Разработка программного комплекса анализа спектров веществ для низкопольного ЯМР спектрометра низкого разрешения

Аннотация

В данном проекте представлен комплекс программного обеспечения, предназначенный для проведения анализа спектров, полученных с помощью низкопольных ЯМР спектрометров. Комплекс является комплементарным к ЯМР-спектрометру, разрабатываемому на базе ООО "Центр магнитно резонансных исследований "Спинус" СПбГУ".

ОГЛАВЛЕНИЕ

1.	Введение	2
2.	Обработка	3
	2.1 Цель	3
	2.2 Предобработка	4
	2.3 Корректировка искажений спектра	5
	2.3.1 Первичная корректировка фазы	6
	2.3.2 Разработанная система корректировки фазы	6
	2.3.3 Свёртка	7
	2.3.4 Компенсация базовой линии	8
	2.4 Анализ	10
3.	Определение структуры сканируемой молекулы	12
4.	Реализация	13
5.	Анализ рынка	14
	Заключение	
5.	Литература	16

1. Введение

Ядерный магнитный резонанс (ЯМР) является одним из самых мощных бесконтактных, неразрушающих методов для исследования и анализа вещества, а также одним из тончайших инструментов измерения напряжённости магнитных полей. Ни одно химическое производство не обходится без ЯМР-спектрометра. С появлением ЯМР химики получили уникальный метод, позволяющий не только определять химический состав вещества, но и геометрию самой молекулы и точные расстояния между отдельными атомами в молекуле.

На данный момент рынок сложных ЯМР спектрометров хорошо освоен несколькими крупными предприятиями, но большинство импортных ЯМР-спектрометров стоят сотни тысяч евро из-за сложных сверхпроводящих магнитных систем, входящих в их конструкцию, они громоздки и имеют исключительно стационарное исполнение. Таким образом, доступ к качественному анализу имеют только крупные предприятия и организации. Владельцам малых предприятий приходится довольствоваться примитивным анализом образцов или тратить время и деньги на проведение анализов своих образцов сторонними организациями. Вместе с тем, очень часто бывает необходимо оперативно провести анализ закупаемого для производства сырья или проконтролировать качество своего продукта. Наличие доступного ЯМР-спектрометра помогло бы решить эти задачи.

Решением может стать получивший развитие в последнее десятилетие ЯМР в слабых полях, в частности в Земном магнитном поле. Магнитом для такого прибора является геомагнитное поле — бесплатное, с высокой однородностью, что крайне необходимо для ЯМР-спектрометрии. В основном используют т.н. протонные ЯМР-спектры, т.е. регистрируют сигнал от ядер водорода.

Недостатком ЯМР в Земном поле является отсутствие химического сдвига. Этот эффект порождается электронными оболочками ядер. Он ослабляет магнитное поле вокруг ядер, вызывает смещение спектральных линии относительно частоты резонанса и делает ЯМР-спектры более информативными. Земное магнитное поле недостаточно сильное, из-за чего химический сдвиг становится меньше ширины спектральной линии. Однако существует взаимодействие магнитных моментов ядер друг с другом через электронные оболочки, которые не зависят от напряженности внешнего

магнитного поля. Это взаимодействие называют косвенным диполь-дипольным (или спин-спиновым, КССВ), в слабом магнитном поле оно вызывает характерное симметричное расщепление спектральной линии протонов и позволяет так же по спектру различать протонсодержащие жидкости, если они содержат в молекулах фтор или фосфор. Только эти элементы имеют 100% природное содержание магнитных изотопов 19F и 31P и фиксировать расщепление линии протонов на этих ядрах очень просто. Такие изотопы магнитных ядер, как, например, кремний ²⁹Si и углерод ¹³C, имеют всего несколько процентов природного содержания и требуют для ЯМР спектроскопии либо искусственного обогащения, либо накопления сигнала многократное повторение эксперимента и последующее суммирование полученных ЯМР-сигналов, при этом шумы в спектре ослабевают в корень из числа экспериментов. Благодаря этому можно регистрировать очень слабые линии от взаимодействия протонов с ядрами ¹³С, природное содержание которых около 1%. Это значит, что имеется возможность различать большую часть потребности химической промышленности — продукты органического синтеза, органические жидкости.

Этот имеет ряд проблем. Во-первых, земное поле нестабильно и малые его флуктуации вызывают сдвиги частоты ЯМР на несколько герц, что делает невозможным традиционное накопление сигнала. Во-вторых, расщепленные линии очень малы и их трудно наблюдать на «склонах» основной линии протонов. В этой статье будет показано, как можно решить эти проблемы с помощью программно-математических методов.

2. Обработка

2.1 Цель

Обработка ЯМР спектра для слабого поля требует реализации ряда техник обработки сигналов для получения информативного спектра. Весь процесс работы со спектром может быть разбит на три этапа: предобработка, корректировка искажений и анализ. Последний может быть представлен различными алгоритмами с разными целями. В рамках данной статьи целью

анализа является нахождение констант КССВ (также именуемых J-coupling) и дальнейшее распознавание сканируемого вещества. J-coupling представляют из себя расстояния между сателлитами (парой пиков, расположенных симметрично относительно некоторого третьего) относительно главной спектральной линии. Главной спектральной линией является пик с наибольшей амплитудой для всего спектра, расположенный на частоте настройки прибора (в данном случае производится настройка на ЯМР-частоту протонов).

2.2 Предобработка

Входные данные представляют собой набор из 20-100 сигналов, записаных подряд. Каждый сигнал является словарём, где каждой дискретной отметке времени t соответсвует дискретное значение V - амплитуда сигнала в момент времени t.

Первым этапом предобработки является аподизация сигнала, заключающаяся в домножении каждого сигнала на некую спадающую кривую. В данном случае использовалась часть косинусоиды, такой, что при t=0 её значение равно 2/3, а в последней точке сигнала - нулю. Этот процесс позволяет усилить сигнал в середине и уменьшить шумы в конце, а также избавиться от осцилляций в спектре при последующем дополнении сигнала нулями из-за резкого обрыва данных перед нулевыми значениями. Для вышеописанных условий данная операция может быть представлена следующим образом:

$$V_k = V_k \cdot \cos\left(x \frac{\frac{\pi}{2} + \arccos\left(\frac{2}{3}\right)}{t_k} - \arccos\left(\frac{2}{3}\right)\right).$$

Для увеличения разрешения спектра, аподизированный сигнал искусственно расширяется путём добавления N нулевых значений через равные промежутки времени, обратные частоте дискретизации изначального сигнала. Для достижения значительного эффекта, N должно быть не менее, чем в 3 раза больше количества дискретных отметок расширяемого сигнала.

На данном этапе, ввиду сильной флуктуации Земного поля (см. рис. 1), в котором проводится запись, необходимо провести ряд дополнительных преобразований, компенсирующих искажения, порождаемые вариациями магнитного поля в процессе записи. Основным из таких преобразований является квадратурное детектирование, выполняемое по следующему алгоритму:

- 1. происходит разложение каждого сигнала на составляющие его гармонические колебания, что делается путём применения быстрого преобразования Фурье;
- 2. находится положение главной спектральной линии на оси частот F_0 ;
- 3. каждое значения сигнала преобразовывается следующим образом $V_k = V_k \cdot [\cos(2\pi F_0 t_k) + i\sin(2\pi F_0 t_k)].$

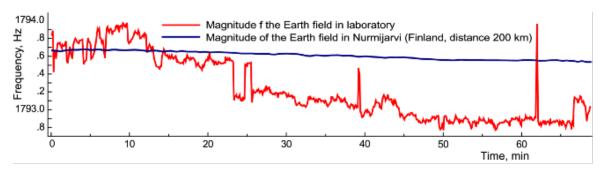


Рис. 1. Изменения земного поля в лаборатории (красный) и данные с вариометрической станции в Нурмиярви, Финляндия (синий) в один и тот же промежуток времени.

Далее, к каждому сигналу вновь применяется преобразование Фурье, и все полученные спектры складываются почастотно, что позволяет избавиться от значительной части шума (амплитуда шума уменьшается в \sqrt{n} раз при сложении n спектров). Также, так, как в проекте используются спектры с единственной главной спектральной линией, для удобства последующей обработки, она принимается за начало координат по оси частот.

В записи последующих формул будет применятся следующая нотация: A_k или A(k) - амплитуда спектра на частоте k, F - частота, Re(x) и Im(x) - действительная и мнимая части числа соответственно.

2.3 Корректировка искажений спектра

После получения первичного спектра, остаётся ряд проблем, которые необходимо решить: сдвиг фазы и искажение базовой линии. Разработанные алгоритмы будут представлены на примере уксусной кислоты и 2,2,2-Трифторэтанола.

2.3.1 Первичная корректировка фазы

Ввиду применения квадратурного детектирования, а так же из-за особенности процесса записи изначального сигнала, фаза получившегося спектра смещена, что ощутимо искажает вид спектра и в большинстве случаев может сделать невозможным дальнейший его анализ. Для корректировки фазового смещения обычно используют линейное смещение фазы: $A_k = A_k \cdot e^{(p_0 + p_1 \frac{j}{N})i}, \text{ где } i \text{ - мнимая единица, } j \text{ - порядковый номер преобразуемой дискретной точки } A_k, N \text{ - количество дискретных величин, } p_0$ и p_1 - углы смещения фазы 0 и 1 порядков соответственно. Для подбора и оценки оптимальности пары p_0 и p_1 для сдвига фазы конкретного спектра используется функция потерь $ACME^{[1]}$.

2.3.2 Разработанная система корректировки фазы

Метод, описаный в предыдущем пункте, разрабатывался для спектров в сильном поле, ввиду чего, результат его применения не полностью выравнивает фазу. Для решения данной проблемы был разработан собственный метод корректировки фазы. За основу берётся изменённая формула квадратурного детектирования: $A_k = A_k \cdot [\cos(2\pi\gamma F_k + \delta) + i\sin(2\pi\gamma F_k + \delta)]$, где γ и δ - настраиваемые входные параметры. Они подбираются с помощью метода Нелдера — Мида[2], минимизируя функцию потерь. Функция потерь принимает на вход массив значений оцениваемого спектра (после применения функции смещения фазы), а результатом её выполнения является скаляр, представляющий собой "оценку" рассматриваемого преобразования. Для решения поставленной задачи была разработана собственная функция потерь,

выглядящая следующим образом:
$$\sigma(A) = \sqrt{\frac{1}{n} \sum_{i=1}^{N} \left[\arg(A_i) - \overline{\arg(A)} \right]^2}$$
, однако,

так, как извлечение квадратного корня, равно как и деление на константу, не меняет монотонность конечной функции, в целях оптимизации вычислений,

формула была упрощена до вида
$$\sigma(A) = \sum_{i=1}^N |\arg(A_i) - \overline{\arg(A)}|$$
 . Фактически,

целью подбора γ и δ становится снижение дисперсии фаз для всего спектра. Дальнейшая работа со спектром будет производится исключительно с его модулем. Разница между изначальным и скорректированным спектром представлена на рис. 2.

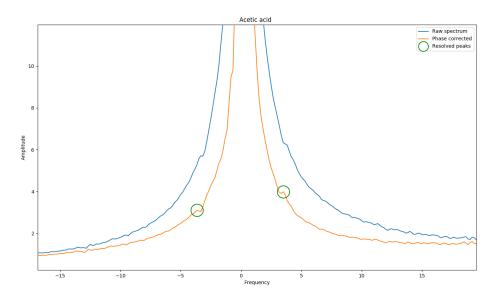


Рис. 2 — Выделение сателлитов после корректировки фазы

2.3.3 Свёртка

В условиях реальных экспериментов существует множество шумов, которые даже в случае малой амплитуды значительно затрудняют обработку данных. В частности, разработанный алгоритм компенсации базовой линии (см. пункт 2.3.4) крайне чувствителен к дополнительным экстремумам на пиках предполагаемых сателлитов. Для выделения несущих информацию пиков был разработан метод сглаживания для ЯМР спектров. Идея заключается в нахождении такой функции, что её использование в роли ядра свёртки для обрабатываемого спектра сглаживает пики сателлитов, делая их пригодными для дальнейшей обработки.

Так, как, в идеальном случае, каждый не шумовой пик представлен кривой распределения Коши, следовательно, наилучшей функцией-свёрткой будет лоренциана. Известно, что ширина пика прямо пропорциональна ширине главной спектральной линии. Коэффициент пропорциональности был экспериментально выведен как $\mu \approx \frac{1}{2}$ (среднее отношение ширины главной спектральной линии на уровне половины её амплитуды к ширине пика у основания). Таким образом, функция свёртки определяется как $g(x) = \frac{\mu^2}{\mu^2 + x^2}$. Далее, применяется Фурье-свёртка[3] A = A * g, что значительно сглаживает пики. Пример разницы до и после применения свёртки представлен на рис. 3.

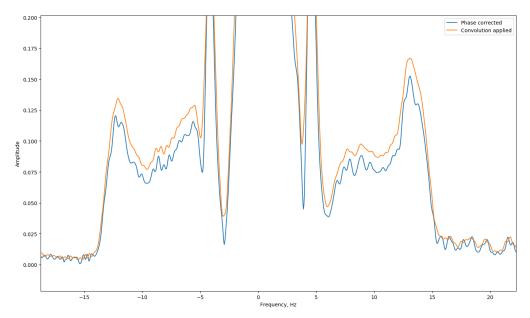


Рис. 3 — Применение свёртки

2.3.4 Компенсация базовой линии

Для начала, будет удобно представить спектр, как сумму трёх функций $A(k) = A_{pure}(k) + N(k) + B(k)$, где A_{pure} - чистый (идеальный) спектр, N - шум, а B - базовая линия (рис. 4). Следовательно, для её компенсации достаточно найти значение базовой линии в каждой точке спектра и вычесть её.

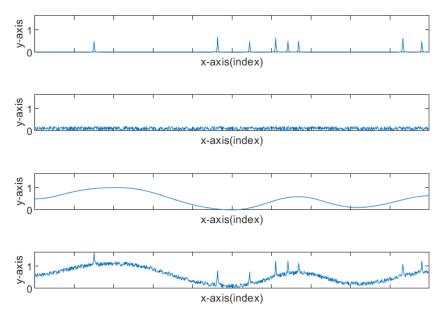


Рис. 4 — Моделирование спектра. Сверху вниз: чистый спектр, шум, базовая линия, результирующий спектр

Для расчёта базовой линии существует несколько алгоритмов, основанных на Вейвлет-преобразовании и на методах машинного обучения. Были опробованы оба, однако, Вейвлет-компенсация^[4] была нестабильна, и

зачастую выделяла неверные пики, что не позволило использовать данный метод. Подходы, основанные на машинном обучении, предполагают создание искусственных спектров из частей, описанных в вышеуказанной формуле. Такое решение показывает удовлетворительные результаты в рамках оригинальной статьи^[5], однако добиться подобной точности для низкопольных спектров не удалось.

Путём множественных экспериментов был разработан собственный подход. Идея заключается в поиске отрицательных пиков на всём спектре и линейной интерполяции по всей оси частот, используя найденые пики как опорные точки. Далее, получившийся сплайн вычитается из основного спектра. Поиск отрицательных пиков производится путём нахождения множества корней

$$\lambda$$
 уравнения $\dfrac{\partial A}{\partial F}=0$ с условием, что $\left\{ \begin{aligned} \lim_{\epsilon o +0} A(\lambda_i-\epsilon) < 0 \\ \lim_{\epsilon o +0} A(\lambda_i+\epsilon) > 0 \end{aligned} \right.$

При вычитании из спектра полученной базовой линии, заметно упрощается задача по последующему нахождению пар пиков, расстояния между которыми являются константами КССВ. Результат выполнения алгоритма представлен на рис. 5.

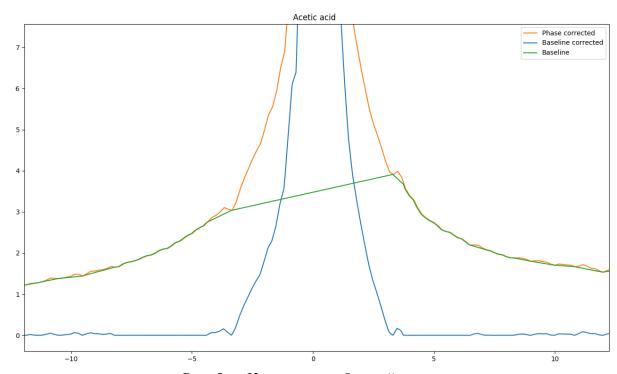


Рис. 5 — Компенсация базовой линии

Дополнительно для упрощения анализа удаляется спектральная линия, так, как она не несёт в себе полезной (в рамках исследования) информации, но усложняет последующие алгоритмы. Так как спектральная линия представлена

пиком наибольшей амплитуды с вершиной на частоте $F_0=0$ Гц и не имеет внутренних пиков, достаточно вновь найти множество корней λ уравнения $\frac{\partial A}{\partial F}=0$ и выбрать из них пару корней λ_1 , λ_2 с наименьшими абсолютными значениями, но имеющих разные знаки, далее, приравнять все промежуточные точки спектра к нулю: $A(\rho)=0, \, \rho \in [\lambda_1; \lambda_2]$. В результате остаются только несущие информацию сателлиты и пики, порождённые шумом (рис. 6).

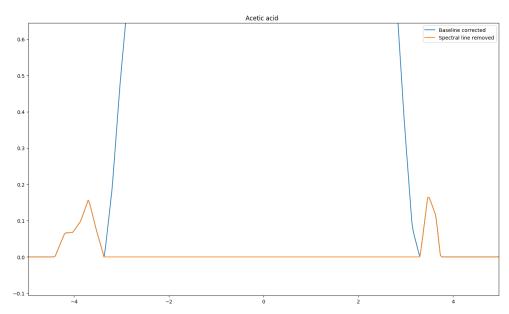


Рис. 6 — Удаление главной спектральной линии

2.4 Анализ

Получив удобную для работы репрезентацию спектра, рассмотрим процесс анализа спектра, цель которого, в рамках проекта, сводится к измерению расстояний между пиками сателлитов. Однако, для большинства спектров на этом этапе возникают две проблемы:

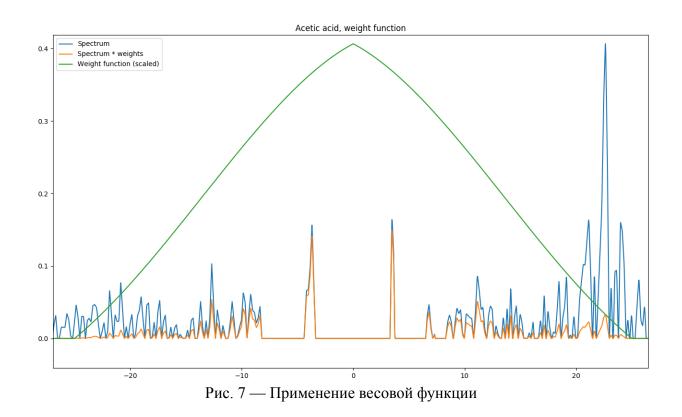
- 1. шум хоть и уменьшен на предыдущих шагах, но всё ещё сравним по амплитуде с сателлитами;
- 2. следствием корректировки фазы является частичный сдвиг оси частот, к тому же он, по большей части, неоднороден, что исключает возможность простого выравнивания.

Для решения первой проблемы была введена весовая функция w(k), на которую домножается получившийся спектр. Подход основывается на знании, что искомые пики:

1. симметричны относительно нуля (с погрешностью);

- 2. чем меньше сумма модулей положений пары пиков тем выше их амплитуда;
- 3. чем больше сумма модулей положений пиков сателлитов тем больше будет расстояние между ними и последующими (по направлению удаления от нуля).

Из первого и второго пунктов следует, что w(k) должна быть симметрична относительно нуля и затухать отдаляясь от него. Эмпирическим методом была получена следующая весовая функция, имеющая максимум в точке (0, 1) и равная нулю в крайних точках спектра: $w(k) = \max[0, \cos\frac{k\pi}{F_{\text{max}}} \cdot (1 - \frac{|k|}{F_{\text{max}}})]$. Данная функция, а также результат её применения представлены на рис. 7.



Для непосредственного поиска и выборки пиков следует определить четыре константы: N - число первично находимых пиков, S - максимальная допустимая разница модулей точек двух предположительно симметричных пиков, P - минимальное линейное расстояние между двумя пиками одного знака для двух пар (защита от шума), W - размер окна поиска для выравнивания координат пиков на оригинальном и обработанном спектре. Оптимальные

значения указаных констант были статистически подобраны как

$$\begin{cases} N = 8 \\ S = P = 1.9 \text{ Hz.} \\ W = 2.7 \text{ Hz} \end{cases}$$

На обработанном спектре необходимо найти все положительные пики, отсортировать их по возрастанию модуля соответствующих им частот и взять N первых, затем, для каждого из полученных пиков выполнить следующий алгоритм:

- 1. пусть, f частота рассматриваемого пика;
- 2. взять выборку ϑ массива значений изначального спектра A_0 так, что $\vartheta = [A_0(m_1), ..., A_0(m_n)], m \in [f W; f + W];$
- 3. для производной (градиента) ϑ' найти частоту, соответствующую точке, где модуль ϑ' минимален;
- 4. полученная частота перезаписывает собой частоту рассматриваемого пика.

Далее, необходимо отсеять все пики, не имеющие пары, такой, что её частота противоположна по знаку и разница модулей их частот не превышает S. Расстояния между оставшимися парами пиков будут являться константами КССВ.

3. Определение структуры сканируемой молекулы

Практической задачей исследования является определение структуры молекулы основываясь на полученных данных. Для этого можно выделить два подхода: аналитический и накопительный. Первый заключается в математическом подборе молекулы, создающей наиболее схожий с рассматриваемым спектр, основываясь на имеющихся данных и форме спектра. Второй подход основывается на выделении ряда признаков и отличительных черт спектра в числовом виде, с последующим сравнением их с заранее сформированной базой известных веществ. Он представлен в двух версиях в зависимости от условий.

Первая из них сводится к накоплению базы наборов скалярных параметров для известных молекул и наиболее оптимальна для случаев с

большим разнообразием непохожих (с точки зрения спектров) молекул. Для последующего распознавания выделяются следующие параметры: количество найденых пар пиков, массив частот, состоящий из отсортированных по модулю местоположений найденых J-coupling пиков, а также массив отношений их амплитуд к амплитуде спектральной линии. Полученный массив записывается в базу данных (в проекте используется SQLite3) и ассоциируется с названием молекулы. Далее, после накопления достаточной базы молекул, обучается модель на методе опорных векторов SVC^[6], используемая для последующего распознавания неизвестной молекулы.

Другой подход может быть применён в случае плохого качества записей или при большом количества похожих молекул. Необходимо выделить такое окно-маску вокруг найденого пика, что в его крайних точках будут находится локальные минимумы. Далее, с помощью метода наименьших квадратов найти k - уровень совпадения рассматриваемого пика с лоренцианой, описанной в пункте 2.2.3. В данном методе в базу записываются следующие параметры для каждого пика: точки начала и конца выделенного окна, k и отношение максимальной амплитуды внутри окна к амплитуде спектральной линии. Данный набор параметров также ассоциируется с некоторой молекулой. При добавлении данных другой записи аналогичной молекулы, следует перезаписать вышеуказанные данные как среднее между ними и новыми данными. Для определения заранее неизвестной молекулы, необходимо перебрать все ранее записаные маски и выбрать как результат распознавания такую молекулу, что Евклидово расстояние между данными в базе и данными, полученными после применения маски - минимально.

4. Реализация

В процессе работы над проектом был использован подход двух ветвей разработки: исследовательно-экспериментальная среда и финальное приложение, в которое попадают уже оптимизированные и протестированные алгоритмы.

Первая была реализована на языке программирования Python (v3.6) и использовала технологию Jupyter Lab для упрощения работы и экспериментов.

Основными библиотеками стали: NumPy для работы с векторами, SciPy для удобства анализа данных, Plotly для построения графиков во время работы. В данной среде проводилась непосредственно разработка, оптимизация и тестирование всех алгоритмов.

Конечное приложение написано на языке C++20 с использованием библиотек MetalAPI+DearImGUI для реализации графического интерфейса (см. рис. 8-10) и Eigen в роли аналога NumPy. Все алгоритмы, полученные в исследовательской среде, были переписаны и, по возможности, векторизованы для ускорения анализа. Помимо этого, часть вычислений была перенаправлена на GPU с помощью OpenCL, т.к. большинство операций применяются ко всему спектру, а значит представляют из себя набор несложных независимых подпрограмм, выполняемых множество раз.

5. Анализ рынка

Разработанный программный комплекс позволяет использовать ЯМР спектроскопию в слабом (Земном) поле для проведения анализа фтор- и фосфор- содержащих жидкостей. Такой подход позволяет сделать ЯМР спектроскопию доступной не только для крупных фирм и корпораций, но и для небольших компаний и образовательных учреждений, испытывающих необходимость в проведении исследований, но не способных приобрести собственный ЯМР спектрометр ввиду его колоссальной стоимости.

На данный момент на рынке широко представлены сильнопольные спектрометры, однако, стоимость таковых начинается от \sim \$58,000^[7] за минимальную комплектацию прибора и может доходить до десятков миллионов долларов. При этом, рынок низкопольных спектрометров не развит. Низкопольный ЯМР спектрометр, для которого разрабатывалось ПО в рамках представленного проекта, является решением для исследовательских и производственных предприятий, образовательных организаций, имеющим конечную стоимость в 2,600\$ — 3,950\$ в зависимости от комплектации, что в \sim 17.7 раз дешевле наиболее доступного сильнопольного аналога.

6. Заключение

Результатом проекта является программный комплекс для обработки и анализа ЯМР спектров, в частности, с функционалом, позволяющим идентифицировать молекулу по собранной базе. Также, в процессе были разработаны собственные, оптимальные для низкопольных ЯМР спектров алгоритмы накопления сигнала, коррекции фазы и коррекции базовой линии.

5. Литература

- Li Chen, Zhiqiang Weng, LaiYoong Goh, Marc Garland, An efficient algorithm for automatic phase correction of NMR spectra based on entropy minimization. Электронный ресурс.
 Режим доступа: https://www.researchgate.net/publication/
 257492096 An efficient algorithm for automatic phase correction of NMR spectra based on entropy minimization, Проверено 29.11.2020
- J. A. Nelder, R. Mead, A Simplex Method for Function Minimization. Электронный ресурс.
 Режим доступа: https://academic.oup.com/comjnl/article-abstract/7/4/308/354237, –
 Проверено 29.11.2020
- 3. Mircea Ion Cîrnu, Circular convolution and Fourier discrete transformation // Journal of information systems & operations management Vol. 7, No. 2 c. 280-287
- 4. Carlo Bertinetto, Tapani Vuorinen, Automatic Baseline Recognition for the Correction of Large Sets of Spectra Using Continuous Wavelet Transform and Iterative Fitting. Электронный ресурс. Режим доступа: https://www.researchgate.net/publication/
 260807766 Automatic Baseline Recognition for the Correction of Large Sets of Spectra
 Using Continuous Wavelet Transform and Iterative Fitting Проверено 29.11.2020.
- Yuanjie Liu, Correcting the baseline drift without human knowledge. Электронный ресурс.
 Режим доступа: https://www.researchsquare.com/article/rs-33007/v1.pdf Проверено 29.11.2020.
- 6. Вапник В.Н. The nature of statistical learning theory c.138-176
- 7. Стоимость NMReady® 60MHz Benchtop. Электронный ресурс. Режим доступа: https://us.vwr.com/store/product/20653818/nmready-60mhz-benchtop-nmr-spectrometers-nanalysis Проверено 29.11.2020.