

ΠΟΛΥΤΕΧΝΕΙΟ ΚΡΗΤΗΣ**Τμήμα Ηλεκτρολόγων Μηχ. Και Μηχ. Υπολογιστών****Στατιστική Μοντελοποίηση και Αναγνώριση Προτύπων (ΤΗΛ311)****1^η Σειρά Ασκήσεων****Οδηγίες:**

1. Παρακαλείστε να σεβαστείτε τον παρακάτω κώδικα τιμής τον οποίον θα θεωρηθεί ότι προσυπογράφετε μαζί με τη συμμετοχή σας στο μάθημα και τις εργασίες του:
 - a) Οι απαντήσεις, ο κώδικας και γενικά οτιδήποτε αφορά τις εργασίες, τα φυλλάδια ασκήσεων και τις εξετάσεις του μαθήματος θα είναι προϊόν δικής μου δουλειάς.
 - b) Δεν θα διαθέσω κώδικα, απαντήσεις και εργασίες μου σε κανέναν άλλο.
 - c) Δεν θα εμπλακώ σε άλλες ενέργειες με τις οποίες ανέντιμα θα βελτιώνω τα αποτελέσματα μου ή ανέντιμα θα αλλάζω τα αποτελέσματα άλλων.
2. Η εργασία αυτή είναι ατομική
3. Ημερομηνία παράδοσης: **Κυριακή, 31/3/2019 στις 23:00**
4. **Ανεβάστε στο courses τα ακόλουθα παραδοτέα σε μορφή zip:**
Παραδοτέα: α) Κώδικας και β) Αναφορά με τις απαντήσεις, παρατηρήσεις, πειράματα, αποτελέσματα και οδηγίες χρήσης του κώδικα.
5. **ΠΡΟΣΟΧΗ: Δεν επιτρέπεται να χρησιμοποιήσετε έτοιμες υλοποιήσεις των αλγορίθμων που σας ζητούνται στο Matlab εκτός αν αναφέρεται ρητά.**

Θέμα 1: Principal Component Analysis (PCA)

Σε αυτή την άσκηση, θα χρησιμοποιήσετε την μέθοδο Principal Component Analysis (PCA) για να μειώσετε τις διαστάσεις των δεδομένων σας. Θα δοκιμάσετε πρώτα δεδομένα δύο διαστάσεων (2D) για να δείτε τον τρόπο λειτουργίας του PCA και, στη συνέχεια, θα χρησιμοποιήσετε το PCA σε ένα μεγαλύτερο σύνολο δεδομένων 5000 εικόνων προσώπων.

Μέρος 1

Το σύνολο των 2D δεδομένων, έχει μία κατεύθυνση μεγάλης διακύμανσης και μία μικρότερης διακύμανσης.

Συμπληρώστε κατάλληλα το matlab/octave scripts που σας δίνονται έτσι ώστε εκτελώντας το αρχικό script `ex1_1_pca.m` αυτό να κάνει τα ακόλουθα:

- a) Διαβάζει το αρχείο δεδομένων με την εντολή: `load ('ex1_1_data1.mat')` και απεικονίζει τα δεδομένα στον 2D χώρο.
- b) Κάνει standardization (κανονικοποίηση με μέση τιμή μηδέν και διασπορά 1) στα αρχικά δείγματα (προσθέστε κώδικα στο αρχείο `featureNormalize.m`). Σχεδιάστε τα κανονικοποιημένα δείγματα σε διαφορετική εικόνα και συγκρίνετε με τα αρχικά.
- c) Υπολογίζει τις κύριες συνιστώσες του αλγορίθμου PCA και τις σχεδιάζει στην ίδια εικόνα μαζί με τα αρχικά δείγματα (προσθέστε κώδικα στο αρχείο `myPCA.m`). Για να υπολογίσετε τον πίνακα συνδιασποράς κανονικοποιημένων δεδομένων χρησιμοποιήστε τον τύπο $\Sigma = \frac{1}{m} X^T X$,

όπου $X \in \mathbb{R}^{m \times n}$ είναι ένας πίνακας όπου κάθε γραμμή αντιστοιχεί σε ένα παράδειγμα με n χαρακτηριστικά. Για να υπολογίσετε ιδιοτιμές και ιδιοδιανύσματα μπορείτε να χρησιμοποιήσετε μία από τις συναρτήσεις του Matlab `eig()` ή `svd()`.

- d) Υπολογίζει την συνεισφορά που έχει κάθε κύρια συνιστώσα στην συνολική διακύμανση και ακολούθως εφαρμόζει τον αλγόριθμο PCA στα αρχικά δείγματα για να μειώσει τη διάσταση τους από 2D σε 1D. Θα πρέπει να συμπληρώσετε τον κώδικα στο `projectData.m` έτσι ώστε αυτό να επιστρέφει τα δείγματα Z μειωμένης διάστασης. Η είσοδος του `projectData` θα είναι το σύνολο δεδομένων X , οι κύριες συνιστώσες U και ο επιθυμητός αριθμός διαστάσεων K . Θα πρέπει να προβάλλετε κάθε δείγμα x_i στις K κύριες συνιστώσες με την εφαρμογή του γραμμικού μετασχηματισμού (προβολή χαμηλότερης διάστασης) $z_i = U^T x_i$. Σημείωση: οι K κύριες συνιστώσες δίνονται από τις πρώτες K στήλες του U .
- e) Αφού προβάλλετε τα δεδομένα σε χώρο μικρότερων διαστάσεων, μπορείτε να ανακτήσετε προσεγγιστικά τα δεδομένα αναπαράγοντάς τα ξανά στον αρχικό χώρο υψηλών διαστάσεων (2D). Αυτό γίνεται με την προβολή τους πάνω σε όλες τις κύριες συνιστώσες (principal components) με τον μετασχηματισμό $x_{rec} = Uz$. Υλοποιήστε το `recoverData.m` για να προβάλλετε κάθε δείγμα στο $Z \in \mathbb{R}^{n \times K}$ πίσω στον αρχικό χώρο και να επιστρέψετε την ανακτημένη προσέγγιση στον $X_{rec} \in \mathbb{R}^{n \times m}$ ο οποίος περιέχει τα ανακτημένα δείγματα.

Μέρος 2

Επαναλάβετε τα παραπάνω χρησιμοποιώντας τα δεδομένα 5000 εικόνων προσώπων που σας δίνονται (`load('exlfaces.mat')`). Συγκεκριμένα χρησιμοποιώντας τον κώδικα που φτιάξατε πιο πάνω υπό την προϋπόθεση ότι μπορεί να εφαρμοστεί σε γενικευμένα dataset:

- f) Σχεδιάστε τα πρώτα 100 πρόσωπα από το dataset χρησιμοποιώντας τη συνάρτηση `displayData()` που σας δίνεται.
- g) Εφαρμόστε `standardization` εφαρμόζοντας την `featureNormalize()` πάνω στα δείγματα που έχετε και ακολούθως υπολογίστε τις κύριες συνιστώσες εφαρμόζοντας τη συνάρτηση `myPCA()` που φτιάξατε. Σχεδιάστε σε μια νέα εικόνα τις πρώτες 36 κύριες συνιστώσες που βρήκατε με την συνάρτηση `displayData()`. Τι παρατηρείτε;
- h) Μειώστε την διάσταση των δειγμάτων σας χρησιμοποιώντας τις 100 πρώτες κύριες συνιστώσες με την `projectData()`.
- i) Σχεδιάστε τα δείγματα μειωμένης διάστασης αφού προηγουμένως τα προβάλλετε στον αρχικό χώρο χρησιμοποιώντας τη συνάρτηση `recoverData()`. Τι παρατηρείτε; Δοκιμάστε να επαναλάβετε την διαδικασία χρησιμοποιώντας διαφορετικό αριθμό από κύριες συνιστώσες (10, 50, 200)

Θέμα 2: Σχεδιάστε ένα ταξινομητή LDA (Linear Discriminant Analysis)

Ένα σύνολο δεδομένων έχει προκύψει από δύο ισοπίθανες κατηγορίες ω_1, ω_2 , οι κατανομές των οποίων θεωρούνται Γκαουσιανές. Οι πίνακες συνδιασποράς και οι μέσες τιμές έχουν εκτιμηθεί από τα δεδομένα ως:

$$\mu_1 = \begin{bmatrix} -5 \\ 5 \end{bmatrix}, \quad \mu_2 = \begin{bmatrix} 10 \\ 15 \end{bmatrix}$$

$$\Sigma_1 = \begin{bmatrix} 11 & 9 \\ 9 & 11 \end{bmatrix}, \quad \Sigma_2 = \begin{bmatrix} 2 & 0 \\ 0 & 2 \end{bmatrix}$$

Να υπολογίσετε το διάνυσμα προβολής w αναλυτικά, κάνοντας τις πράξεις με το χέρι. Για να αντιστρέψετε τον πίνακα Σ_w , χρησιμοποιήστε τον τύπο:

$$\begin{bmatrix} a & b \\ c & d \end{bmatrix}^{-1} = \frac{1}{ad - bc} \begin{bmatrix} d & -b \\ -c & a \end{bmatrix}$$

Θέμα 3: Linear Discriminant Analysis (LDA) vs PCA

Ο σκοπός της άσκησης είναι να εφαρμόσετε Linear Discriminant Analysis για να μειώσετε τη διάσταση ενός feature vector και να συγκρίνετε τα αποτελέσματά σας με τη μέθοδο PCA. **Μέρος 1**

Αρχικά θα εφαρμόσετε τον αλγόριθμο σε 2D τεχνητά δεδομένα δύο κλάσεων. Συγκεκριμένα για την άσκηση αυτή θα χρειαστεί να συμπληρώσετε κατάλληλα τον κώδικα στο αρχείο Matlab/Octave script `ex1_2_lda.m` και να το τρέξετε έτσι ώστε αυτό να κάνει τα ακόλουθα:

- Φορτώνει τα δείγματα ως εξής: `load('ex1_3_data1.mat')`. Θα δημιουργηθούν οι μεταβλητές `c` που περιέχει την κλάση και η `X` που περιέχει τα χαρακτηριστικά διανύσματα.
- Θα πρέπει να κάνετε standardization (κανονικοποίηση με $\mu = 0$ και $\sigma = 1$) χρησιμοποιώντας τη συνάρτηση `featureNormalize` που είχατε φτιάξει για το θέμα 1. Σχεδιάστε με διαφορετικό χρώμα τα δείγματα της κάθε κλάσης στην ίδια εικόνα.
- Προσθέστε τον απαραίτητο κώδικα στο αρχείο «`fisherLinearDiscriminant.m`» έτσι ώστε αυτό να υλοποιεί τον αλγόριθμο LDA για προβλήματα 2 κλάσεων.
- Προσθέστε τον κατάλληλο κώδικα στο αρχείο «`projectDataLDA.m`» ώστε τρέχοντας τη συνάρτηση να δημιουργείτε δείγματα μειωμένης διάστασης (1D)
- Προσθέστε τον κατάλληλο κώδικα στο αρχείο «`recoverDataLDA.m`» ώστε να κάνετε ανακατασκευή των δειγμάτων μειωμένης διάστασης στον 2D χώρο προβάλλοντας τα πάνω στην κατεύθυνση του διανύσματος προβολής LDA. Σχεδιάστε πάνω στην ίδια εικόνα τα δείγματα μειωμένης διάστασης όπως προβάλλονται στον 2D χώρο μαζί με τα αρχικά σας δείγματα.
- Εφαρμόστε την αντίστοιχη διαδικασία μείωσης διάστασης με τη μέθοδο PCA όπως την εφαρμόσατε στο θέμα 1. Σχεδιάστε τα δείγματα που προκύπτουν με τη μέθοδο PCA και συγκρίνετε την προβολή τους με την αντίστοιχη LDA.

Μέρος 2

Σ' αυτό το μέρος θα εφαρμόσετε τον αλγόριθμο LDA σε ένα πολύ δημοφιλές dataset στο χώρο της Μηχανικής Μάθησης, τη βάση δεδομένων Iris. Η βάση δεδομένων Iris ή Fisher's Iris, περιέχει 50 δείγματα από 3 διαφορετικά είδη της οικογένειας του λουλουδιού είδους Iris (Iris Setosa, Iris Versicolor, Iris Virginica). Κάθε δείγμα αποτελείται από τέσσερα χαρακτηριστικά/μετρήσεις των λουλουδιών και συγκεκριμένα το μήκος και το πλάτος (σε cm) των σέπαλων και των ανθόφυλλων. Για το συγκεκριμένο dataset προσθέστε κατάλληλα κώδικα ο οποίος θα κάνει τα ακόλουθα:



του

- Φορτώνει τα δείγματα iris ως εξής: `load('fisheriris.mat')`. Δεν χρειάζεται να σας δοθεί το αρχείο `fisheriris.mat`, υπάρχει έτοιμο στο Matlab. Με την παραπάνω εντολή θα δημιουργηθεί η μεταβλητή `meas` που περιέχει τα 150 δείγματα (χαρακτηριστικά διανύσματα) και η μεταβλητή `species` που περιέχει την κλάση για κάθε δείγμα (είναι σε μορφή cell).
- Εφαρμόστε standardization στα δείγματα και ακολούθως σχεδιάστε τα 2 πρώτα χαρακτηριστικά (features) σε ένα 2D γράφημα χρησιμοποιώντας ξεχωριστά χρώματα για κάθε κλάση.
- Προσθέστε τον απαραίτητο κώδικα στη συνάρτηση `myLDA` η οποία θα δέχεται στην είσοδο τα κανονικοποιημένα δείγματα, τα `labels` της κλάσης στην οποία ανήκουν και τον αριθμό των διαστάσεων (`NewDim`) στις οποίες θέλουμε να μειώσουμε το χώρο των χαρακτηριστικών.

Επιλέξτε η νέα διάσταση του διανύσματος των χαρακτηριστικών να είναι $NewDim=2$. Αυτό που θα πρέπει να επιστρέφει είναι ένας πίνακας που να περιέχει στις στήλες του τα διανύσματα προβολής LDA. Για να υλοποιήσετε τη συνάρτηση θα πρέπει να μπορεί να υπολογίζει από τα δεδομένα εισόδου:

- Τις prior πιθανότητες των Κλάσεων
 - Τις μέσες τιμές των Κλάσεων
 - Τον ολικό μέσο
 - Τον πίνακα σκέδασης S_w (Within-Class Scatter Matrix)
 - Τον πίνακα σκέδασης S_b (Between-Class Scatter Matrix)
 - Τον πίνακα $S_w^{-1}S_b$ του γενικευμένου συστήματος ιδιοτιμών στον οποίο θα πρέπει να εφαρμόσετε eigendecomposition. Δηλαδή υπολογίστε ιδιοτιμές και ιδιοδιανύσματα, ταξινομήστε τα με φθίνουσα σειρά ιδιοτιμής και κρατήστε τα ιδιοδιανύσματα που αντιστοιχούν στις μεγαλύτερες $NewDim = 2$ ιδιοτιμές
- d) Στο τέλος εφαρμόστε τα διανύσματα προβολής που υπολογίσατε με την `myLDA` πάνω στα αρχικά σας δείγματα με τη συνάρτηση `projectDataLDA` για να μειώσετε τη διάσταση του σε 2. Σχεδιάστε τα σε ένα γράφημα στο επίπεδο (2D) χρησιμοποιώντας ξεχωριστά χρώματα για τις διαφορετικές κλάσεις.

Θέμα 4: Bayes

Έστω ότι σε ένα πρόβλημα κατηγοριοποίησης σε δύο κλάσεις ω_1 και ω_2 οι εκ των προτέρων πιθανότητες είναι $P(\omega_1)$ και $P(\omega_2)$ αντίστοιχα. Τα δείγματα x που πρέπει να κατηγοριοποιηθούν είναι δισδιάστατα (2D) και οι κλάσεις περιγράφονται από τις ακόλουθες κανονικές κατανομές:

$$P(x|\omega_1) = \mathcal{N}(\mu_1, \Sigma_1), \quad P(x|\omega_2) = \mathcal{N}(\mu_2, \Sigma_2)$$

Όπου

$$\mu_1 = \begin{pmatrix} 3 \\ 3 \end{pmatrix} \quad \Sigma_1 = \begin{pmatrix} 1.2 & -0.4 \\ -0.4 & 1.2 \end{pmatrix}$$

$$\mu_2 = \begin{pmatrix} 6 \\ 6 \end{pmatrix} \quad \Sigma_2 = \begin{pmatrix} 1.2 & 0.4 \\ 0.4 & 1.2 \end{pmatrix}$$

- Βρείτε μια έκφραση για το σύνορο απόφασης (διαχωρισμού)
- Σχεδιάστε μερικές ισοϋψείς καμπύλες των δεσμευμένων πιθανοτήτων $p(x|\omega_i) \in \mathbb{R}^2$ για κάθε κλάση i .
- Υποθέτοντας ότι $P(\omega_2) = 1 - P(\omega_1)$, σχεδιάστε στην ίδια εικόνα τα σύνορα απόφασης για τις ακόλουθες τιμές της εκ των προτέρων πιθανότητας $P(\omega_1) = 0.1, 0.25, 0.5, 0.75, 0.9$.
- Σχολιάστε τα αποτελέσματα. Ποια είναι η μορφή των συνόρων απόφασης και γιατί; Πως επηρεάζεται το σύνορο απόφασης από τις διαφορετικές τιμές της εκ των προτέρων πιθανότητας.
- Επαναλάβετε τις παραπάνω ερωτήσεις υποθέτοντας ότι οι πίνακες συνδιασποράς είναι ίδιοι:

$$\Sigma_1 = \Sigma_2 = \begin{pmatrix} 1.2 & 0.4 \\ 0.4 & 1.2 \end{pmatrix}$$

Θέμα 5: Minimum risk

Έστω ότι σε ένα πρόβλημα κατηγοριοποίησης σε δύο κλάσεις ω_1 και ω_2 οι εκ των προτέρων

πιθανότητες είναι ίσες $P(\omega_1) = P(\omega_2)$. Τα δείγματα x που πρέπει να κατηγοριοποιηθούν είναι μονοδιάστατα (1D) και ακολουθούν κατανομή Rayleigh με συνάρτηση πυκνότητας πιθανότητας που δίνεται από την ακόλουθη σχέση:

$$p(x|\omega_i) = \begin{cases} \frac{x}{\sigma_i^2} e^{-\frac{x^2}{2\sigma_i^2}} & x \geq 0 \\ 0, & x < 0 \end{cases}$$

Με $\sigma_1 = 1$ και $\sigma_2 = 2$. Υπολογίστε το όριο απόφασης x_0 που έχει το μικρότερο ρίσκο, δεδομένου ότι ο πίνακας ρίσκου είναι:

$$\mathbf{L} = \begin{pmatrix} 0 & 0.5 \\ 1.0 & 0 \end{pmatrix}$$