Московский государственный технический университет им. Н.Э. Баумана Кафедра «Системы обработки информации и управления»

Лабораторная работа №3 по дисциплине «Методы машинного обучения» на тему

«Обработка пропусков в данных, кодирование категориальных признаков, масштабирование данных»

Выполнил: студент группы ИУ5-21М Андреев К.А.

```
Цель лабораторной работы
         Изучение способов предварительной обработки данных для дальнейшего формирования
         моделей.
        Задание
          1. Выбрать набор данных (датасет), содержащий категориальные признаки и пропуски в
            данных. Для выполнения следующих пунктов можно использовать несколько различных
            наборов данных (один для обработки пропусков, другой для категориальных признаков
            и т.д.)
          2. Для выбранного датасета (датасетов) на основе материалов лекции решить следующие
        Ход выполнения работы
In [0]: from google.colab import files
         import numpy as np
         import pandas as pd
         import seaborn as sns
         import sklearn.impute
         import sklearn.preprocessing
         import matplotlib.pyplot as plt
         %matplotlib inline
         sns.set(style="ticks")
         from IPython.display import set_matplotlib_formats
         set_matplotlib_formats("retina")
In [0]: uploaded = files.upload()
         for fn in uploaded.keys():
           print('User uploaded file "{name}" with length {length} bytes'.format(
               name=fn, length=len(uploaded[fn])))
          Choose Files | No file chosen
         Upload widget is only available when the cell has been executed in the current browser session. Please
         rerun this cell to enable.
         Saving PatientInfo.csv to PatientInfo (2).csv
         User uploaded file "PatientInfo.csv" with length 220884 bytes
        data = pd.read_csv('PatientInfo.csv')
In [0]:
        Информация о датасете
         В качестве датасета для лабораторной работы был выбран датасет с подтвержденной
         информацией о пациентах, заболевших COVID-19 в Южной Корее
        data.head()
In [0]:
Out[0]:
             patient id global num
                                   sex birth_year age country province
                                                                         city disease infect
          0 100000001
                                          1964.0 50s
                                  male
                                                       Korea
                                                                                 NaN
                                                                                    overs
                                                                     Jungnang-
         1 1000000002
                                          1987.0 30s
                                  male
                                                       Korea
                                                               Seoul
                                                                                 NaN
                                                                                     overs
                                                                                        CO
          2 1000000003
                             6.0
                                  male
                                          1964.0 50s
                                                       Korea
                                                               Seoul Jongno-gu
                                                                                 NaN
          3 1000000004
                                          1991.0 20s
                                                                      Mapo-gu
                             7.0
                                  male
                                                       Korea
                                                               Seoul
                                                                                 NaN
                                                                                     overs
                                                                     Seongbuk-
                                                                                        CO
          4 1000000005
                                          1992.0 20s
                                                                                 NaN
                             9.0 female
                                                      Korea
        data.isnull().sum()
In [0]:
```

med_imp = sklearn.impute.SimpleImputer(strategy="median")

установки блиайшего указанного значения.

Обработка пропусков в данных

0

904

145454

261

0

65

2199

1055

2176

1749

1807

2025

141

1995 2186

88

mean_imp = sklearn.impute.SimpleImputer(strategy="mean")

Осуществлено методом установки 0, среднего значения, медианного значения и методом

Out[0]: patient_id

sex

age country

city

global_num

birth_year

province

disease

infection_case

infection_order

contact_number

confirmed_date

released_date

deceased_date

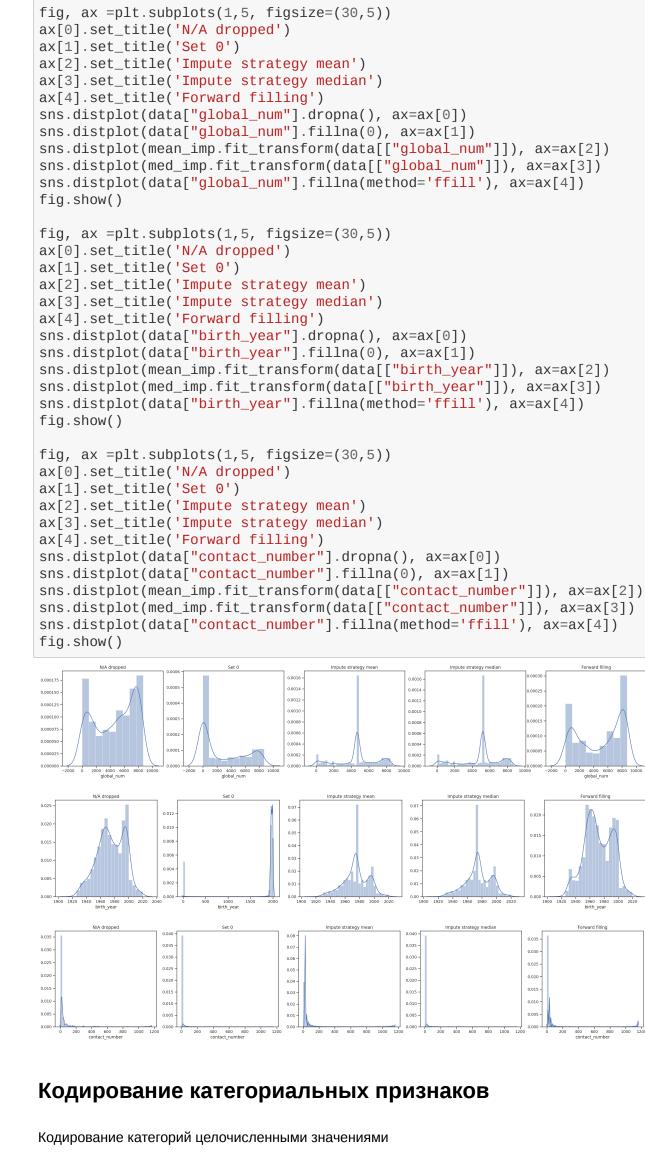
dtype: int64

state

In [98]:

symptom_onset_date

infected_by



print(np.unique(data_age)) le.inverse_transform(np.unique(data_age))

data_age = le.fit_transform(data['age'].dropna())

In [0]: **from sklearn.preprocessing import** LabelEncoder, OneHotEncoder

[0 1 2 3 4 5 6 7 8 9 10]

Out[0]: array(['0s', '100s', '10s', '20s', '30s', '40s', '50s', '60s', '70s',

'80s', '90s'], dtype=object)

Кодирование категорий наборами бинарных значений

data['age'].dropna().unique()

In [0]: le = LabelEncoder()

2

3

1.2

0

0

0

5 rows × 134 columns

0

0

0

0

0

0

ax[0].set_title('MinMax масштабирование')

```
In [0]: ohe = OneHotEncoder()
     data_province = ohe.fit_transform(data[['province']].dropna())
     data_province.todense()[0:4]
0.],
          0.],
          0.]])
     Быстрый вариант one-hot кодирования
In [0]: data_city = pd.get_dummies(data['city'].dropna())
     data_city.head()
Out[0]:
                        Asan- Bonghwa- Bucheon- Buk- Bupyeong- Busanjin
      Andong-
           Ansan-
               Anseong-
                    Anyang-
                          si
                              gun
     0
          0
             0
                  0
                       0
                          0
                               0
                                    0
                                       0
     1
          0
                               0
             0
                  0
                       0
                          0
                                    0
                                       0
```

0

0

0

0

0

0

0

0

0

0

0

0

0

0

0

Macштабирование данных

In [0]: sc1 = sklearn.preprocessing.MinMaxScaler()
sc2 = sklearn.preprocessing.StandardScaler()
sc3 = sklearn.preprocessing.Normalizer()
fig, ax =plt.subplots(1,3, figsize=(20,5))

```
ax[1].set_title('Z-оценка')
ax[2].set_title('Нормализация')
sns.distplot(sc1.fit\_transform(data[["global\_num"]].dropna()), \ ax=ax[0] \\
]);
sns.distplot(sc2.fit_transform(data[["global_num"]].dropna()), ax=ax[1
]);
sns.distplot(sc3.fit_transform(data[["global_num"]].dropna()), ax=ax[2
]);
fig.show()
fig, ax =plt.subplots(1,3, figsize=(20,5))
ax[0].set_title('MinMax масштабирование')
ax[1].set_title('Z-оценка')
ax[2].set_title('Нормализация')
sns.distplot(sc1.fit_transform(data[["birth_year"]].dropna()), ax=ax[0
sns.distplot(sc2.fit_transform(data[["birth_year"]].dropna()), ax=ax[1
]);
sns.distplot(sc3.fit_transform(data[["birth_year"]].dropna()), ax=ax[2
]);
fig.show()
fig, ax =plt.subplots(1,3, figsize=(20,5))
ax[0].set_title('MinMax масштабирование')
ax[1].set_title('Z-оценка')
ax[2].set_title('Нормализация')
sns.distplot(sc1.fit_transform(data[["contact_number"]].dropna()), ax=ax
```

fig, ax =plt.subplots(1,3, figsize=(20,5))
ax[0].set_title('MinMax масштабирование')
ax[1].set_title('Z-оценка')
ax[2].set_title('Hopmanusaция')
sns.distplot(sc1.fit_transform(data[["contact_number"]].dropna()), ax=ax
[0]);
sns.distplot(sc2.fit_transform(data[["contact_number"]].dropna()), ax=ax
[1]);
sns.distplot(sc3.fit_transform(data[["contact_number"]].dropna()), ax=ax
[2]);
fig.show()

/usr/local/lib/python3.6/dist-packages/seaborn/distributions.py:288: Use
rWarning: Data must have variance to compute a kernel density estimate.
 warnings.warn(msg, UserWarning)
/usr/local/lib/python3.6/dist-packages/seaborn/distributions.py:288: Use
rWarning: Data must have variance to compute a kernel density estimate.
 warnings.warn(msg, UserWarning)

// MinMax масштабирование

Zouleнка

Hopmanusauux

Hopmanusauux

**Hopmanusauux

**Hopma

