The allmighty ARA cluster

1. Treffen der anonymen Machine Learner Selbsthilfegruppe

Was ist ARA?

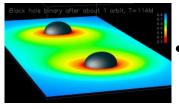
• Thüringens größter Clusterrechner

• Deutschlandweit etwa auf Platz 12 der universitären Großrechnern (nach nächstem Upgrade etwa Platz 10)

ARA-Wiki: https://ara-wiki.rz.uni-jena.de/index.php

Wer ist ARA?

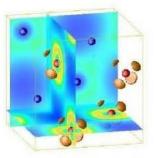
• Im Moment haben nur 6 verschiedene Arbeitsgruppen Zugriff:



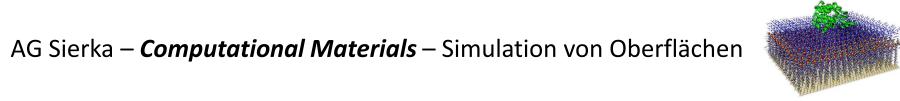
• AG Brügmann – *Theoretische Physik* – Berechnung von Schwarzen Löchern



AG Bücker – Advanced Computing – Algorithmen für High-performance Computing



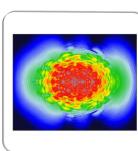
• AG Zumbusch – Wissenschaftliches Rechnen – Simulation von Moleküldynamik/Finanzderivate



• AG Gräfe – *Theoretische Chemie* – Simulation von Stark-Feld-Atom- und Molekülphysik



• AG Marz – *Bioinformatik für Hochdurchsatzverfahren* – Bitcoin Mining

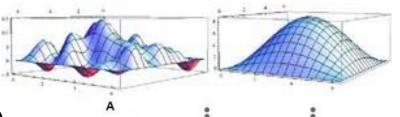


Bist du Mandscha ARA?

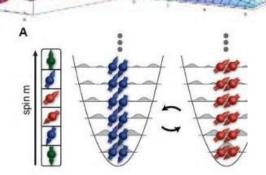
• Demnächst kommen noch 5 weitere Gruppen dazu:



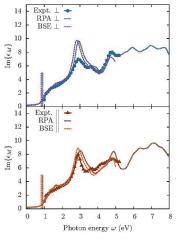
• AG Wipf – *Quantenphysik* – Quantenfeldsimulationen

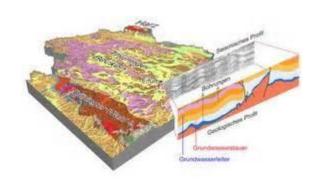


• AG Fritzsch – Business Dynamics – Aktienmanipulation (?)



- AG Gies *Theoretische Physik* Fermionpartikelsysteme
- AG Botti *Theoretische Festkörperphysik* Spektroskopische Simulationen
- AG Kukowski Allgemeine Geophysik Sedimentbeckenanalyse





Wie kann ich mich auf ARA einloggen?

 Komplett im URZ-Netzwerk eingebunden, d. h. kein Zugriff ausserhalb des Uni-Netzwerks möglich

• 2 Login-Nodes:

- ara-login1.rz.uni-jena.de
- ara-login2.rz.uni-jena.de

scp .. user@ara-home1.rz.uni-jena.de ..

Sind gedacht für:

"developing your programs, preparing your jobs and as a gateway for copying data to the cluster"

Nicht für:

"any long-running or memory-hogging programs"

Was läuft auf ARA?

- CentOS Linux 7.2
- CUDA Toolkit 8.0
- GNU Compiler Collection (GCC) für C, C++ und Java
- Intel Parallel Studio XE Cluster Edition
- RougeWave Totalview Debugger
- ...
- Queuesystem SLURM

[user@login01 ~]\$ module avail

[user@login01 ~]\$ module load slurm

Wo liegt was auf ARA?

/home/userID/

NFS System 44 Terabyte

FUEL ENERGY DENSITY IN MEGAJOULES/KG SUGAR COAL FAT GASOLINE URANIUM 76<u>0004</u>00 /beegfs/userID/

BeeGFS Parallel file system 262 Terabyte

(alle Nodes)

/local/

Scratch file system 200 Gigabyte

/beegfs/rna-hta/programs/

source /beegfs/rna-hta/programs/README.sh

SCIENCE TIP: LOG SCALES ARE FOR QUITTERS WHO CAN'T FIND ENOUGH PAPER TO MAKE THEIR POINT PROPERLY.

Was hat ARA so drauf?

• Partitionen:











fat

2 * 24 CPUs = 48 CPUs

> 2 * 1 TB = 2 TB

gpu100

3 * 32 GPUs = 96 GPUs shared

11 * 24 CPUs = 264 CPUs

11 * 500 GB = 5500 GB gpu

7 * 48 GPUs = 336 GPUs standard

114 * 48 CPUs = 5472 CPUs

114 * 500 GB = 57.000 GB

alias nodes='/home/mu42cuq/cores.py'

Wie kann ich jetzt Bitcoins auf ARA minen?

Queuesystem SLURM

• Wichtigste Befehle:

squeue Infos über alle laufenden Jobs auf ARA

sbatch Einen neuen Job submitten

scancel Einen laufenden Job abbrechen

Wie kann ich jetzt Bitcoins auf ARA minen?

• Jobs mit sbatch submitten: Müssen als Bash-Script gestartet werden

#SBATCH	Description
job-name= <jobname></jobname>	Job name
partition=partition	Partition to run the job
nodes=n	Number of nodes
ntasks-per-node= <num></num>	Number of tasks per node
time= <walltime></walltime>	Requested walltime limit
	Possible time formats [hours:]minutes[:seconds]
mem-per-cpu== <mb></mb>	Real memory per CPU in MegaBytes
output= <path></path>	Standard output file
gres=gpu:n	Allocates n GPUs on a node
mail-user= <email></email>	Email address for notifications
mail-type= <mode></mode>	Event types for email notifications
	Possible values BEGIN, END, FAIL,

Wie kann ich jetzt Bitcoins auf ARA minen?

- Jobs mit sbatch submitten: Müssen als Bash-Script gestartet werden
- Parameter im Bash-Script einbauen:

```
#!/bin/bash
#SBATCH --partition=standard
#SBATCH --job-title=bitcoin_mining
#SBATCH --nodes=1
#SBATCH --cpu=48
#SBATCH --time=36:19:05
#SBATCH --mail-user=mu42cuq@uni-jena.de
#SBATCH --mail-type=END
/home/mu42cuq/python3.6 mining.py
```

• 2 wichtige Parameter für die Shared-Nodes:

```
#!/bin/bash
#SBATCH --partition=shared
#SBATCH --mem-per-cpu=20480
#SBATCH --cpus-per-task=4
```

Direkte Parameterübergabe auf der Konsole:

[user@login01 ~]\$ sbatch -p standard -J bitcoin_mining --wrap "python3.6 mining.py" -N 1 -c 48 -t 36:19:05

Gibt es Limitierungen?

- Bis jetzt nur auf den Standard Nodes:
 - Pro User maximal 40 aktive Nodes
 - Pro User maximal 200 Jobs in der Queue

- Auf allen Nodes:
 - Maximal 200 Stunden Laufzeit pro Job
- Momentan werden keinerlei Backups von ARA angelegt

Ansprechpartner:

- Sabine Irmer: sabine.irmer@uni-jena.de
- Jens Schmidt: schmidt.jens@uni-jena.de

 Mailverteiler: So bald man sich das erste Mal auf ARA einloggt, wird man automatisch mit seiner Uni-Mail hinzugefügt

