

Raport sesji: DDDDDDDDDDDDDDD

Data utworzenia: 06.06.2025

Data wpisu: 06.06.2025 11:57:00

Opis:

SS

Zacznik: sekwencje.fasta (.fasta)

Fragment pliku FASTA:

>seq1 Homo sapiens fragment

ATGCCGTAGCTAGCTAGCTA

>seq2 Mus musculus fragment

ATGCGCGATCGATCGATCGC

>seq3 Danio rerio example

ATGGGCTAGCTAGTTAGCTAAGTC

>seq4 Canis lupus familiaris gene

ATGCCGATCGATCGGATCGATCGATCG

>seq5 Felis catus partial sequence

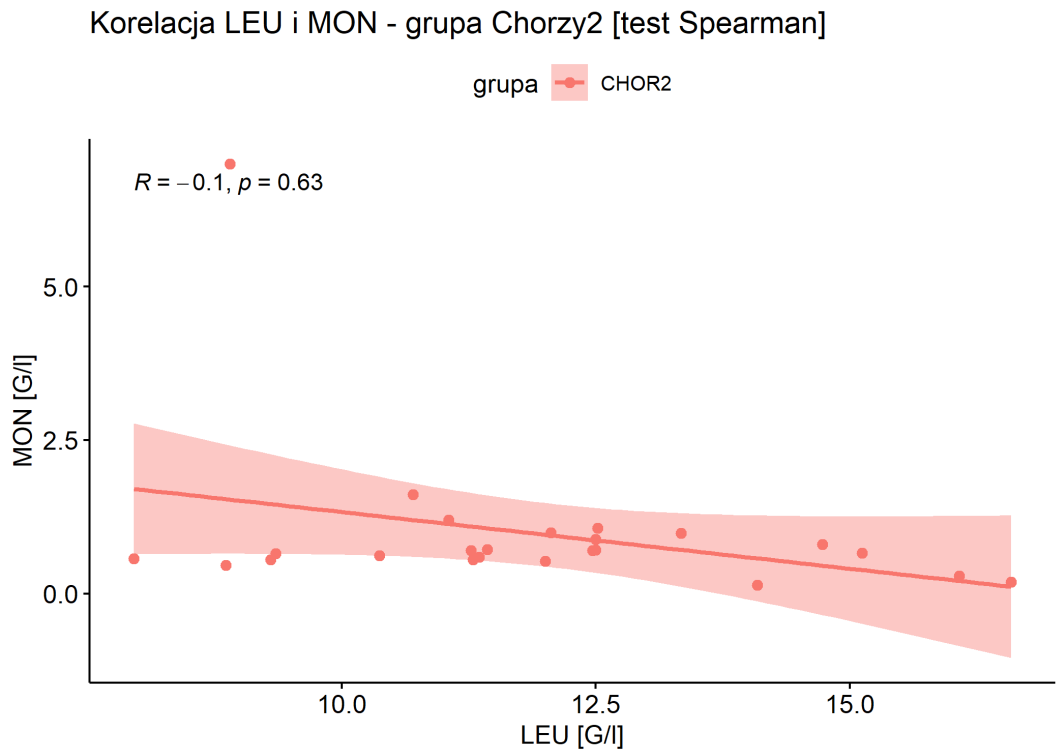
ATGCGTAGCTAGCTGACTAGCTAGCTAGCTA

Data wpisu: 06.06.2025 11:57:17

Opis:

OK

Zacznik: korelacja_LEU_MON_CHOR2.png (.png)



Data wpisu: 06.06.2025 11:57:30

Opis:

MAKOKOACFKO

Zaczni: statystyki_opisowe_grup.csv (.csv)

Fragment pliku CSV:

"grupa"	"zmien na"	"liczeb nosc"	"sredni a"	"media na"	"sd"	"IQR"	"min"	"max"
"CHOR 1"	"wiek"	25	29.56	29	5.88	6	17	43
"CHOR 2"	"wiek"	25	30.04	30	5.9	8	21	42
"KONT ROLA"	"wiek"	25	32.32	32	5.61	6	23	48
"CHOR 1"	"hsCR P"	25	6.1	3.97	8.82	2.67	0.4876 07	42.649 9
"CHOR 2"	"hsCR P"	25	5.54	3.45	4.65	6.53	0.3350 89	19.212 4
"KONT ROLA"	"hsCR P"	25	5.3	4.22	4	4.55	0.7584 4	14.395 1
"CHOR 1"	"ERY"	25	5.36	4.2	5.77	0.44	3.53	33
"CHOR 2"	"ERY"	25	4.2	4.27	0.47	0.58	3.25	5.04
"KONT ROLA"	"ERY"	25	4.01	3.98	0.46	0.51	3.09	5.05