cluster alu

November 15, 2020

1 Clusterización

Vamos a ver este temita. Acá en este párrafo introductorio me gustaría escribir un breve resumen de lo que hagamos, pero lo voy a saber recién cuando tenga algo jeje. ***

Empezamos por importar las librerías y módulos que vamos a usar

```
[96]: import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn.cluster import KMeans
import PIL
from PIL import Image
from matplotlib import image
print('Pillow Version:', PIL.__version__)
```

Pillow Version: 7.2.0

Y luego vamos a cargar dos funciones que van a ser claves en el trabajo.

- 1. rgb_to_hsv: Función que recibe RGB y devuelve HSV
- 2. hsv to rgb: Función que recibe HSV v devuelve RGB

```
[ 0. , 0. , 100. ]])
    ,, ,, ,,
    input_shape = rgb.shape
    rgb = rgb.reshape(-1, 3)
    r, g, b = rgb[:, 0], rgb[:, 1], rgb[:, 2]
    maxc = np.maximum(np.maximum(r, g), b)
    minc = np.minimum(np.minimum(r, g), b)
    v = maxc
    deltac = maxc - minc
    s = deltac / maxc
    deltac[deltac == 0] = 1 # to not divide by zero (those results in any wayu
 →would be overridden in next lines)
    rc = (maxc - r) / deltac
    gc = (maxc - g) / deltac
    bc = (maxc - b) / deltac
   h = 4.0 + gc - rc
    h[g == maxc] = 2.0 + rc[g == maxc] - bc[g == maxc]
    h[r == maxc] = bc[r == maxc] - gc[r == maxc]
    h[minc == maxc] = 0.0
    h = (h / 6.0) \% 1.0
    res = np.dstack([h, s, v])
    return res.reshape(input_shape)
def hsv_to_rgb(hsv):
    >>> from colorsys import hsv_to_rgb as hsv_to_rgb_single
    \Rightarrow r=\{:.0f\} q=\{:.0f\} b=\{:.0f\}'.format(*hsv_to_rqb_single(0.60, 0.79, 239))
    'r=50 q=126 b=239'
    >>> r=\{:.0f\} g=\{:.0f\} b=\{:.0f\}'.format(*hsv_to_rgb_single(0.25, 0.35, 200.))
→0))
    'r=165 q=200 b=130'
    >>> np.set_printoptions(0)
    >>> hsv to rqb(np.array([[[0.60, 0.79, 239], [0.25, 0.35, 200.0]]]))
    array([[[ 50., 126., 239.],
            [ 165., 200., 130.]]])
    >>> r=\{:.0f\} q=\{:.0f\} b=\{:.0f\}'. format(*hsv_to_rqb_single(0.60, 0.0, 239))
    'r=239 g=239 b=239'
    >>> hsv_to_rgb(np.array([[0.60, 0.79, 239], [0.60, 0.0, 239]]))
    array([[ 50., 126., 239.],
           [ 239., 239., 239.]])
    input_shape = hsv.shape
```

```
hsv = hsv.reshape(-1, 3)
  h, s, v = hsv[:, 0], hsv[:, 1], hsv[:, 2]
  i = np.int32(h * 6.0)
  f = (h * 6.0) - i
  p = v * (1.0 - s)
  q = v * (1.0 - s * f)
  t = v * (1.0 - s * (1.0 - f))
  i = i \% 6
  rgb = np.zeros_like(hsv)
  v, t, p, q = v.reshape(-1, 1), t.reshape(-1, 1), p.reshape(-1, 1), q.
\rightarrowreshape(-1, 1)
  rgb[i == 0] = np.hstack([v, t, p])[i == 0]
  rgb[i == 1] = np.hstack([q, v, p])[i == 1]
  rgb[i == 2] = np.hstack([p, v, t])[i == 2]
  rgb[i == 3] = np.hstack([p, q, v])[i == 3]
  rgb[i == 4] = np.hstack([t, p, v])[i == 4]
  rgb[i == 5] = np.hstack([v, p, q])[i == 5]
  rgb[s == 0.0] = np.hstack([v, v, v])[s == 0.0]
  return rgb.reshape(input_shape)
```

Vamos a cargar la imagen con la que vamos a trabajar y la mostramos por pantalla

```
[98]: foto1 = image.imread('DSC01535.JPG')
# foto1 = image.imread('DSC01537.JPG')
plt.figure(figsize=(12, 8))
plt.imshow(foto1)
print(foto1.shape)
```

(2304, 3072, 3)



Vemos que el **shape** de la imagen es 2304 filas por 3072 columnas en 3 canales.

Ahora, como la imagen es muy grande, vamos a downsamplearla de forma tal de trabajar con menos cantidad de píxeles (por comodidad)

```
(154, 205, 3)
```

print(foto_apil1.shape)



Ahí vemos que tenemos la imagen anterior *pixelada*, osea, con menos puntos o con menos **dpi**.

El **shape** de la nueva imagen es de 154 filas por 205 columnas, en 3 canales.

Luego pasamos la imagen, que está en RGB a HSV (Hue, Saturation, Value o Matiz, Saturación, Valor).

Además, extraemos estas 3 matrices a variables individuales H, S y V.

El tipo de dato es entero sin signo de 8-bit

```
[101]: # foto_hsv = rgb_to_hsv(foto_apil1)
    foto_hsv = foto_apil1
    # Acá separo los resultados para los distintos parámetros
    H = foto_hsv[:,:,0]
    S = foto_hsv[:,:,1]
    V = foto_hsv[:,:,2]
[102]: fil, col = np.shape(V)
    print(f'{fil} filas, {col} columnas')
```

154 filas, 205 columnas

La idea ahora es hacer un **reshape** para meter en una sola lista (o vector) cada uno de los canales. Para esto,

```
[103]: R = np.double( H.reshape(fil*col, 1, order='F') )
G = np.double( S.reshape(fil*col, 1, order='F') )
B = np.double( V.reshape(fil*col, 1, order='F') )
```

Nota:

lo de order = 'F' es por como va a hacer el reshape la función. Si le decís **F** ordena primero el primer elemento de cada **Fila**, luego el segundo y así. Si le decís **C** ordena primero la primer fila (entera), luego la segunda, y así.

```
mat = np.array([[1, 2, 3], [4, 5, 6]])
mat_F = mat.reshape(6, order = 'F')
mat_C = mat.reshape(6, order = 'C')
print(mat)
print(mat_F)
print(mat_C)
Output:
[[1 2 3]
  [4 5 6]]
[1 4 2 5 3 6]
[1 2 3 4 5 6]
```

Vemos la forma de alguno de estos muchachos

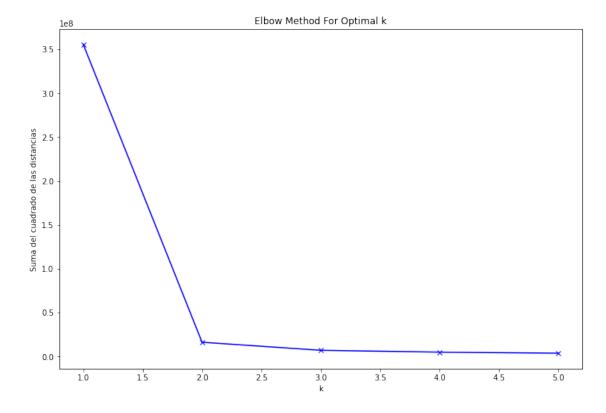
1.1 Acá empieza la parte de clusterización

Primero creamos un lista que va a albergar los resultados de **KMeans** para cada número ${\bf k}$ de clústers.

```
[107]: Sum_of_squared_distances = []
K = range(1, 6)
for k in K:
    km = KMeans(n_clusters=k)
    km = km.fit(H)
    Sum_of_squared_distances.append(km.inertia_)
```

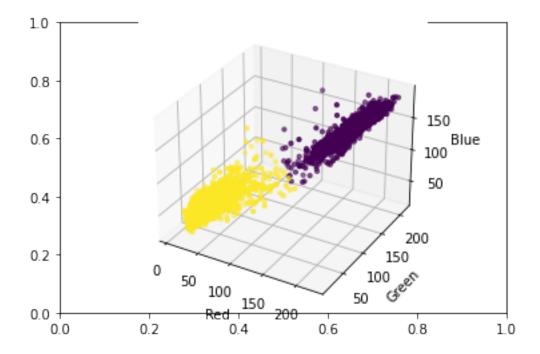
Y ahora ploteamos un gráfico que te muestra cómo desciende la *suma del cuadrado de las distancias* con el aumento de número de clústers.

[108]: Text(0.5, 1.0, 'Elbow Method For Optimal k')



Nos quedamos con número de clústers igual a 2 que es el que tiene más sentido.

[111]: Text(0.5, 0, 'Blue')



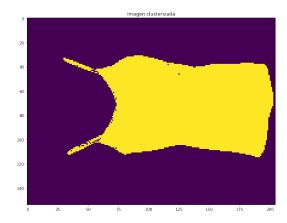
```
[112]: T = kmeans.labels_
```

```
mT = T.reshape(fil, col, order='F')

fig, ax = plt.subplots(1, 2, figsize=(25, 10))
ax[0].imshow(foto_apil1)
ax[0].set_title('Imagen original')
ax[1].imshow(mT)
ax[1].set_title('Imagen clusterizada')
```

[112]: Text(0.5, 1.0, 'Imagen clusterizada')





[113]: T.shape

[113]: (31570,)

LO QUE ME QUEDA HACER:

- Terminar de comentar bien la última parte
- Embellecer un poco el asunto