Semestrálna práca [30 bodov]

Zadanie:

V rámci semestrálnej práce je potrebné spracovať riešenie prípadovej štúdie problému s návrhom prototypu. Problémom, ktorý budete musieť spracovať, je vyhodnotenie údajov o genetických mutáciách HFE génu z dostupného datasetu a analýza ich súvislosti s vekom, pohlavím a diagnózami pacientov s cieľom určiť pravdepodobné genetické riziko pre vznik hereditárnej hemochromatózy. Zozbierané údaje máte pripravené v súbore **SSBU25_dataset.xls**.

Dataset obsahuje výsledky genetického testovania HFE génu (mutácie C282Y, H63D a S65C), ktoré sú relevantné pre hemochromatózu, autozomálne recesívne ochorenie. Detailnejšie informácie o ochorení: https://www.aafp.org/pubs/afp/issues/2021/0900/p263.html.

Cieľom štúdie je vytvorenie prototypu pre vyhodnocovanie predikcie ochorenia hereditárnej hemochromatózy.

Problém bude detailne predstavený odborníkom z praxe:

RNDr. Alexandra Pôbišová, PhD., MPH.,

laboratórny diagnostik so špecializáciou v laboratórnych a diagnostických metódach v klinickej genetike;

na prednáške konajúcej sa 10.4.2025 o 10:00.

Vypracovanie bude zahŕňať:

- dokumentácia k prípadovej štúdii
- spracovaný dataset (vami upravené údaje predspracovaním, ktoré ste ďalej vyhodnocovali)
- návrh prototypu riešenia (softvérová aplikácia v štádiu prototypu)
- prezentáciu výsledkov a prototypu

V dokumentácii je potrebné vypracovať nasledujúce body:

- vysvetlenie pochopenia údajov a problému
- špecifikovanie prípravy a predspracovania údajov
- popis a analýza vybratej techniky použitej v riešení
- návrh a popis prototypu riešenia
- analýza a vyhodnotenie výsledkov

Úlohy:

- 1. Očistite dataset Rozhodnite, čo urobíte s neštandardnými alebo chybnými hodnotami (napr. chýbajúce výsledky, zlé formátovanie) a zabezpečte konzistentné označenie genotypov.
- 2. Skontrolujte, či sú HFE genotypy v Hardy-Weinbergovej rovnováhe pre každú mutáciu. Táto metóda bude vysvetlená na pozvanej prednáške.
- 3. Zistite percentuálne zastúpenie jednotlivých genotypov pre každú mutáciu (C282Y heterozygot, H63D zložený heterozygot, S65C homozygot mutant). Koľko pacientov je prenášačmi a koľko má genetickú predispozíciu na rozvoj hereditárnej hemochromatózy?
- 4. Skúmajte, či existuje súvislosť medzi HFE mutáciami a diagnózami pacientov, najmä chorobami pečene (K76.0, K75.9).
- 5. Vytvorte grafy zobrazujúce rozdelenie genotypov, ich vzťah k veku, pohlaviu a diagnózam. (Manažment pacienta závisí nielen od genotypu alebo aj od pohlavia pre danom ochorení.)
- 6. Analyzujte diagnózy podľa MKCH-10 a vývoj v čase, teda roztrieďte pacientov do skupín podľa typov diagnóz (napr. ochorenia pečene, metabolické poruchy) podľa klasifikácie MKCH-10. Zohľadnite rok vyšetrenia a analyzujte, či sa výskyt alebo označenie niektorých diagnóz menilo v čase. Identifikujte prípadné zastarané kódy a overte ich aktuálnosť podľa štandardov NCZI alebo WHO (https://www.nczisk.sk/Standardy-v-zdravotnictve/Pages/MKCH-10-Revizia.aspx).

Rozdelenie bodov:

Úloha Max. získi	ateľné i	body
--------------------	----------	------

Ciona	maxi ziskateme body
Dokumentácia k prípadovej štúdii	10
Spracovanie datasetu a analýza	7
Návrh a implementácia prototypu softvérového	8
riešenia	
Prezentácia výsledkov a funkčného prototypu	5
Bonusové body: použitie Gitu	3
Snolu	30 + 3

Bonusové body:

Za použitie systému Git počas vypracovania semestrálnej práce môže skupina získať bonusové body. Hodnotí sa najmä aktívne využitie verzionovania, priebežné commity dokumentujúce vývoj riešenia a efektívna spolupráca členov tímu prostredníctvom Git repozitára. Maximálne je možné získať 3 body navyše.

Odovzdanie:

Semestrálnu prácu môžete vypracovávať skupinovo, tak aby skupinu tvorili najviac 4 študenti. **Do 9.4.2025 je potrebné nahlásiť zoznam členov a názov skupiny**. Riešenie za skupinu **odovzdáva jeden člen** skupiny vo forme balíčka zip s pomenovaním [Názov_skupiny].zip, najneskôr **do 18.5.2025 23:59** cez platformu MS Teams.

Obhajoba:

Obhajoby budú prebiehať v prvý/druhý týždeň skúškového obdobia, presný termín bude stanovený neskôr.