                                                                                                                            0
                          Enzyme: precision: 0.00%; recall:
                                                                                                     0.00%; FB1:
                                                                                                                                 0.00
                             Gene: precision: 100.00%; recall:
                                                                                                     0.32%; FB1:
                                                                                                                                 0.64
                Interaction: precision: 100.00%; recall: 0.00%; FB1:

MPA: precision: 28.57%; recall: 2.90%; FB1:

NegReg: precision: 74.00%; recall: 38.14%; FB1:

Pathway: precision: 0.00%; recall: 0.00%; FB1:

PosReg: precision: 25.00%; recall: 3.92%; FB1:
                                                                                                                                 0.00
                                                                                                                                 5.26
                                                                                                                               50.34
                                                                                                                                0.00
Protein: precision: 25.00%; recall: 3.92%; FBI: 6.78 8

Protein: precision: 0.00%; recall: 0.00%; FBI: 0.00 0

Reg: precision: 0.00%; recall: 0.00%; FBI: 0.00 0

Var: precision: 63.06%; recall: 35.99%; FBI: 45.83 222

Epoch: 0, Epoch-Average Loss: 42.508985713470814

ACC_non_0: 8.4661, ACC_inc_0: 93.4544, Precision: 62.3729, Recall: 11.4286, F1-score: 19.3176

Updated model, best F1-score: 19.3176
                                                                                                                                 6.78
```

2. 第五轮训练结果

第五轮训练之后,正确预测的标签数目为924个,准确度为95.49%,非-O标注下的准确度为63.71%,FBI值为53.23%。

```
processed 43128 tokens with 1610 phrases; found: 1862 phrases; correct: 924.
                   63.71%; (non-0)
   accuracy:
                   95.49%; precision: 49.62%; recall:
                                                                              57. 39%; FB1:
                                                                                                     53, 23%
   accuracy:
                  CPA: precision: 11.11%; recall:
Disease: precision: 46.76%; recall:
Enzyme: precision: 0.00%; recall:
                                                                             16.67%; FB1:
                                                                                                     13. 33
                                                                                                               63
                                                                              63.86%; FB1:
                                                                                                    53.99
                                                                                                               340
                                                                              0.00%; FB1:
                                                                                                     0.00 0
                     Gene: precision: 57.37%; recall: action: precision: 25.00%; recall:
                                                                                                               373
                                                                              68. 37%; FB1:
                                                                                                     62. 39
            Interaction: precision: 25.00%; recall:

MPA: precision: 22.94%; recall:

NegReg: precision: 74.44%; recall:

Pathway: precision: 28.57%; recall:

PosReg: precision: 72.20%; recall:
                                                                                                     30. 77
25. 32
                                                                              40.00%;
                                                                                          FB1:
                                                                              28. 26%; FB1:
                                                                                                                170
                                                                              69.07%; FB1:
                                                                                                    30. 77
74. 29
                                                                              33. 33%;
                                                                                          FB1:
                                                                               76. 47%;
                                                                                          FB1:
                                                                              2.50%; FB1:
57.68%; FB1:
                                                   6.67%; recall:
                  Protein: precision:
                                                                                                      3.64
Reg: precision: 64.17%; recall:

Var: precision: 47.81%; recall:

Epoch: 4, Epoch-Average Loss: 6.89190846127133
                                                                                                    60. 75
53. 87
                                                                                                                240
                                                                              61.70%; FB1:
                                                                                                               502
ACC_non_0: 63.7118, ACC_inc_0: 95.4948, Precision: 49.6241, Recall: 57.3913, F1-score: 53.2258
Updated model, best F1-score: 53.2258
```

讨论

通过不同轮数的训练数据的对比可以发现,神经网络实现的BERT+CRF模型能够快速迭代优化并显著提升模型预测准确度,仅仅在五轮训练之后,便达到了95.49,且非-O准确度也提升至63.71%,该模型的预测效果已经显著高于Wpiti工具的预测能力了,说明神经网络的出现对曾经的序列标注工具提出了很大的挑战。但是,神经网络也有一定的缺点,其进行模型训练时非常耗时,且需要大量的计算资源,训练出更优质的模型,获取更好的预测效果意味着付出大量的时间与算力成本,综合来说,神经网络是打破传统的一种新颖且优质的实体识别方法,可以广泛应用于各种领域的学习问题之中。

本次实验在进行模型训练时,可能会对model问题进行报错,原因是文件夹中没有相应的model文件。解决方法是通过网站: https://huggingface.co/dmis-lab/biobert-base-cased-v1.1/tree/main下载model文件(congfig.json、vocab.txt、pytorch_model.bin 三个文件),并把它们放置在一个文件夹中,然后在 config.py 脚本中修改 self.model_name 参数,将其指定为model文件所在的文件夹地址,即可解决该问题。