Колтунов Кирилл Константинович

Выйти

Контест 13

11 янв 2022, 18:49:13

старт: 11 июн 2021, 12:30:00 финиш: 20 июн 2021, 23:59:59

длительность: 9д. 11ч.

начало: 11 июн 2021, 12:30:00 конец: 20 июн 2021, 23:59:59

F. Серьезное исследование

| Ограничение времени | 10 секунд |
|---------------------|----------------------------------|
| Ограничение памяти | 64Mb |
| Ввод | стандартный ввод или input.txt |
| Вывод | стандартный вывод или output.txt |

После того, что произошло с миром в прошлом году, ученые решили больше не допускать таких ошибок и поэтому хотят исследовать, какие еще вирусы можно получить собственноручно. Для этого они решили исследовать базу данных уже известных вирусов со следующими параметрами:

- 1. число заразившихся целое число;
- 2. индекс опасности вируса вещественное число;
- 3. тип вируса целое число.

Два вируса можно соединять(складывать) и разъединять по следующим правилам:

При соединение:

- 1. новое число заразившихся = сумма чисел заразившихся у двух вирусов;
- 2. индекс опасности = новое число заразившихся / логическое и двух типов;
- 3. новый тип = побитовое или типов двух вирусов.

При разъединении:

- 1. новое число заразившихся = разность максимального и минимального значения числа заразившихся у двух вирусов;
- 2. индекс опасности = новое число заразившихся / новый тип;
- 3. новый тип = побитовое умножение типов двух вирусов.

Но ученые не хотят случайно подвергнуть мир опасности вновь и просят реализовать следующий алгоритм создания нового вируса:

- 1. Отсортировать массив вирусов по возрастанию или убыванию. Сначала вирусы сравниваются по индексу опасности. При их равенстве происходит сравнение по числу зараженных. Если и оно совпало, то надо сравнить по типу;
- 2. Сложить первые M вирусов в отсортированном массиве и вычесть, начиная с последнего, последние K вирусов. Если M или Kравно I, то необходимо использовать только первый или последний элемент массива соответственно. Если же M или K больше длины массива или неположительные, то необходимо уведомить ученых об этом исключением ArgumentException с сообщением "Incorrect value".
- 3. Сложить вирус, полученный при сумме, с вирусом, полученным из разности.
- 4. Вывести значения нового вируса.

Формат ввода

В первой строке вводится число N - число вирусов для исследования. В следующих N строках вводится информация о каждом вирусе в следующем формате: <число заразившихся> <индекс опасности> <тип вируса>. Затем вводится значение нужно ли сортировать массив по возрастанию или нет. В следующих двух строках вводится значения M и K.

Формат вывода

Необходимо вывести информацию о полученном вирусе в следующем формате: <число заразившихся> <индекс опасности> <тип вируса>. Или вызвать исключение ArgumentException с сообщением "Incorrect value".

Пример 1

```
Вывод

3
1045 37.32 61
756 2.27 61
813 2.29 18
289 3.04 28
True
1
1
```

Пример 2

Примечания

Необходимо сдавать один файл Virus.cs.

```
Набрать здесь Отправить файл
```

```
1 using System;
     public class Virus : IComparable<Virus>
 4
5
6
7
           private int infectedCount;
private double dangerIndex;
private int typeNumber;
 8
           public Virus(int infectedCount, double dangerIndex, int typeNumber)
10
                 this.infectedCount = infectedCount;
this.dangerIndex = dangerIndex;
this.typeNumber = typeNumber;
11
12
13
14
15
16
           public static Virus GetSum(Virus[] arr, int firstN)
17
18
19
                  if (firstN <= 0 || firstN > arr.Length)
    throw new ArgumentException("Incorrect value");
20
21
22
23
24
25
                 if (firstN == 1)
    return arr[0];
                  Virus virus = arr[0];
                  for (int i = 1; i < firstN; i++)
    virus += arr[i];</pre>
26
27
28
29
30
31
                  return virus;
32
33
           public static Virus GetDifference(Virus[] arr, int lastN)
                  if (lastN <= 0 || lastN > arr.Length)
    throw new ArgumentException("Incorrect value");
34
35
36
37
38
```

Отправить

Предыдущая

Следующая

© 2013-2022 ООО «Яндекс»