# Supervised learning 3

성균관대학교 모용철

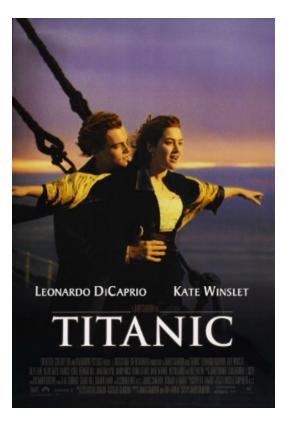
### 목차

Decision Tree(DT)

Random Forest(RF)

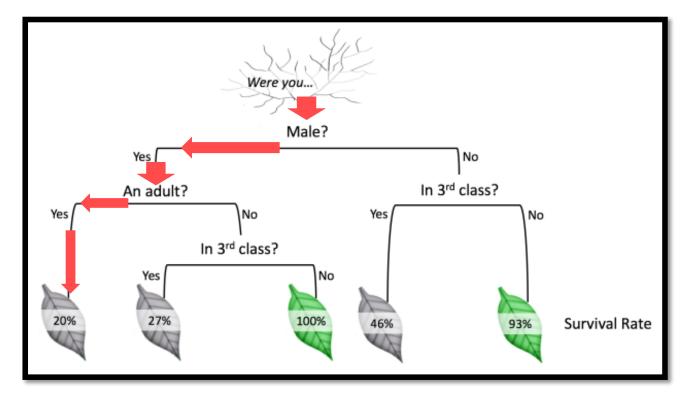
Support Vector Machine(SVM)

▶ Example : 타이타닉 호 생존율 예측



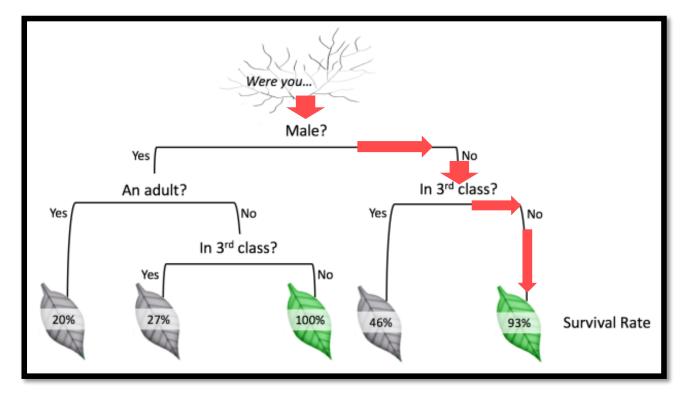


- ▶ Example : 타이타닉 호 생존율 예측
  - ▶ 탑승자 데이터를 기반으로 생존율 예측하는 decision tree모델을 만들었다.



▶ Q: 이승헌 조교가 타이타닉 2등석에 탑승했다. 타이타닉 침몰 후에 생존했을 확률은? 20%

- ▶ Example : 타이타닉 호 생존율 예측
  - ▶ 탑승자 데이터를 기반으로 생존율 예측하는 decision tree모델을 만들었다.



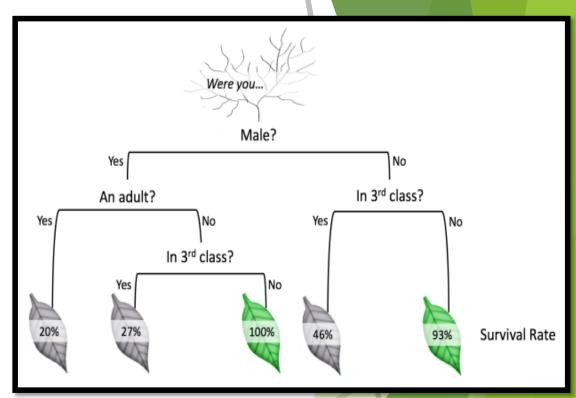
▶ Q: 아이유가 타이타닉 1등석에 탑승했다. 타이타닉 침몰 후에 생존했을 확률은? 93%

- ▶ 지도학습(supervised learning) 알고리즘
- ► Training:

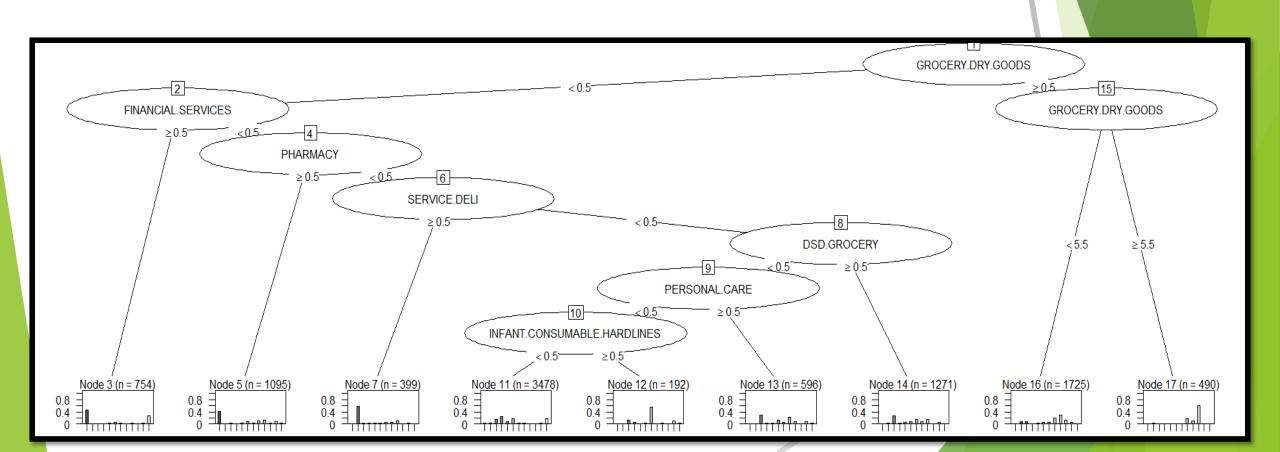
각 node에서 target 값이 잘 분류되도록 feature를 기준으로 데이터를 나눔.

#### Predict:

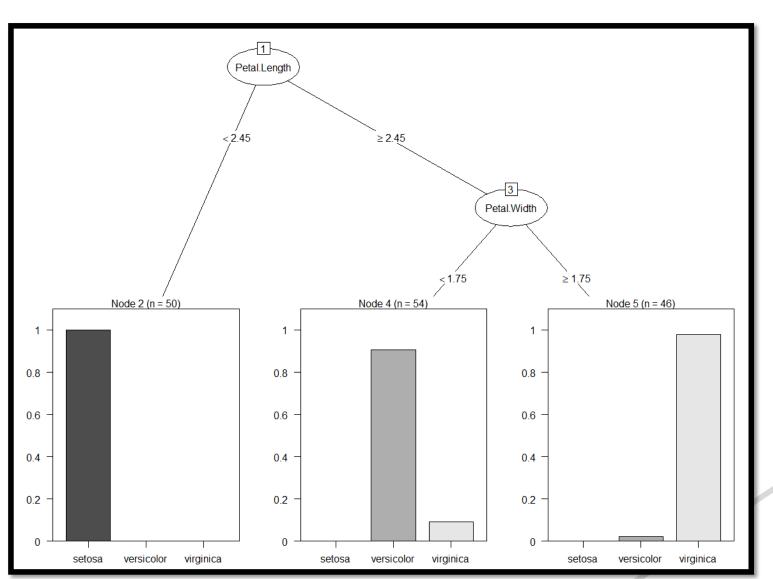
맨 위에서 시작하여 데이터의 input 값을 이용하여 node의 분류를 따라 내려감. 예측 결과 = 마지만 node에 모인 데이터들의 target 값으로 결정



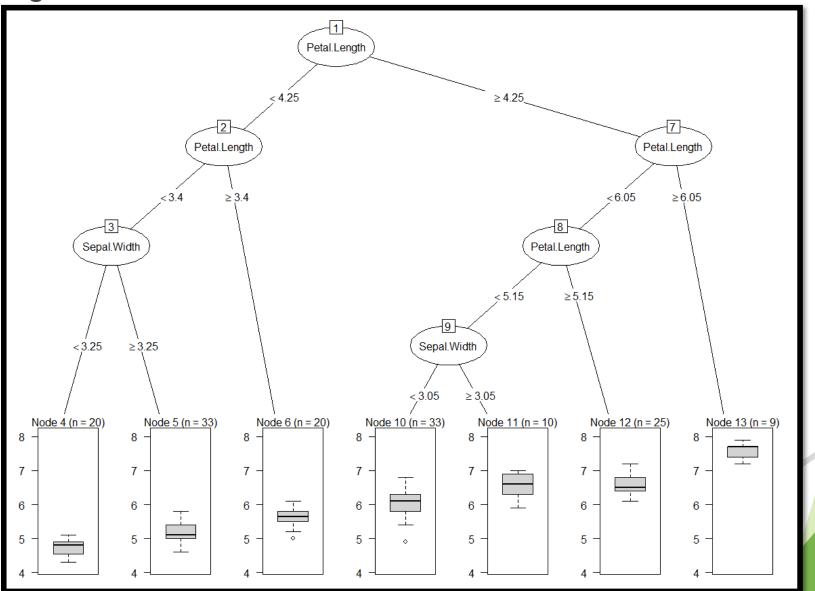
- ▶ 쓰임새
  - ▶ Classification, regression 모델
  - ▶ 데이터 셋 구조에 대한 통찰(insight) 제공
  - ▶ 중요한 feature 확인



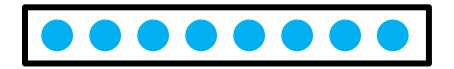
▶ Q: class가 여러 개인 경우도 가능? YES



▶ Q: regression도 가능? YES

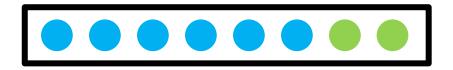


- ▶ Decision Tree 만드는 방법
  - ▶ 집합(Set)의 불순도(impurity)
    - ▶ 집합이 얼마나 순수(pure)하지 않은가에 대한 척도(여러 척도가 존재함)
    - ightharpoonup Ex) 정보 엔트로피:  $\mathbf{H}[x] = -\sum_x p(x) \log_2 p(x)$



이것은 **하나도 안** impure 하다





이것은 **조금** impure 하다

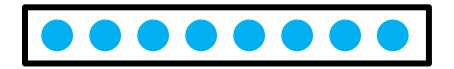




이것은 **많이** impure 하다



- ▶ Decision Tree 만드는 방법
  - ▶ 집합(Set)의 불순도(impurity)
    - ▶ 집합이 얼마나 순수(pure)하지 않은가에 대한 척도 (여러 척도가 존재함)
    - ightharpoonup Ex) 정보 엔트로피:  $\mathbf{H}[x] = -\sum_x p(x) \log_2 p(x)$



이것은 **0만큼** Impure 하다





이것은 **0.588만큼** impure 하다





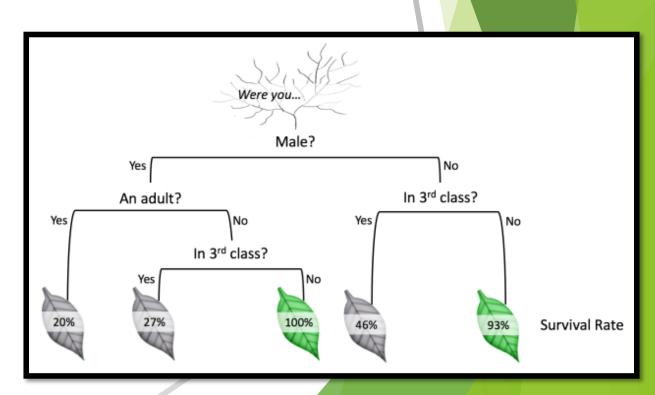
이것은 **1.256만큼** impure 하다

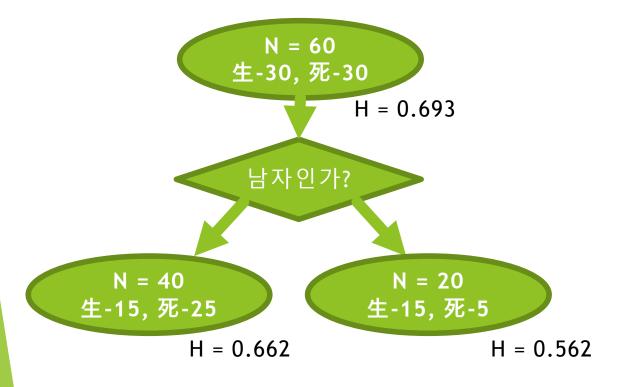


- ▶ Example : 타이타닉 호 생존율 예측
  - ▶ 탑승자 데이터

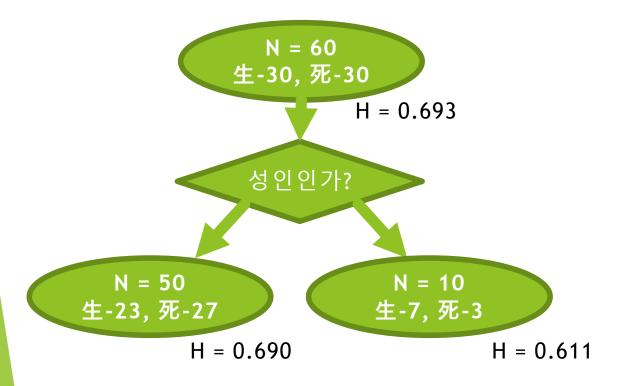
이름	성별	성인	객실	사망
디카프리오	남자	성인	3등석	사망
윈슬렛	여자	성인	1등석	생존
손흥민	남자	아동	2등석	생존
:	:	:	:	:



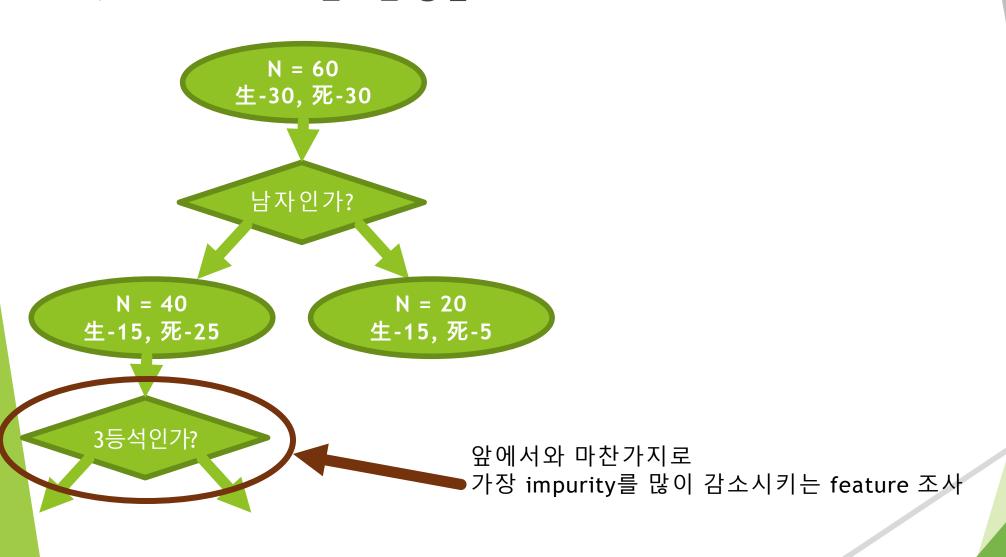




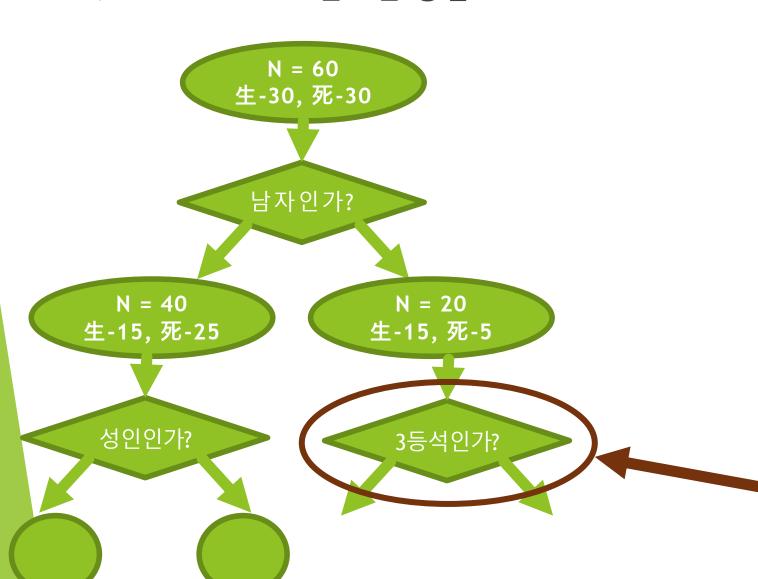
```
성별을 기준으로 나누었을 때
감소한 impurity(여기선 엔트로피):
1
[(60 * 0.693) - (40 * 0.662 + 20 * 0.562)]
=0.064
```



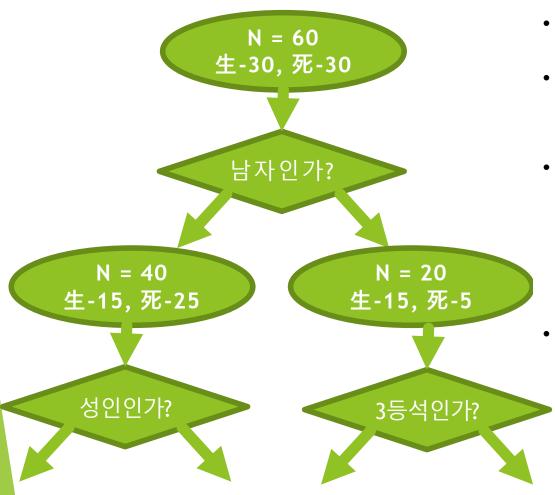
- 성별을 기준으로 나누었을 때 감소한 impurity : 0.064
- 성인 여부를 기준으로 나누었을 때 감소한 impurity: 0.016
- 같은 방식으로 모든 feature에 대해서 impurity 감소 조사
- →가장 impurity를 많이 감소시킨 분류 기준 선택



▶ Decision Tree 만드는 방법

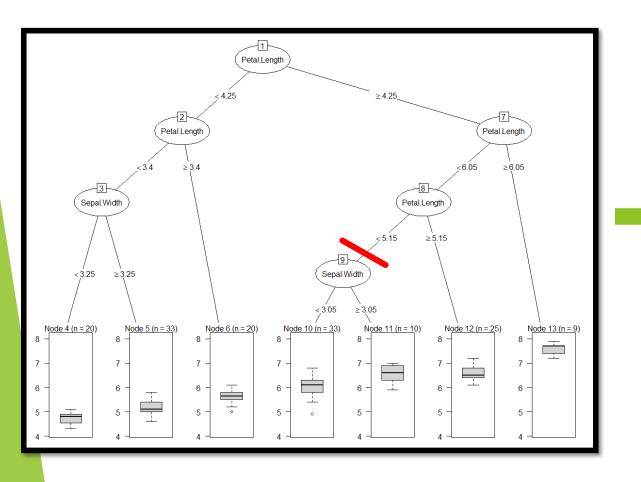


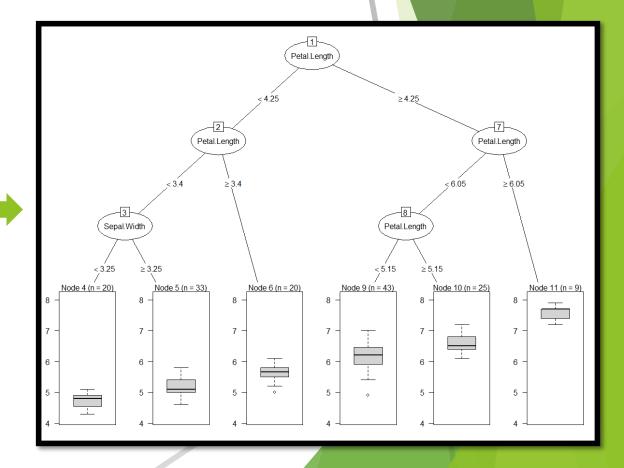
가장 impurity를 많이 감소시키는 feature 조사



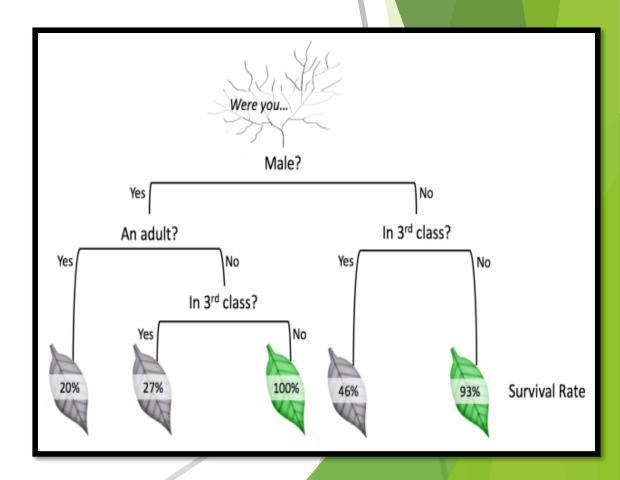
- 이런 식으로 계속 가지를 쳐 나간다.
- 언제까지? 모든 가지에서 종료조건을 만족할 때까지
- 종료 조건
  - 원하는 깊이에 도달
  - 나눌 데이터의 숫자가 너무 작음
  - Impurity 감소가 너무 작음
  - 등등
- 계산 노가다이지만, 계산은 누가 한다? 내가 아니라 컴퓨터가 ㅎ

- ▶ Pruning(가지치기)
  - ▶ 만들어 놓은 decision tree의 가지를 제거하기
    - ▶ Overfitting을 막아 예측 정확도 상승



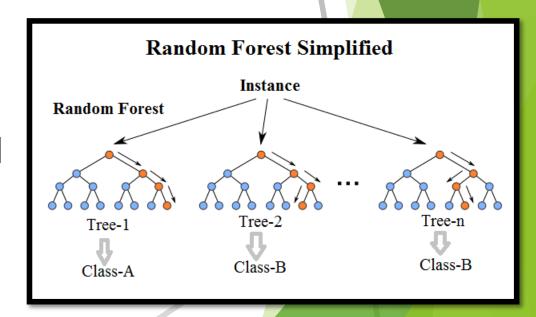


- ▶ 장점
  - ▶ White box algorithm : 모델이 왜 이런 결과를 내었는지 쉽게 해석이 가능하다.
  - ▶ 데이터 셋 구조에 대한 통찰(insight) 제공
  - ▶ 중요한 feature 확인
  - ▶ simple and fast : 다른 알고리즘에 응용됨
- ▶ 단점
  - ▶ 한번에 하나의 feature에 대해서만 분류
    - ▶ Decision boundary가 축에 수직하다
  - ▶ Feature의 수가 많아지면 계산량이 급격히 증가
  - ► 단독으로 쓰이면 다른 복잡한 모델에 비해 낮은 예측정확도



- Theorem
  - 같은 알고리즘을 사용하는 서로 독립인 예측 모델들을 평균/다수결로 합치면 정확도가 상승한다.
    - ▶ 증명: One can easily show that...
    - ▶ 더 깊이 알고 싶다면 bias-variance trade off 검색 혹은 가까운 조교에게 문의

- Random Forest
  - ▶ 여러 개의 조금씩 다른 decision tree를 만든 뒤 다수결 투표 결과로 데이터 분류
  - ▶ Forest = 숲 = 많은 나무 = 많은 decision tree

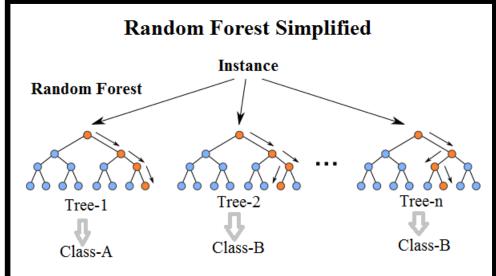


- Random Forest
  - ▶ 여러 개의 조금씩 다른 decision tree를 만든 뒤 다수결 투표 결과로 데이터 분류

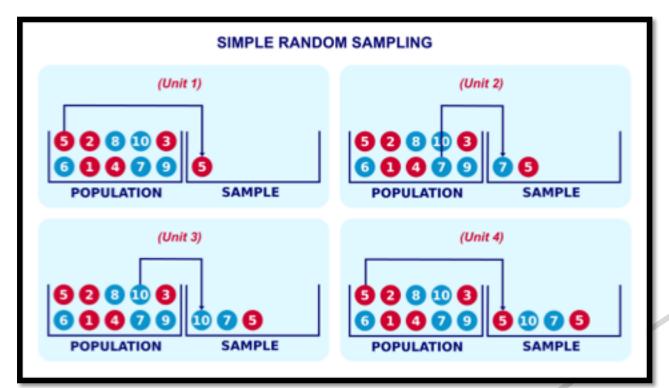
▶ Fact 1 : decision tree는 input data가 같으면 항상 같은 모델이 만들어짐.

▶ Fact 2 : Theorem에서, 다수결에 참여하는 모델들 사이에 correlation이 낮을 수록(output이 서로 독립에 가까울수록) 상승하는 정확도가 커짐.

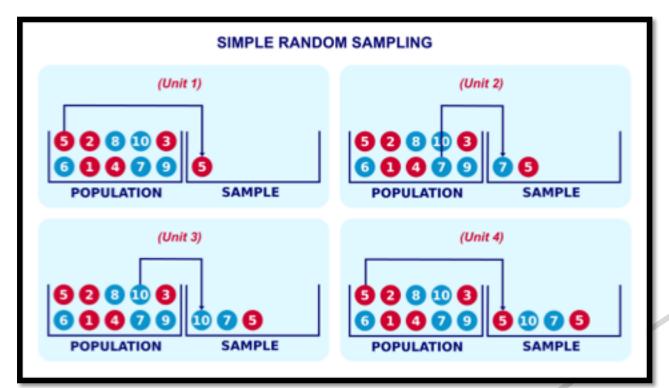
- ▶ 따라서 각 decision tree가 가능한 최대한 다르도록 2가지 테크닉을 사용함.
  - 1. Bagging
  - 2. Random subspace sampling



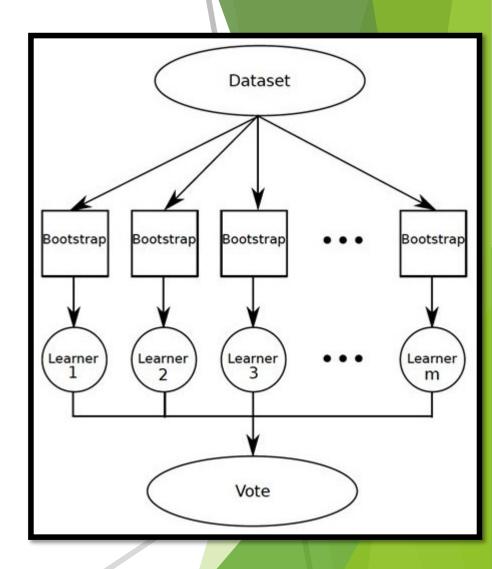
- Bagging
  - ▶ Bootstrap aggregation의 약자
  - ▶ Training dataset과 비슷하지만 다른 여러 데이터 셋을 만드는 테크닉
  - ▶ Training dataset(data n개)에서 n번 복원추출하여 bootstrap set을 만든다.



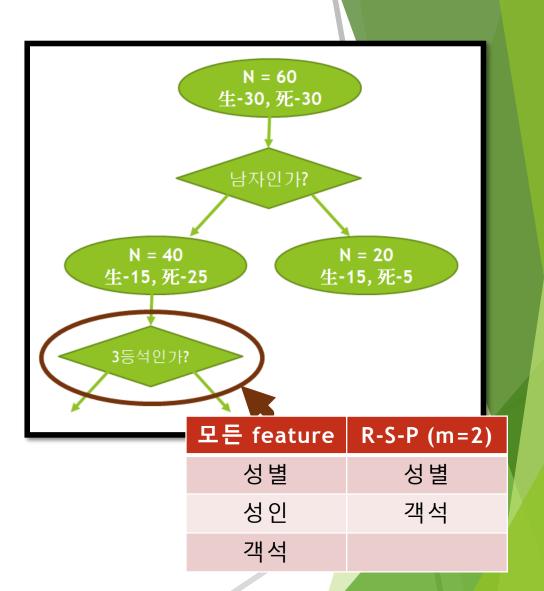
- Bagging
  - ▶ Bootstrap aggregation의 약자
  - ▶ Training dataset과 비슷하지만 다른 여러 데이터 셋을 만드는 테크닉
  - ▶ Training dataset(data n개)에서 n번 복원추출하여 bootstrap set을 만든다.

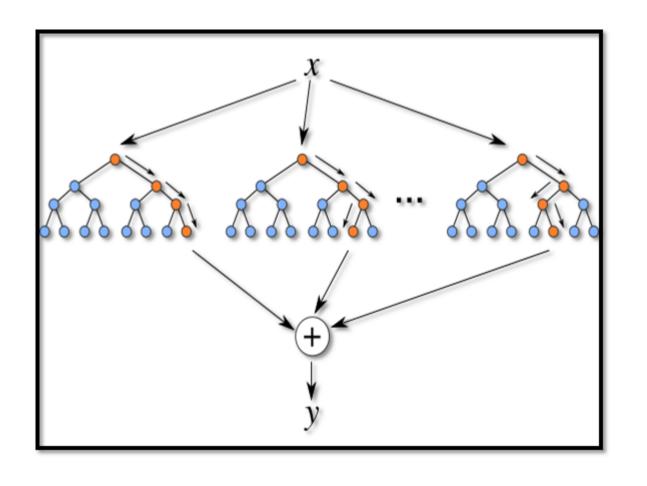


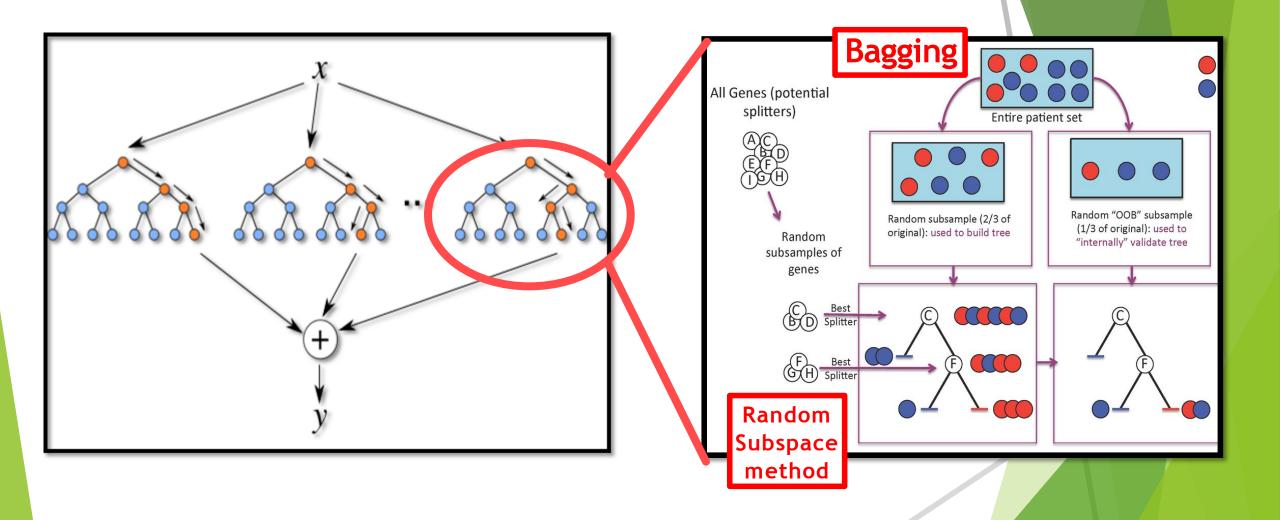
- Bagging
  - ▶ Training dataset(data n개)에서 n번 복원추출하여 bootstrap set을 만든다.
  - ▶ bootstrap set을 여러 개를 만든다.
  - ▶ 각 bootstrap set으로 예측모델을 training한다.
  - ▶ 모델의 output = 각 모델의 결과들을 다수결



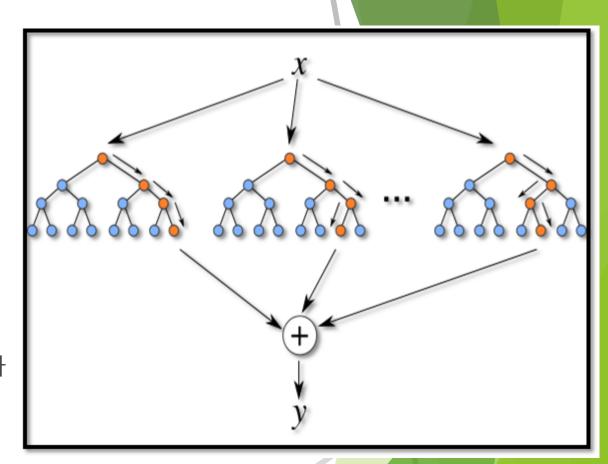
- ► Random subspace sampling
  - ▶ Decision Tree의 node를 만들 때
    - ▶ 모든 feature 중에서 impurity를 많이 감소시키는 feature를 선택한다.
    - ▶ 근데 random subspace sampling은,
       모든 feature중에서 찾는 게 아닌
       모든 feature 중 랜덤으로 m개를 뽑아서
       그 중에서 impurity 감소를 조사한다.





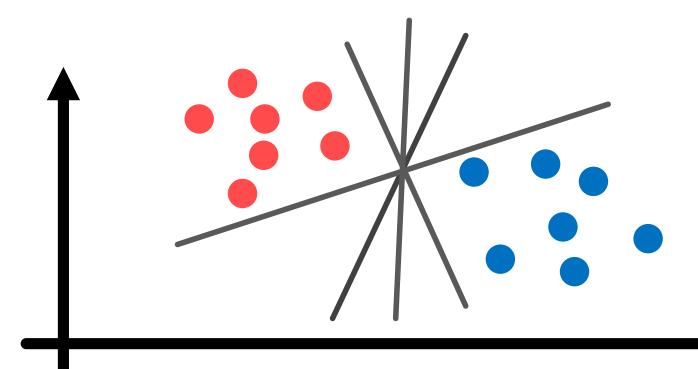


- ▶ 장점
  - ▶ 많이 정확하다.
  - ▶ 좋은 '부산물 '
    - ▶ 변수중요도 제공
    - ▶ 자체 error rate 제공
- ▶ 단점
  - ▶ 한번에 하나의 feature에 대해서만 분류
    - ▶ Decision boundary가 축에 수직하다
  - ▶ Feature의 수가 많아지면 계산량이 급격히 증가



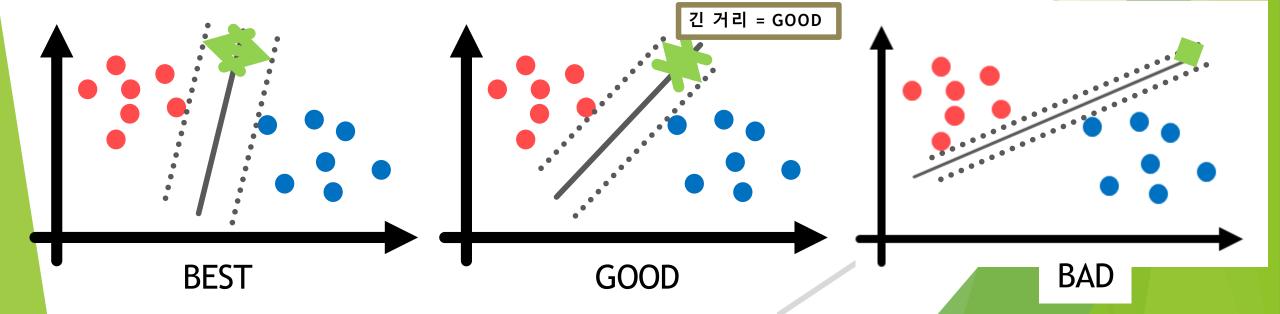
# Support Vector Machine

- ▶ 주어진 데이터에서 red와 blue를 분류하는 직선(혹은 hyperplane)을 찾는 문제
- ▶ Red와 blue를 나누는 직선은 무수히 많다.
- ▶ 그 중에 어떤 직선이 제일 좋을까?





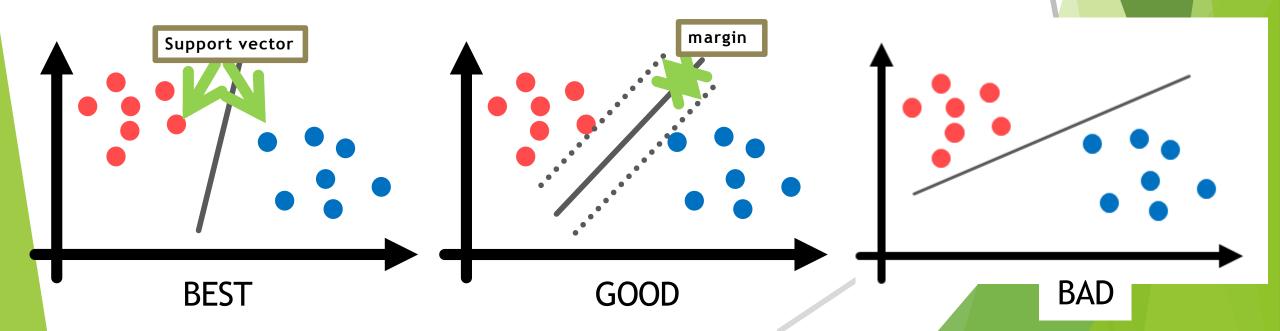
- ▶ 이런 기준은 어떨까?
  - ▶ (직선-가장 가까운 red 거리) + (직선-가장 가까운 blue 거리)가 크다 = GOOD



- ▶ 이런 기준은 어떨까?
  - ▶ (직선-가장 가까운 red 거리) + (직선-가장 가까운 blue 거리)가 크다 = GOOD

≡ margin 가장 가까운 red, blue : support vector

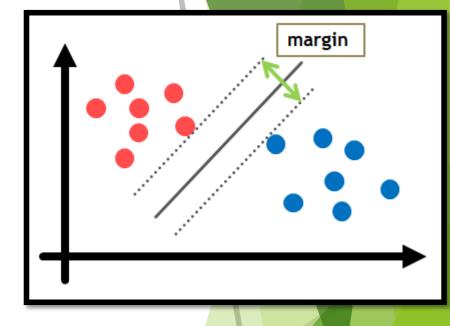
- ▶ margin이 클수록 분류가 안정적이다.
- ▶ 따라서 margin이 최대가 되는 직선을 찾자!
- ▶이것이 SVM의 Key Idea



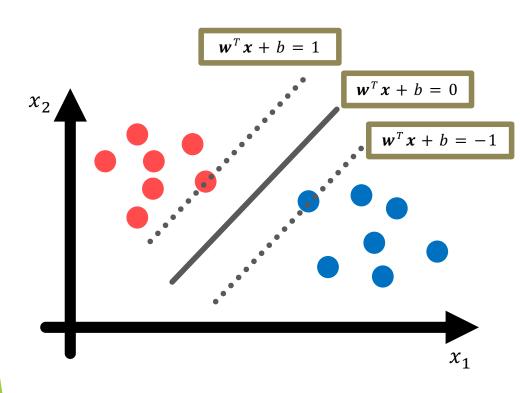
▶ 두 집단을 분류하는 직선(혹은 hyperplane)을 찾는 문제

▶ Margin이 최대가 되는 직선을 찾으면 된다!





▶ Q:근데 그 좋은걸 어떻게 찾나요?



- 직선(hyperplane)의 방정식 :  $\mathbf{w}^T \mathbf{x} + b = 0$
- 직선  $\mathbf{w}^T \mathbf{x} + b = 0$ 과 support vector 사이의 거리 :  $\frac{1}{||\mathbf{w}||_2}$
- Margin =  $\frac{1}{||w||_2} + \frac{1}{||w||_2} = \frac{2}{||w||_2} = \frac{2}{||w||_2}$

최대화 하는 w와 b를 찾자!

Red는 직선의 왼쪽, Blue는 직선의 오른쪽 :  $x_1$ 가 Red에 속하는 점이면  $w^Tx + b > 1$   $x_2$ 가 Blue에 속하는 점이면  $w^Tx + b < 1$ 

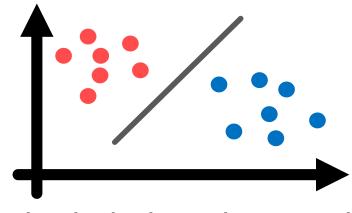
- 풀어야 하는 수학문제 :
- Find w, b such that  $\max_{|w|_2} = \min_{|w|_2} |w|_2^2$ 
  - $x_1$ 가 Red에 속하는 점이면  $w^Tx + b > 1$
  - $x_2$ 가 Blue에 속하는 점이면  $w^Tx + b < 1$
- 이런 문제를 푸는 수학 분야:

### **Optimization**

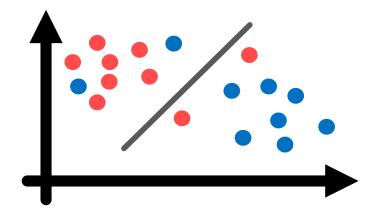
#### Optimization이론을 이용해서 풀면 된다! 어려워서 생략

더 깊이 알고 싶다면 SVM 검색 혹은 가까운 조교에게 문의

▶ Q: 데이터가 이렇게 이쁘게 나뉘어 있지 않고

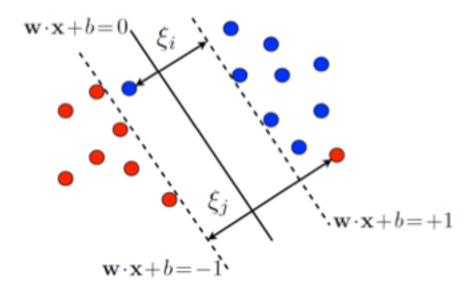


이렇게 섞여있으면 못쓰지 않나요?



▶ A: 그럴까봐 만들었습니다. C-SVM

- ► C-SVM
  - ▶ 분류 선을 넘긴 데이터를 허용, but 넘은 만큼 페널티



Find w, b such that maximize  $\frac{2}{||w||_2} = \min \frac{1}{2} ||w||_2^2 + C \sum_{i=1}^n \overline{\xi_i}$ 

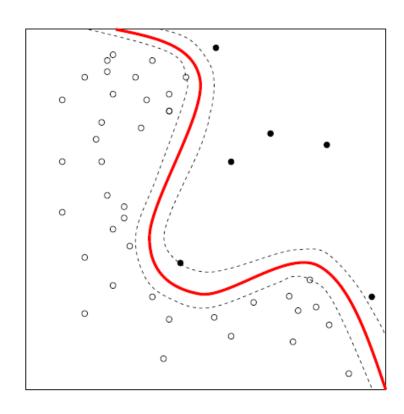
- $x_1$ 가 Red에 속하는 점이면  $w^T x + b > 1 \xi_i$ ,  $\xi_i \ge 0$
- $x_2$ 가 Blue에 속하는 점이면  $w^Tx + b <$

$$> 1-\xi_i, \quad \xi_i \geq 0$$

$$\{1-\xi_i,\quad \xi_i\geq 0\}$$

**Optimization** 

▶ Q: 데이터가 이렇게 직선으로 못나뉘면 못쓰잖아요.



▶ A: 그럴까봐 만들었습니다. Kernel Method

- Kernel Method
  - ▶데이터를 변형시켜서 모델에 넣는 방법
  - **►** Ex)
    - ▶2차원 데이터 : (키,몸무게) → 3차원 데이터 (키,몸무게,BMI = 키² 몸무게)
  - $(f_1, f_2, ..., f_n) \xrightarrow{\phi} \phi((f_1, f_2, ..., f_n)) = (g_1, g_2, ..., g_n)$
  - ightharpoonup 어떤 알고리즘들은  $\phi$ 를 직접 정의하지 않고  $\phi(x_i)\cdot\phi(x_j)$ 만 정의해도 됨
    - ▶예를 들어 SVM

- Kernel Method
  - ▶ 어떤 알고리즘들은  $\phi$ 를 직접 정의하지 않고  $\phi(x_i) \cdot \phi(x_j)$ 만 정의해도 됨
    - Polynomial kernel:  $K(x,y) = (x^{\mathsf{T}}y + c)^d$
    - RBF kernel:  $K(\mathbf{x}, \mathbf{x}') = \exp\left(-\frac{\|\mathbf{x} \mathbf{x}'\|^2}{2\sigma^2}\right)$
    - 등등

uck this s it. I'm out.



